



등록특허 10-2275107



(19) 대한민국특허청(KR)
(12) 등록특허공보(B1)

(45) 공고일자 2021년07월08일
(11) 등록번호 10-2275107
(24) 등록일자 2021년07월02일

- (51) 국제특허분류(Int. Cl.)
C12N 7/00 (2006.01) *A01N 63/00* (2020.01)
A23K 10/16 (2017.01) *A23K 20/195* (2016.01)
A23L 3/3463 (2017.01) *A23L 3/3571* (2017.01)
A61K 35/76 (2015.01) *A61P 31/04* (2006.01)
C11D 3/38 (2006.01) *C11D 3/48* (2006.01)
C12R 1/91 (2006.01)
- (52) CPC특허분류
C12N 7/00 (2013.01)
A01N 63/00 (2013.01)
- (21) 출원번호 10-2020-0167419(분할)
- (22) 출원일자 2020년12월03일
심사청구일자 2020년12월03일
- (65) 공개번호 10-2020-0139118
- (43) 공개일자 2020년12월11일
- (62) 원출원 특허 10-2018-0164181
원출원일자 2018년12월18일
심사청구일자 2018년12월18일
- (56) 선행기술조사문헌
Acinetobacter phage YMC11/12/R1215, complete genome, GenBank: KP861231.1, 2015.03.17.
US20110038840 A1*

*는 심사관에 의하여 인용된 문헌

전체 청구항 수 : 총 13 항

심사관 : 김정희

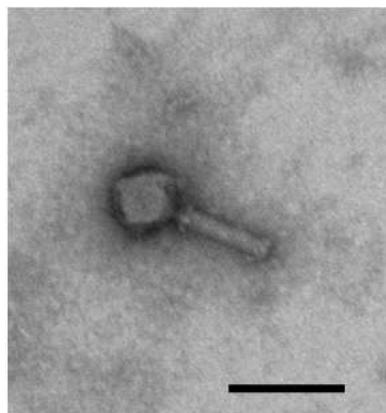
(54) 발명의 명칭 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 속의 세균을 용균하는 신규한 박테리오파지

(57) 요약

본 발명은 아시네토박터 속 세균, 특히는 항생제에 대한 내성을 보이는 아시네토박터 속 세균을 용균시키는 신규한 박테리오파지에 관한 것이다.

본 발명의 박테리오파지는 아시네토박터 속 세균에 의해 유발되는 감염성 질병의 예방 또는 치료, 항생용 조성물, 사료 첨가용 조성물, 사료, 소독제, 또는 세척제 분야에서 다양하게 사용될 수 있다.

대 표 도 - 도1



(52) CPC특허분류

A23K 10/16 (2016.05)
A23K 20/195 (2016.05)
A23L 3/34635 (2013.01)
A23L 3/3571 (2013.01)
A61K 35/76 (2013.01)
A61P 31/04 (2018.01)
C11D 3/38 (2013.01)
C11D 3/48 (2013.01)
C12R 2001/91 (2021.05)

이) 발명을 지원한 국가연구개발사업

과제고유번호	1345263408
과제번호	NRF-2017R1D1A1B03034730
부처명	교육부 / 한국연구재단
과제관리(전문)기관명	연세대학교 산학협력단
연구사업명	이공학개인기초연구지원사업(기본연구)
연구과제명	카바페넴/콜리스틴 내성 병원성 세균인 <i>Acinetobacter baumannii</i> 의 감염증 치료제 개발을 위한 용균성 과제 발굴 및 전임상 평가
기여율	1/1
과제수행기관명	연세대학교 산학협력단
연구기간	2017.06.01 ~ 2020.05.31

명세서

청구범위

청구항 1

아시네토박터 바우마니(*Acinetobacter baumannii*)에 특이적인 사멸능을 가지며, 미오비리대(Myoviridae) 과에 속하는 박테리오파지로,

상기 박테리오파지의 명칭은 YMC15/02/T28_ABA_BP이고, 기탁번호는 KFCC11799P인, 박테리오파지.

청구항 2

제1항에 있어서,

상기 아시네토박터 바우마니는 항생제 내성 세균인, 박테리오파지.

청구항 3

제2항에 있어서,

상기 항생제는 아미카신(amicacin), 앰피실-설백탐(ampicillin-sulbactam), 세프타지딘(ceftazidime), 시프로 플록사신(ciprofloxacin), 세페펩(cefepime), 세포탁심(cefotaxime), 젠타마이신(gentamicine), 이미페넴(imipenem), 레보플록사신(levofloxacin), 메로페넴(meropenem), 피페라실린(piperacillin), 피페라실린-타조 박탐(piperacillin-tazobactam), 코트리목사(cotrimoxa) 및 이의 배합체로 구성된 군으로부터 선택되는 어느 하나 이상인, 박테리오파지.

청구항 4

제1항에 있어서,

상기 박테리오파지는 서열번호 8로 표시되는 염기 서열로 이루어지는, 박테리오파지.

청구항 5

제1항에 있어서,

상기 박테리오파지는 서열번호 9 내지 11 중 어느 하나의 단백질을 포함하는, 박테리오파지.

청구항 6

제1항에 있어서,

상기 박테리오파지는 서열번호 12 내지 14 중 어느 하나로 표시되는 유전자를 포함하는 것인, 박테리오파지.

청구항 7

삭제

청구항 8

삭제

청구항 9

삭제

청구항 10

삭제

청구항 11

삭제

청구항 12

삭제

청구항 13

제1항 내지 제6항 중에서 선택된 어느 한 항의 박테리오파지를 유효성분으로 포함하는, 항생용 조성물.

청구항 14

제1항 내지 제6항 중에서 선택된 어느 한 항의 박테리오파지를 유효성분으로 포함하는, 사료 첨가용 조성물.

청구항 15

제1항 내지 제6항 중에서 선택된 어느 한 항의 박테리오파지를 유효성분으로 포함하는, 음용수 첨가제.

청구항 16

제1항 내지 제6항 중에서 선택된 어느 한 항의 박테리오파지를 유효성분으로 포함하는, 소독제.

청구항 17

제1항 내지 제6항 중에서 선택된 어느 한 항의 박테리오파지를 유효성분으로 포함하는, 세척제.

청구항 18제1항 내지 제6항 중에서 선택된 어느 한 항의 박테리오파지를 유효성분으로 포함하는, 아시네토박터 바우마니 (*Acinetobacter baumannii*)에 의해 유발되는 질환의 예방 또는 치료용 약학적 조성물.**청구항 19**

제18항에 있어서,

상기 아시네토박터 바우마니에 의해 유발되는 질환은 C형 간염, 수족구병, 임질, 클라미디아, 연성하감, 성기단순포진, 첨규콘딜롬, 반코마이신내성황색포도알균감염증, 반코마이신내성장알균감염증, 메티실린내성황색포알균감염증, 다제내성녹농균감염증, 다제내성아시네토박터바우마니균감염증, 카바페넴내성장내속균종감염증, 장관감염증, 급성호흡기감염증 및 엔테로바이러스감염증으로 이루어진 군에서 선택되는 질환인, 약학적 조성물.

발명의 설명**기술 분야**

[0001]

본 발명은 아시네토박터 속 세균, 특히는 항생제에 대한 내성을 보이는 아시네토박터 속 세균을 용균시키는 신규한 박테리오파지에 관한 것이다.

배경 기술

[0002]

세균의 감염은 인간의 질병에서 가장 흔하고 치명적인 원인 중의 하나이다. 페니실린(penicillin) 이후 수많은 종류의 항생제가 개발되어 생체에 외부 침입의 세균 퇴치를 위하여 사용되어 왔다. 그러나 최근에 들어서 이를 항생제에 내성을 가지는 균주들이 등장하여 큰 문제로 여겨진다. 생명에 위협을 가할 수 있는 엔테로코쿠스 패칼리스(*Enterococcus faecalis*), 마이코박테리움 투버콜로시스(*Mycobacterium tuberculosis*) 및 슈도모나스 에루지노사(*Pseudomonas aeruginosa*) 등의 세균 종들은 지금까지 알려진 모든 항생제에 대한 저항력을 키워왔다 (Stuart B. Levy, Scientific American, (1988): 46-53).

[0003]

항생제에 대한 내성(tolerance)은 항생제에 대한 저항성(resistance)과는 구별되는 현상인데, 1970년대에 뉴모코커스(*Pneumococcus sp.*)에서 최초로 발견이 되었으며 페니실린의 작용 기작에 대한 중요한 단서를 제공하였다 (Tomasz et al., Nature, 227, (1970): 138-140). 페니실린, 세팔로스포린(Cephalosporin) 등과 같은 종래의

화학 항생제는 미생물의 세포벽 또는 단백질의 합성 저해에 의하여 항생 작용을 나타낸다. 그러나, 내성을 보이는 좋은 통상적인 농도의 항생제 존재 하에서는 성장을 멈추지만 결과적으로 죽지는 않는다. 내성은 항생제가 세포벽 합성 효소를 저해할 때 오토라이신(autolysin) 등과 같은 세균의 자가분해(autolytic) 효소의 활성이 일어나지 않기 때문에 생기는데, 이러한 사실은 페니실린이 내인성 가수분해 효소(endogenous hydrolytic enzyme)를 활성화시킴으로써 세균을 죽이며 세균은 또한 이들의 활성을 억제해서 항생제 치료 시에도 생존하는 결과를 나타내게 된다. 따라서, 이를 내성 균주를 퇴치할 수 있는 새로운 작용 메커니즘을 가지는 항생제의 개발이 시급한 실정이며 종래의 화학 항생제와 상이한 항생 기전을 나타내는 항생 펩타이드들은 새로운 개념의 차세대 항생제로서 주목을 받고 있다(Zasloff M. Curr Opin Immunol 14(1992): 3-7; Boman, H. G., Cell, 65.205 (1991); Boman, H. G. J Intern Med. 254.3 (2003): 197-215; Hancock, R. E., & Scott, M. G., Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A. 97 (2000): 8856-8861, Zasloff, M., Nature 415 (2002): 389-395).

[0004] 한편, 아시네토박터 바우마니 균(*Acinetobacter baumannii*)은 그람 음성 호기성 구간균으로 많은 병원에서 병원 내 감염의 중요한 원인이 되고 있는데 특히 최근에는 아미노글리코사이드, 세파로스포린, 플루오로퀴놀론, 베타 락타마제 억제제(beta-lactamase inhibitors), 그리고 카바페넴에 대해서 내성을 보이는 다제내성 아시네토박터 바우마니(MRAB)에 의한 감염이 증가하고 있는 실정이다.

[0005] 2010년 동경대학병원에서 아시네토박터 세균의 감염으로 46명이 감염되고 이중 10명이 숨진 사건은 최근 10년 사이 전 세계적으로 급증하고 있는 항생제 내성이 강한 MRAB에 대한 경각심을 불러일으켰고 항생제 개발에 박차를 가하고 있다. 아시네토박터 세균 자체는 물이나 토양 또는 인간의 피부에도 흔하게 존재하며 건강한 사람의 경우 감염돼도 발병하지 않는다. 하지만, 면역력이 떨어진 사람이 감염될 경우 폐렴이나 폐혈증으로 사망할 수 있고, 1990년대부터 미국, 유럽 등에서 늘어나기 시작했으며 2000년부터는 거의 어떤 항생제도 듣지 않는 종류까지 나타났다.

[0006] 통상 다약제내성 아시네토박터 바우마니 균(multi-drug resistant *Acinetobacter baumannii*, MDRAB)은 아미노글리코사이드, 플루오로퀴놀론, 카바페넴 등 3가지 계열의 약제에 모두 내성인 균주를 의미한다. 의료관련 감염의 주요 원인균인 아시네토박터균은 다제내성 때문에 카바페넴이 거의 유일하게 유효한 항균제였으나, 10여 년 간 카바페넴에도 내성인 균주가 증가하면서 감염증 치료에 큰 제한이 생겼다.

[0007] 최근 슈도모나스 에루지노사(*Pseudomonas aeruginosa*)는 내성을 20% 정도인데 비해 아시네토박터 균은 급속히 증가하여 대부분의 대형병원에서 50%를 넘었고 카바페넴 내성을 증가가 아시네토박터균의 증가로 이어져서 2010년 전국 중환자실 의료관련감염률 조사에서 슈도모나스 에루지노사(*Pseudomonas aeruginosa*)를 제치고, MRSA, 엔테로코커스 속 세균(*Enterococcus sp.*)에 이어 원인균 빈도 3위를 차지한다. 따라서 국내 중환자 감염 원인균 중 빈도가 높고 치사율이 높아 치료제 개발이 시급하다.

발명의 내용

해결하려는 과제

[0008] 본 발명의 일 목적은 아시네토박터 속 세균, 특히는 항생제에 대한 내성을 갖는 아시네토박터 속 세균에 대하여 특이적 감염 및 사멸능을 갖는 신규한 박테리오파지를 제공하는 것이다.

[0009] 본 발명의 다른 목적은 아시네토박터 속 세균, 특히는 항생제에 대한 내성을 갖는 아시네토박터 속 세균에 대하여 특이적 감염 및 사멸능을 갖는 신규한 박테리오파지에 의해 유발되는 감염성 질환의 예방 및 치료용 조성물과 질환 개선용 식품 조성물을 제공하는 것이다.

과제의 해결 수단

[0010] 본 발명의 일 구현 예에 따르면, 아시네토박터(*Acinetobacter*) 속 세균에 특이적인 사멸능을 갖는 박테리오파지를 제공한다.

[0011] 본 발명에서, 용어 "박테리오파지(bacteriophage)"는 특정 세균에 감염하여 당해 세균의 성장을 억제하고 저해하는 세균 특이적 바이러스로, 단일 혹은 이중 사슬의 DNA 또는 RNA를 유전 물질로 포함하는 바이러스를 의미한다.

[0012] 본 발명에서 상기 아시네토박터 속 세균은 아시네토박터 바우마니 (*Acinetobacter baumannii*), 아시네토박터 칼코아세티쿠스 (*Acinetobacter calcoaceticus*), 아시네토박터 해모리티쿠스 (*Acinetobacter haemolyticus*), 아시네토박터 주니 (*Acinetobacter junii*), 아시네토박터 존스니 (*Acinetobacter johnsonii*), 아시네토박터 리워

피 (*Acinetobacter lwoffii*), 아시네토박터 라디오레시스텐스 (*Acinetobacter radioresistens*), 아시네토박터 우르신지 (*Acinetobacter ursingii*), 아시네토박터 쉰들러리 (*Acinetobacter schindleri*), 아시네토박터 파르부스 (*Acinetobacter parvus*), 아시네토박터 베이리 (*Acinetobacter baylyi*), 아시네토박터 보우베티 (*Acinetobacter bouvetii*), 아시네토박터 토우너리 (*Acinetobacter towneri*), 아시네토박터 탄도이 (*Acinetobacter tandoi*), 아시네토박터 그리몬티 (*Acinetobacter grimontii*), 아시네토박터 세른버지아 (*Acinetobacter tjernbergiae*) 및 아시네토박터 게르너리(*Acinetobacter gernerii*)군에서 선택되는 어느 1종 이상일 수 있으나, 이에 제한되는 것은 아니다.

- [0013] 본 발명에서 상기 박테리오파지는 아시네토박터 속 세균에 특이적 사멸능을 가지지만, 상기 아시네토박터 속 세균 중에서도 항생제 내성을 가진 아시네토박터 속 세균에 대하여도 특이적 사멸능을 가진다.
- [0014] 본 발명에서 상기 "항생제 내성"은 특정 항생제에 내성을 보여 약효가 듣지 않는 것을 의미하며, 본 발명의 목적상 상기 항생제는 콜리스틴(Colistin), 에리트로마이신(Erythromycin), 앰피실린(Ampicillin), 앰피실린-설백탐(Ampicillin-s μ lbactam), 반코마이신(Vancomycin), 리네졸리드(Linezolid), 메티실린(Methicillin), 옥사실린(Oxacillin), 세포탁심(Cefotaxime), 리팜피신(Rifampicin), 아미카신(Amikacin), 젠타마이신(Gentamicin), 아미카신(Amikacin), 카나마이신(Kanamycin), 토브라마이신(Tobramycin), 네오마이신(Neomycin), 에르타페넴(Ertapenem), 도리페넴(Doripenem), 이미페넴(Imipenem), 이미페넴/실라스타틴(Imipenem/Cilastatin), 메로페넴(Meropenem), 세프타지덤(Ceftazidime), 세페펩(Cefepime), 세프타로린(Ceftaroline), 세프토비프롤(Ceftobiprole), 아즈트레오남(Aztreonam), 피페라실린(Piperacillin), 폴리믹신B(Polymerase B), 시프로플록사신(Ciprofloxacin), 레보플록사신(Levofloxacin), 목시플록사신(Moxifloxacin), 가티플록사신(Gatifloxacin), 피페라실린-타조박탐(piperacillin-tazobactam), 미노사이클린(minocycline), 티게사이클린(Tigecycline), 코트리목사(Cotrimoxa), 이의 배합체 및 이들의 유도체로 구성된 군으로부터 선택되는 어느 하나 이상일 수 있으나, 이에 제한되는 것은 아니다.
- [0015] 본 발명의 일 구체예에서 상기 박테리오파지는 병원 내 하수처리장으로부터 시료를 채취하여 분리한 박테리오파지로서, 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP으로 명명하고, 2018년 11월 15일에 한국미생물보존센터에 기탁번호 KFCC11798P로 기탁된 것일 수 있다.
- [0016] 본 발명의 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP는 육각형 머리에 긴 꼬리를 가지고 있는 미오비리대(Myoviridae) 과에 속함을 확인하였으며, 전체 염기 서열 분석 결과 44,597 bp의 크기를 갖고 전체 ORF의 수는 79개임을 확인하였다.
- [0017] 또한, 본 발명에서 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP는 서열번호 1로 표시되는 염기 서열을 전체 유전자의 전체 또는 일부로써 포함할 수 있다.
- [0018] 또한, 본 발명의 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP는 서열번호 1로 표시되는 염기 서열, 및 상기 염기 서열의 기능적 동등물로 이루어질 수 있다. 상기 기능적 동등물이란 염기 서열의 변형, 치환의 결과, 상기 서열번호 1로 표시되는 염기 서열과 적어도 70% 이상, 바람직하게는 80% 이상, 더욱 바람직하게는 90% 이상, 더더욱 바람직하게는 95% 이상의 서열 상동성을 갖는 것으로, 서열번호 6으로 표시되는 염기 서열과 실질적으로 동질의 생리활성을 나타내는 서열을 의미한다.
- [0019] 또한, 본 발명에서 제공하는 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP는 서열번호 2 내지 4 중 어느 하나의 단백질을 포함하는 것일 수 있다. 본 발명에서 상기 서열번호 2 내지 4 각각은 상기 박테리오파지의 ORF(Open reading frame)로, 상기 서열번호 2로 표시되는 단백질은 엔도리신(endolysin)으로 추정되는 단백질의 아미노산 서열일 수 있고, 상기 서열번호 3으로 표시되는 단백질은 리소자임 유사 도메인(lysosyme-like domain)의 아미노산 서열일 수 있으며, 상기 서열번호 4로 표시되는 단백질은 추정의 꼬리-섬유/리소좀 단백질의 아미노산 서열일 수 있다. 보다 상세하게는 상기 서열번호 2는 ORF38의 아미노산 서열이고, 서열번호 3은 ORF50의 아미노산 서열이며, 서열번호 4는 ORF51의 아미노산 서열일 수 있다.
- [0020] 또한, 본 발명에서 제공하는 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP는 서열번호 5 내지 7 중 어느 하나로 표시되는 유전체를 포함하는 것일 수 있다. 여기서 상기 서열번호 5는 ORF38을 코딩하는 유전체의 염기 서열이고, 서열번호 6은 ORF50을 코딩하는 유전체의 염기 서열이며, 서열번호 7은 ORF51을 코딩하는 유전체의 염기 서열일 수 있다.
- [0022] 본 발명의 다른 구체예에서 상기 박테리오파지는 병원 내 하수처리장으로부터 시료를 채취하여 분리한 박테리오파지로서, 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP으로 명명하고, 2018년 11월 15일에 한국미생물보존센터에 기탁번

호 KFCC11799P로 기탁된 것일 수 있다.

[0023] 본 발명의 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP는 육각형 머리에 긴 꼬리를 가지고 있는 미오비리대 과에 속함을 확인하였으며, 전체 염기 서열 분석 결과 44,580 bp의 크기를 갖고 전체 ORF의 수는 77개임을 확인하였다.

[0024] 또한, 본 발명에서 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP는 서열번호 8로 표시되는 염기 서열을 전체 유전자의 전체 또는 일부로써 포함할 수 있다.

[0025] 또한, 본 발명의 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP는 서열번호 8로 표시되는 염기 서열, 및 상기 염기 서열의 기능적 동등물로 이루어질 수 있다. 상기 기능적 동등물이란 염기 서열의 변형, 치환의 결과, 상기 서열번호 8로 표시되는 염기 서열과 적어도 70% 이상, 바람직하게는 80% 이상, 더욱 바람직하게는 90% 이상, 더더욱 바람직하게는 95% 이상의 서열 상동성을 갖는 것으로, 서열번호 8로 표시되는 염기 서열과 실질적으로 동질의 생리활성을 나타내는 서열을 의미한다.

[0026] 또한, 본 발명에서 제공하는 상기 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP는 서열번호 9 내지 11 중 어느 하나의 단백질을 포함하는 것일 수 있다. 본 발명에서 상기 서열번호 9 내지 11 각각은 상기 박테리오파지의 ORF(Open reading frame)로, 상기 서열번호 9로 표시되는 단백질은 리소자임 유사 도메인(lysozyme-like domain)의 아미노산 서열일 수 있고, 상기 서열번호 10으로 표시되는 단백질은 추정의 꼬리-섬유/리소좀 단백질의 아미노산 서열일 수 있으며, 상기 서열번호 11로 표시되는 단백질은 엔도리신(endolysin) 추정 단백질의 아미노산 서열일 수 있다. 보다 상세하게는 상기 서열번호 9는 ORF7의 아미노산 서열일 수 있고, 상기 서열번호 10은 ORF8의 아미노산 서열일 수 있으며, 서열번호 11은 ORF73의 아미노산 서열일 수 있다.

[0027] 또한, 본 발명에서 제공하는 상기 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP는 서열번호 12 내지 14 중 어느 하나로 표시되는 유전체를 포함하는 것일 수 있다. 여기서 상기 서열번호 12는 ORF7을 코딩하는 유전체의 염기 서열이고, 상기 서열번호 13은 ORF8을 코딩하는 유전체의 염기 서열이며, 상기 서열번호 14는 ORF73을 코딩하는 유전체의 염기 서열일 수 있다.

[0029] 본 발명의 또 다른 구체예에서 상기 박테리오파지는 병원 내 하수처리장으로부터 시료를 채취하여 분리한 박테리오파지로서, 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP으로 명명하고, 2018년 11월 15일에 한국미생물보존센터에 기탁번호 KFCC11802P로 기탁된 것일 수 있다.

[0030] 본 발명의 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 육각형 머리에 긴 꼬리를 가지고 있는 미오비리대 과에 속함을 확인하였으며, 전체 염기 서열 분석 결과 42,555 bp의 크기를 갖고 전체 ORF의 수는 77개임을 확인하였다.

[0031] 또한, 본 발명에서 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 서열번호 15로 표시되는 염기 서열을 전체 유전자의 전체 또는 일부로써 포함할 수 있다.

[0032] 또한, 본 발명의 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 서열번호 15로 표시되는 염기 서열, 및 상기 염기 서열의 기능적 동등물로 이루어질 수 있다. 상기 기능적 동등물이란 염기 서열의 변형, 치환의 결과, 상기 서열번호 15로 표시되는 염기 서열과 적어도 70% 이상, 바람직하게는 80% 이상, 더욱 바람직하게는 90% 이상, 더더욱 바람직하게는 95% 이상의 서열 상동성을 갖는 것으로, 서열번호 15로 표시되는 염기 서열과 실질적으로 동질의 생리활성을 나타내는 서열을 의미한다.

[0033] 또한, 본 발명에서 제공하는 상기 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 서열번호 16 및 17 중 어느 하나의 단백질을 포함하는 것일 수 있다. 본 발명에서 상기 서열번호 16 및 17 각각은 상기 박테리오파지의 ORF(Open reading frame)로, 상기 서열번호 16은 리소자임 유사 도메인(lysozyme-like domain)의 아미노산 서열일 수 있고, 서열번호 17은 리소자임 패밀리 단백질로 추정되는 단백질의 아미노산 서열일 수 있다. 보다 상세하게는 상기 서열번호 16 및 17 각각은 ORF7 및 ORF73으로 리소자임 유사 도메인의 아미노산 서열일 수 있다.

[0034] 또한, 본 발명에서 제공하는 상기 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 서열번호 18 및 19 중 어느 하나로 표시되는 유전체를 포함하는 것일 수 있다. 여기서 상기 서열번호 18은 ORF7을 코딩하는 유전체의 염기 서열이고, 서열번호 19는 ORF73을 코딩하는 유전체의 염기 서열일 수 있다.

[0036] 본 발명에서 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP; 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP; 및 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 열 및 pH에 대한 안정성이 우수한 특성을 가지고 있다.

[0037] 본 발명의 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP; 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP; 및 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 4 내지 60 °C의 범위 내에서 용균 활성이 유지되나, 이에 제한되는 것은 아니다.

- [0038] 또한, 본 발명의 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP; 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP; 및 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 pH 3.0 내지 pH 11.0의 범위, 바람직하게는 pH 5.0 내지 pH 10.0의 범위 내에서 용균 활성이 유지되나, 이에 제한되는 것은 아니다.
- [0039] 상기와 같은 아시네토박터 속 세균 특이적 용균 활성, 내산성 및 내염기성은, 본 발명의 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP; 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP; 및 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP를 아시네토박터 속 세균에 의해 유발되는 감염성 질환의 예방 및 치료용 조성물, 및 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP; 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP; 및 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP를 유효 성분으로 포함하는 다양한 제품에 적용함에 있어, 다양한 pH 범위의 적용이 가능하게 한다.
- [0041] 본 발명의 다른 구현 예에 따르면, 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP; 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP; 또는 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP를 유효 성분으로 포함하는 아시네토박터 속 세균에 의해 유발되는 질환의 예방, 개선 또는 치료용 조성물을 제공한다.
- [0042] 본 발명의 조성물에서 상기 박테리오파지와 상기 아시네토박터 속 세균에 관한 내용은 상기 박테리오파지에서 기재된 바와 중복되어 이하 자세한 기재를 생략한다.
- [0043] 본 발명에서 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP; 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP; 및 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 아시네토박터 속 세균, 특히 항생제 내성 아시네토박터속 세균을 특이적으로 사멸시키므로, 상기 아시네토박터 속 세균에 의해 유발되는 다양한 질환의 치료에 효과를 나타낸다.
- [0044] 본 발명에서 상기 아시네토박터 속 세균에 의해 유발되는 감염성 질환은 C형 간염, 수족구병, 임질, 클라미디아, 연성하감, 성기단순포진, 첨규콘딜롬, 반코마이신내성황색포도알균감염증, 반코마이신내성장알균감염증, 메티실린내성황색포도알균감염증, 다제내성녹농균감염증, 다제내성아시네토박터바우마니균감염증, 카바페넴내성장내속균종감염증, 장관감염증, 급성호흡기감염증 및 엔테로바이러스감염증으로 이루어진 군에서 선택되는 질환이나, 이에 제한되는 것은 아니다.
- [0045] 본 발명의 조성물은 1×10^3 내지 1×10^{10} PFU/mL의 박테리오파지를 포함할 수 있고, 바람직하게는 1×10^6 내지 1×10^9 PFU/mL의 박테리오파지를 포함할 수 있. 본 발명에 사용된 용어, PFU(plaque forming unit)는 박테리오파지가 플라크를 형성하는 것을 수치화한 단위이다.
- [0046] 본 발명에서 용어 "예방"이란 조성물의 투여로 질병을 억제시키거나 발병을 지연시키는 모든 행위를 의미한다.
- [0047] 본 발명에서 용어 "치료"란 조성물의 투여로 상기 질병의 증세가 호전되거나 상기 질병의 억제 또는 경감 및 이롭게 변경되는 모든 행위를 의미한다.
- [0048] 본 발명의 상기 조성물은 약학적 조성물, 식품 조성물 또는 화장료 조성물로 사용될 수 있다.
- [0050] 본 발명의 또 다른 구현 예에 따르면, 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP; 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP; 또는 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP를 유효 성분으로 포함하는, 항생용 조성물을 제공한다.
- [0051] 본 발명에서, 용어 "항생용 조성물"은 약제 형태로 동물에게 제공되어 균을 사멸시킬 수 있는 제제를 의미하며, 방부제, 살균제, 항생제 및 항균제를 총칭하는 것이다.
- [0052] 본 발명의 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP; 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP; 및 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 기존 항생제에 비하여 아시네토박터 속 세균에 대한 특이성이 매우 높고, 동시에 항생제 저항성 균에서도 작용하며, 유익균은 죽이지 않으면서 특정 병원균만 사멸시킬 수 있다. 아울러, 약물 내성 내지 저항성을 유도하지 않아, 기존의 항생 물질에 비하여 제품수명(life cycling)이 긴 신규 항생제로서 이용될 수 있다는 이점이 있다.
- [0054] 본 발명의 또 다른 구현 예에 따르면, 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP; 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP; 또는 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP를 유효 성분으로 포함하는, 사료 첨가용 조성물을 제공한다.
- [0055] 일반적으로, 축산, 수산업에서 사용되는 사료 첨가용 항생제는 질병의 예방 목적으로 사용되고 있는데, 예방 목적의 항생제 투여는 내성균 발생 가능성률을 높이고 가축에 잔류하는 항생제가 사람에게 전달될 수 있어서 문제이다. 항생제가 육류를 통해 인체에 흡수되면 항생제 내성을 유발해 질병의 확산을 부를 수도 있다. 또한, 사료에

섞여 먹이는 항생제의 종류가 많고 이는 다재 내성균 발생 확률이 높아지는 문제점이 있기 때문에 좀 더 자연 친화적이면서도 기존의 항생제의 사용에서 발생한 문제를 해결할 새로운 사료 첨가용 항생 물질로서 본 발명의 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP; 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP; 또는 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP를 이용할 수 있다.

[0056] 또한, 본 발명은 상기 사료 첨가용 조성물을 포함하는 사료를 제공할 수 있으며, 본 발명의 사료는 박테리오파지를 사료 첨가제 형태로 따로 제조하여 사료에 혼합시키거나, 사료 제조 시 직접 첨가시켜 제조할 수 있다. 본 발명의 사료 내 박테리오파지는 액상 또는 건조 상태일 수 있으며, 바람직하게는 건조된 분말 형태이다. 건조 방법은 통풍 건조, 자연 건조, 분무 건조 및 동결 건조가 가능하지만, 이에 제한되는 것은 아니다. 본 발명의 박테리오파지는 분말 형태로 사료 중량의 0.05 내지 10 중량%, 바람직하게는 0.1 내지 2 중량%의 성분비로 혼합될 수 있다. 또한, 상기 사료는 본 발명의 박테리오파지 외에 사료의 보존성을 높일 수 있는 통상의 첨가제들을 추가로 포함할 수 있다.

[0057] 본 발명의 사료 첨가용 조성물에는 비병원성의 다른 미생물이 추가로 첨가될 수 있다. 첨가될 수 있는 미생물로는 단백질 분해 효소, 지질 분해효소 및 당 전환 효소를 생산할 수 있는 바실러스 서브틸리스(*Bacillus subtilis*)와 같은 고초균, 소의 위와 같은 혐기적 조건에서 생리적 활성 및 유기물 분해능이 있는 락토바실러스 균주(*Lactobacillus sp.*), 가축의 체중을 증가시키며 우유의 산유량을 늘리고 사료의 소화 흡수율을 높이는 효과를 보여주는 아스퍼길러스 오리자에(*Aspergillus oryzae*)와 같은 사상균 및 사카로미세스 세레비지에(*Saccharomyces cerevisiae*)와 같은 효모로 구성된 군으로부터 선택될 수 있다.

[0058] 본 발명의 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP; 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP; 또는 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP를 포함하는 사료에는 식물성으로는 곡물류, 균과류, 식품가공 부산물류, 조류, 섬유질류, 제약 부산물류, 유지류, 전분류, 박류, 곡물부산물류 등이 있으며, 동물성으로는 단백질류, 무기물류, 유지류, 광물성류, 유지류, 단세포 단백질, 동물성 플랑크톤류, 남은 음식물 등이 있으며 이에 제한되는 것은 아니다.

[0059] 본 발명의 사료 첨가용 조성물에는 품질 저하를 방지하기 위하여 첨가하는 결착제, 유화제, 보존제 등이 포함될 수 있고, 효용 증대를 위하여 사료에 첨가하는 아미노산제, 비타민제, 효소제, 생균제, 향미제, 비단백태질소화합물, 규산염제, 완충제, 착색제, 추출제, 올리고당 등이 있으며, 그 외에도 사료 혼합제 등을 추가로 포함할 수 있다.

[0061] 본 발명의 또 다른 구현 예에 따르면, 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP; 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP; 또는 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP를 포함하는, 음용수 첨가제를 제공한다.

[0062] 본 발명의 음용수 첨가제는 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP; 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP; 또는 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP 또는 이를 포함하는 조성물을 음용수 첨가제 형태로 따로 제조하여 사료 또는 음용수에 혼합하는 방식으로 사용되거나, 음용수 제조 시 직접 첨가하는 방식으로 사용할 수 있다. 상기와 같이 음용수에 혼합하여 공급함으로써 지속적으로 클렙시엘라 속 세균의 숫자를 감소시킬 수 있는 효과가 있다.

[0063] 본 발명에서 음용수는 특별히 제한되지 아니하며, 당해 기술 분야에서 통상적으로 사용되는 음용수를 사용할 수 있다.

[0065] 본 발명의 또 다른 구현 예에 따르면, 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP; 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP; 또는 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP를 포함하는, 소독제를 제공한다.

[0066] 본 발명의 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP; 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP; 또는 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 아시네토박ter 속 세균에 특이적 사멸능을 가지므로, 본 발명에서는 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP; 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP; 또는 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP를 포함하는 소독제는 병원 감염을 막기 위한 병원 및 보건용의 소독제로 유용하게 사용될 수 있고 일반 생활 소독제, 식품 및 조리 장소 및 설비의 소독제, 양계장, 축사 등의 건물, 축체, 음수, 깔짚, 난좌, 운반차량, 식기 등의 각종 생육 용품의 소독 등에 사용될 수 있다.

[0068] 본 발명의 또 다른 구현 예에 따르면, 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP; 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP; 또는 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP를 포함하는, 세척제를 제공한다.

[0069] 본 발명의 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP; 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP; 또는 박테리오파지

YMC15/09/R1869_ABA_BP는 아시네토박터 속 세균에 특이적 사멸능을 가지므로, 아시네토박터 속 세균에 노출되었거나 노출될 가능성이 있는 개체의 피부 표면 또는 신체 각 부위 등을 세척하는 용도로도 사용될 수 있다.

[0071] 본 발명에 있어서, 상기 약학적 조성물은 캡슐, 정제, 과립, 주사제, 연고제, 분말 또는 음료 형태임을 특징으로 할 수 있으며, 상기 약학적 조성물은 인간을 대상으로 하는 것을 특징으로 할 수 있다.

[0072] 본 발명의 약학적 조성물은 이들로 한정되는 것은 아니지만, 각각 통상의 방법에 따라 산제, 과립제, 캡슐, 정제, 수성 혼탁액 등의 경구형 제형, 외용제, 좌제 및 멸균 주사용액의 형태로 제형화하여 사용될 수 있다. 본 발명의 약학적 조성물은 약제적으로 허용 가능한 담체를 포함할 수 있다. 약제학적으로 허용되는 담체는 경구 투여 시에는 결합제, 활탁제, 봉해제, 부형제, 가용화제, 분산제, 안정화제, 혼탁화제, 색소, 향료 등을 사용할 수 있으며, 주사제의 경우에는 완충제, 보존제, 무통화제, 가용화제, 등장제, 안정화제 등을 혼합하여 사용할 수 있으며, 국소투여용의 경우에는 기제, 부형제, 유행제, 보존제 등을 사용할 수 있다. 본 발명의 약학적 조성물의 제형은 상술한 바와 같은 약제학적으로 허용되는 담체와 혼합하여 다양하게 제조될 수 있다. 예를 들어, 경구 투여 시에는 정제, 트로키, 캡슐, 엘리서(elixir), 서스펜션, 시럽, 웨이퍼 등의 형태로 제조할 수 있으며, 주사제의 경우에는 단위 투약 앰플 또는 다수회 투약 형태로 제조할 수 있다. 기타, 용액, 혼탁액, 정제, 캡슐, 서방형 제제 등으로 제형할 수 있다.

[0073] 한편, 제제화에 적합한 담체, 부형제 및 희석제의 예로는, 락토즈, 텍스트로즈, 수크로즈, 솔비톨, 만니톨, 자일리톨, 에리스리톨, 말디톨, 전분, 아카시아 고무, 알지네이트, 젤라틴, 칼슘 포스페이트, 칼슘 실리케이트, 셀룰로즈, 메틸 셀룰로즈, 미정질 셀룰로즈, 폴리비닐파리돈, 물, 메틸하이드록시벤조에이트, 프로필하이드록시벤조에이트, 탈크, 마그네슘 스테아레이트 또는 광물유 등이 사용될 수 있다. 또한, 충진제, 항응집제, 유행제, 습윤제, 향료, 유화제, 방부제 등을 추가로 포함할 수 있다.

[0074] 본 발명에 따른 약학적 조성물의 투여 경로는 이들로 한정되는 것은 아니지만 구강, 정맥내, 근육내, 동맥내, 골수내, 경막내, 심장내, 경피, 피하, 복강내, 비강내, 장관, 국소, 설하 또는 직장이 포함된다. 경구 또는 비경구 투하가 바람직하다.

[0075] 본 발명에서, "비경구"는 피하, 피내, 정맥내, 근육내, 관절내, 활액낭내, 흉골내, 경막내, 병소내 및 두개골내 주사 또는 주입기술을 포함한다. 본 발명의 약학적 조성물은 또한 직장 투여를 위한 좌제의 형태로 투여될 수 있다.

[0076] 본 발명의 약학적 조성물은 사용된 특정 화합물의 활성, 연령, 체중, 일반적인 건강, 성별, 정식, 투여시간, 투여경로, 배출율, 약물 배합 및 예방 또는 치료될 특정 질환의 중증을 포함한 여러 요인에 따라 다양하게 변할 수 있고, 상기 약학적 조성물의 투여량은 환자의 상태, 체중, 질병의 정도, 약무형태, 투여경로 및 기간에 따라 다르지만 당업자에 의해 적절하게 선택될 수 있고, 1일 0.0001 내지 50mg/kg 또는 0.001 내지 50mg/kg으로 투여 할 수 있다. 투여는 하루에 한번 투여할 수도 있고, 수회 나누어 투여할 수도 있다. 상기 투여량은 어떠한 면으로든 본 발명의 범위를 한정하는 것은 아니다. 본 발명에 따른 의약 조성물은 환제, 당의정, 캡슐, 액제, 젤, 시럽, 슬러리, 혼탁제로 제형될 수 있다.

[0077] 본 발명에서 화장료 조성물은 화장수, 영양로션, 영양에센스, 마사지 크림, 미용 목욕물 첨가제, 바디로션, 바디밀크, 배스오일, 베이비오일, 베이비파우더, 샤워겔, 샤워크림, 선스크린로션, 선스크린크림, 선팁크림, 스킨로션, 스킨크림, 자외선차단용 화장품, 크렌징밀크, 탈모제{화장용}, 페이스 및 바디로션, 페이스 및 바디크림, 피부미백크림, 핸드로션, 헤어로션, 화장용크림, 자스민오일, 목욕비누, 물비누, 미용비누, 샴푸, 손세정제(핸드클리너), 약용비누{비의료용}, 크림비누, 페이셜 워시, 전신 세정제, 두피 세정제, 헤어린스, 화장비누, 치아미백용 젤, 치약 등의 형태로 제조될 수 있다. 이를 위해 본 발명의 조성물은 화장료 조성물의 제조에 통상적으로 사용하는 용매나, 적절한 담체, 부형제 또는 희석제를 더 포함할 수 있다.

[0078] 본 발명의 화장료 조성물 내에 더 추가될 수 있는 용매의 종류는 특별히 한정하지 않으나, 예를 들어, 물, 식염수, DMSO 또는 이들의 조합을 사용할 수 있고, 담체, 부형제 또는 희석제로는 정제수, 오일, 왁스, 지방산, 지방산 알콜, 지방산 에스테르, 계면활성제, 흡습제(humectant), 증점제, 항산화제, 점도 안정화제, 킬레이팅제, 완충제, 저급 알콜 등이 포함되지만, 이에 제한되는 것은 아니다. 또한, 필요에 따라 미백제, 보습제, 비타민, 자외선 차단제, 향수, 염료, 항생제, 항박테리아제, 항진균제를 포함할 수 있다.

[0079] 상기 오일로서는 수소화 식물성유, 피마자유, 면실유, 올리브유, 야자인유, 호호바유, 아보카도유가 이용될 수 있으며, 왁스로는 밀랍, 경랍, 카르나우바, 칸델릴라, 몬탄, 세레신, 액체 파라핀, 라놀린이 이용될 수 있다.

[0080] 상기 지방산으로는 스테아르산, 리놀레산, 리놀렌산, 올레산이 이용될 수 있고, 지방산 알콜로는 세틸 알콜, 옥

틸 도데칸올, 올레일 알콜, 판텐올, 라놀린 알콜, 스테아릴 알콜, 헥사데칸올이 이용될 수 있으며 지방산 에스테르로는 이소프로필 미리스테이트, 이소프로필 팔미테이트, 부틸 스테아레이트가 이용될 수 있다. 계면 활성제로는 당업계에 알려진 양이온 계면활성제, 음이온 계면활성제 및 비이온성 계면활성제가 사용가능하며 가능한 한 천연물 유래의 계면활성제가 바람직하다.

[0081] 그 외에도 화장품 분야에서 널리 알려진 흡습제, 증점제, 항산화제 등을 포함할 수 있으며, 이들의 종류와 양은 당업계에 공지된 바에 따른다.

[0082] 본 발명의 식품 조성물은 각종 식품류, 예를 들어, 음료, 껌, 차, 비타민 복합제, 분말, 과립, 정제, 캡슐, 과자, 떡, 빵 등의 형태로 제조될 수 있다. 본 발명의 식품 조성물은 독성 및 부작용이 거의 없는 식물추출물로 구성된 것이므로 예방 목적으로 장기간 복용 시에도 안심하고 사용할 수 있다.

[0083] 본 발명의 박테리오파지가 식품 조성물에 포함될 때 그 양은 전체 중량의 0.1 내지 50%의 비율로 첨가할 수 있다.

[0084] 여기서, 상기 식품 조성물이 음료 형태로 제조되는 경우 지시된 비율로 상기 식품 조성물을 함유하는 것 외에 특별한 제한점은 없으며 통상의 음료와 같이 여러가지 향미제 또는 천연 탄수화물 등을 추가 성분으로서 함유할 수 있다. 즉, 천연 탄수화물로서 포도당 등의 모노사카라이드, 과당 등의 디사카라이드, 슈크로스 등의 및 폴리사카라이드, 텍스트린, 시클로텍스트린 등과 같은 통상적인 당 및 자일리톨, 소르비톨, 에리트리톨 등의 당알콜 등을 포함할 수 있다. 상기 향미제로서는 천연 향미제(타우마틴, 스테비아 추출물(예를 들어 레바우디오시드 A, 글리시르히진등) 및 합성 향미제(사카린, 아스파르탐 등) 등을 들 수 있다.

[0085] 그 외 본 발명의 식품 조성물은 여러 가지 영양제, 비타민, 광물(전해질), 합성 풍미제 및 천연 풍미제 등의 풍미제, 착색제, 펙트산 및 그의 염, 알긴산 및 그의 염, 유기산, 보호성 콜로이드 증점제, pH 조절제, 안정화제, 방부제, 글리세린, 알콜, 탄산 음료에 사용되는 탄산화제 등을 함유할 수 있다.

[0086] 이러한 성분은 독립적으로 또는 조합하여 사용할 수 있다. 이러한 첨가제의 비율은 그렇게 중요하진 않지만 본 발명의 조성물 100 중량부 당 0.1 내지 약 50 중량부의 범위에서 선택되는 것이 일반적이다.

발명의 효과

[0087] 본 발명에서 제공하는 신규한 박테리오파지는 기존의 항생제 등의 화학물질에 비해 아시네토박터 속 세균, 항생제에 대하여 내성을 갖는 아시네토박터 속 세균에 대하여 특이적 사멸능을 가진다.

[0088] 또한, 본 발명의 박테리오파지는 사람, 동물, 식물 등 세균외의 다른 숙주는 감염시키지 않으므로, 항생제의 오남용으로 인한 항생제 내성균의 문제점, 식품 내의 항생제의 잔류 문제, 광범위한 숙주범위의 문제점을 해결할 수 있는 장점이 있다.

[0089] 따라서, 본 발명의 박테리오파지는 아시네토박터 속 세균에 의해 유발되는 감염성 질환의 예방 또는 치료, 항생용 조성물, 사료 첨가용 조성물, 사료, 소독제, 또는 세척제 분야에서 다양하게 사용될 수 있다.

도면의 간단한 설명

[0090] 도 1은 본 발명의 일 실시예에 따른 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP의 전자 현미경 촬영 사진을 나타낸 것이다.

도 2는 본 발명의 일 실시예에 따른 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP의 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 속 세균에 대한 흡착능을 그래프로 나타낸 것이다.

도 3은 본 발명의 일 실시예에 따른 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 속 세균에 대한 용균성 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP의 1단 증식 곡선을 나타낸 것이다.

도 4는 본 발명의 일 실시예에 따른 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP의 생체 외에서 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 속 세균에 대한 용균능을 그래프로 나타낸 것이다.

도 5는 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 속 세균으로 감염시킨 꿀벌부채명나방 유충에 본 발명의 일 실시예에 따른 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP를 처리한 뒤 상기 유충의 생존율의 변화를 그래프로 나타낸 것이다.

도 6은 본 발명의 일 실시예에 따른 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 속 세균에 대한 용균성 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP의 pH 안정성을 그래프로 나타낸 것이다.

도 7은 본 발명의 일 실시예에 따른 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 속 세균에 대한 용균성 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP의 온도 안정성을 그래프로 나타낸 것이다.

도 8은 본 발명의 일 실시예에 따른 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP의 전체 유전체 서열 분석 결과를 나타낸 것이다.

도 9는 본 발명의 일 실시예에 따른 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP의 전자 현미경 촬영 사진을 나타낸 것이다.

도 10은 본 발명의 일 실시예에 따른 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP의 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 속 세균에 대한 흡착능을 그래프로 나타낸 것이다.

도 11은 본 발명의 일 실시예에 따른 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 속 세균에 대한 용균성 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP의 1단 증식 곡선을 나타낸 것이다.

도 12는 본 발명의 일 실시예에 따른 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP의 생체 외에서 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 속 세균에 대한 용균능을 그래프로 나타낸 것이다.

도 13은 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 속 세균으로 감염시킨 꿀벌부채명나방 유충에 본 발명의 일 실시예에 따른 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP를 처리한 뒤 상기 유충의 생존율의 변화를 그래프로 나타낸 것이다.

도 14는 본 발명의 일 실시예에 따른 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 속 세균에 대한 용균성 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP의 pH 안정성을 그래프로 나타낸 것이다.

도 15는 본 발명의 일 실시예에 따른 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 속 세균에 대한 용균성 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP의 온도 안정성을 그래프로 나타낸 것이다.

도 16은 본 발명의 일 실시예에 따른 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP의 전체 유전체 서열 분석 결과를 나타낸 것이다.

도 17은 본 발명의 일 실시예에 따른 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP의 전자 현미경 촬영 사진을 나타낸 것이다.

도 18은 본 발명의 일 실시예에 따른 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP의 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 속 세균에 대한 흡착능을 그래프로 나타낸 것이다.

도 19는 본 발명의 일 실시예에 따른 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 속 세균에 대한 용균성 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP의 1단 증식 곡선을 나타낸 것이다.

도 20은 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니로 감염시킨 꿀벌부채명나방 유충에 본 발명의 일 실시예에 따른 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP를 처리한 뒤 상기 유충의 생존율의 변화를 그래프로 나타낸 것이다.

도 21은 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니로 감염시킨 마우스에 본 발명의 일 실시예에 따른 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP를 처리한 뒤 상기 마우스의 폐 내 상기 아시네토박터 바우마니의 균 수의 변화를 그래프로 나타낸 것이다.

도 22는 본 발명의 일 실시예에 따른 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 속 세균에 대한 용균성 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP의 pH 안정성을 그래프로 나타낸 것이다.

도 23은 본 발명의 일 실시예에 따른 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 속 세균에 대한 용균성 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP의 온도 안정성을 그래프로 나타낸 것이다.

도 24는 본 발명의 일 실시예에 따른 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP의 전체 유전체 서열 분석 결과를 나타낸 것이다.

발명을 실시하기 위한 구체적인 내용

[0091] 이하, 본 발명을 하기의 실시예에 의해 상세히 설명한다. 단, 하기 실시예는 본 발명을 예시하는 것일 뿐, 본 발명의 내용이 하기 실시예에 의해 한정되는 것은 아니다.

실시예

[0095] [실시예 1] 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP

1. 임상검체 분리 및 항생제 내성 균주 선별

[0097] 하기 표 1과 같이 대학 병원의 ICU(intensive care unit) 혈액과 임상 검체 등으로부터 아시네토박터 바우마니 (*Acinetobacter baumannii*) 세균을 분리하여 배양하였다. 균주 동정은 키트/ ATB 32 GN 시스템 (bioMérieux, Marcy l'Etoile, France)을 이용하여 수행하였다. 그 뒤, 항생제 감수성 시험은 뮬러-힌튼(Mueller-Hinton) agar를 사용하여 외기 37 °C에서 하룻밤 동안 배양하는 CLSI 디스크 확산 시험 방법을 사용하였고, 시험 항생제는 아미카신(amicin), 앰피실린-설백탐(ampicillin-sulbactam), 세프타지딘(ceftazidime), 시프로플록사신(ciprofloxacin), 콜리스틴(colistin), 세페펩(cefepime), 세포탁심(cefotaxime), 젠타마이신(gentamicine), 이미페넴(imipenem), 레보플록사신(levofloxacin), 메로페넴(meropenem), 미노사이클린(minocycline), 피페라실린(piperacillin), 피페라실린-타조박탐(piperacillin-tazobactam), 코트리목사(cotrimoxa) 및 티게사이클린(tigecycline)을 사용하였다. 감수성 결과는 Clinical and Laboratory Standards Institute (CLSI, 2016)를 기준으로 판독하였다. 수집된 아시네토박터 바우마니(*Acinetobacter baumannii*) 균주의 항생제 내성 프로파일은 하기 표 2에 나타내었다. 단, 하기 표 2에서 S, I 및 R은 항균제에 대한 감수성을 평가한 결과로, 'S'는 민감(Susceptible), 'I'는 중간(Intermediate), 'R'은 내성(Resistant)을 의미한다.

표 1

숙주 균주	시료 유래	숙주 균주	시료 유래
YMC15/01/P186	흡입 헤드 (Aspirate Head)	YMC15/04/R1148	기관 튜브 텁
YMC15/01/R2319	가래 (pneumonia)	YMC15/04/R68	가래 (pneumonia)
YMC15/01/P760	스왑 또는 배액관	YMC15/04/P369	
YMC15/01/R3872	기관 흡입 (pneumonia)	YMC15/04/R663	가래 (pneumonia)
YMC15/02/R923	가래 (pneumonia)	YMC15/04/T132	
YMC15/02/R830	가래 (pneumonia)	YMC15/04/R1427	가래 (pneumonia)
YMC15/02/R1418	가래 (pneumonia)	YMC15/04/U2285	Random Urine
YMC15/02/R2403	가래 (pneumonia)	YMC15/04/R2498	가래 (pneumonia)
YMC15/02/R3331	가래 (pneumonia)	YMC15/05/R1603	가래 (pneumonia)
YMC15/02/P701	스왑 또는 배액관 다리	YMC15/05/R1818	가래 (pneumonia)
YMC15/03/R2284	가래 (pneumonia)	YMC15/05/R2554	기관 흡입 (pneumonia)
YMC15/03/R2817	가래 (pneumonia)	YMC15/05/R3556	가래 (pneumonia)
YMC15/03/P828	스왑 또는 배액관 골반	YMC15/06/R675	가래 (pneumonia)
YMC15/03/B10119	Blood	YMC15/08/R1402	기관 흡입 (pneumonia)
YMC15/03/R3835	가래 (pneumonia)	YMC15/08/R1398	가래 (pneumonia))
YMC15/03/R4022	가래 (pneumonia)	YMC15/08/R1719	기관 튜브 텁

표 2

속주 군주	아미카 신	엔 피 실 린 - 설 비 린	세 포 다 지 털	시 포 로 를 록 사 신	롤 리 스 틴	세 포 체 점	세 포 탁 심	챈 타 마 이 신	이 미 페 넴	레 보 를 록 사 신	메 토 페 넴	미 노 시 클 린	피 페 라 실 린	피페라 실린/타 조박탐	코 트 리 목 사	티 게 사 이 클 린
YMC15 /01/P 186	6 R	≥ 3 2 R	≥ 64 4 R	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	160 R	2 S
YMC15 /01/B 2319	6 R	1 6 I	≥ 64 4 R	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≥ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	1 S
YMC15 /01/P 760	6 R	≥ 3 2 R	≥ 64 4 R	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	2 S
YMC15 /01/R 3872	6 R	≥ 3 2 B	≥ 64 4 R	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≥ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	2 S
YMC15 /02/R 923	6 R	1 6 I	≥ 64 4 R	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≥ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	160 R	2 S
YMC15 /02/R 830	6 R	≥ 3 2 R	≥ 64 4 R	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	2 S
YMC15 /02/R 1418	6 R	≥ 3 2 R	≥ 64 4 R	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≥ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	≥ 8 R
YMC15 /02/R 2403	6 R	8 S	≥ 64 4 R	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	≥ 8 R
YMC15 /02/R 3331	6 R	≥ 3 2 R	≥ 64 4 R	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	2 S
YMC15 /02/P 701	6 R	1 6 I	≥ 64 4 R	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	160 R	2 S
YMC15 /02/R 2284	6 R	1 6 I	≥ 64 4 R	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 6 4 R	≥ 8 I	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≤ 2 0 S	2 S
YMC15 /03/R 2817	6 R	8 S	≥ 64 4 R	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	160 R	2 S

[0099]

						R										
YMC15 /03/P 828	6 R	1 I	≥ 6 64 R	≥ 4 R	≤ .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	4 I	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≤ 2 0 S	1 S
YMC15 /03/B 10119	6 R	1 I	≥ 6 64 R	≥ 4 R	≤ .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	8 I	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	4 I
YMC15 /03/B 3835	19 S	≥ 3 2 R	≥ 64 R	≥ 4 S	≤ .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 2 S	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≤ 2 0 S	2 S
YMC15 /03/R 4022	6 R	1 I	≥ 6 64 R	≥ 4 R	≤ .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	2 S
YMC15 /04/B 1148																
YMC15 /04/B 68																
YMC15 /04/P 369																
YMC15 /04/B 663	8 R	1 I	≥ 6 64 R	≥ 4 R	≤ .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≤ 1 S	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≤ 2 0 S	2 S
YMC15 /04/T 132																
YMC15 /04/B 1427	6 R	1 I	≥ 6 64 R	≥ 4 R	≤ .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	160 R	2 S
YMC15 /04/T 2285	6 R	≥ 3 2 R	≥ 64 R	≥ 4 R	≤ .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	2 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	≥ 8 R
YMC15 /04/B 2498	6 R	1 I	≥ 6 64 R	≥ 4 R	≤ .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	2 S
YMC15 /05/R 1603	6 R	≥ 3 2 R	≥ 64 R	≥ 4 R	≤ .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	2 S
YMC15 /05/R 1818	6 R	≥ 3 2 R	≥ 64 R	≥ 4 R	≤ .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	2 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≤ 2 0 S	2 S

YMC15 /05/R 2554	6 R	≥ 3 2 R	≥ 64 R	≥ 4 R	≤ .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	2 S
YMC15 /05/R 3556	6 R	8 S	≥ 64 R	≥ 4 R	≤ .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	160 R	2 S
YMC15 /06/R 675	6 R	1 I	≥ 6 64 R	≥ 4 R	≤ .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	160 R	2 S
YMC15 /08/R 1402	6 R	1 I	≥ 6 64 R	≥ 4 R	≤ .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	160 R	2 S
YMC15 /08/R 1398	6 R	≥ 3 2 R	≥ 64 R	≥ 4 R	≤ .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≥ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	4 I
YMC15 /08/R 1719	22 S	1 I	≥ 6 64 R	≥ 4 R	≤ .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 2 S	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	4 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	2 S

[0100]

[0101]

[0102]

상기 표 2에서 보는 바와 같이, 수집된 아시네토박터 바우마니(*Acinetobacter baumannii*) 32개 군주는 다양한 항생제에 대하여 내성을 가지는 다재내성 군주임을 알 수 있었다.

[0104]

2. 박테리오파지 검체 수집

[0105] 2-1. 파지 은행 구축을 위한 검체 수집

[0106] 세브란스 병원의 하수 처리시설에서 최초 침전지 거친 후 부유물질 및 침사물이 제거된 원수를 확보하였다. 이는 화학 처리 시설 전 단계의 하수로 제한하였다. 수집한 시료에 1 L 당 염화나트륨 58 g을 첨가한 후 10,000 g에서 10 분간 원심 분리하여 220 nm 밀리포어 필터로 여과하였다. 얻어진 여과액에 폴리에틸렌글리콜(PEG, 분자량 8000)을 10 % W/V으로 첨가하고 4 °C에서 12 시간 동안 냉장 보관하였다. 12 시간 냉장 보관된 여과액을 12,000 g에서 20 분간 원심 분리하여 침전물을 파지 희석 완충액 (SM 완충액)에 재부유한 뒤, 동일한 양의 클로로포름을 첨가하여 냉동 보관하였다. 이를 3 회 반복하여 300 mL의 박테리오파지 부유액을 채취하였다.

[0108] 2-2. 용균성 파지 선별 및 용균역가 측정

[0109] 용균성 파지의 분리 정제는 스팟 테스트(Spot Test)법 (Mazzocco A et al. In Bacteriophages, Clokie and Kropinski AM, eds. Humana Press. 2009)으로 실행하였다. 확보된 균주를 맥콘키 한천배지에서 접종 후 외기 35°C에서 하룻밤 동안 배양하였다. 배양 후, 투명한 플라크 형성을 보고 파지에 감수성인 균주를 선별하였다. 감수성인 균주를 맥콘키 한천 배지에 접종하여 35 °C에서 12 시간 동안 배양하였다. 살린 1 mL 튜브에 McFarland 0.5 탁도로 각 균주의 혼탁액 제조하고 H 탑 아가 (3 mL), 감수성 박테리아 100 µL 및 파지 용액 (각각 1 µL, 10 µL 및 50 µL)을 섞어 LB 아가에 도포한 후, 35 °C에서 12시간 동안 배양하였다. 플라크 관찰한 후에 파스퇴르 파이펫으로 플라크를 채취하여 SM 완충 용액에 희석하고, 다시 감수성인 균주 혼탁액을 이용하여 3 회 반복 정제하였다. 이렇게 얻어진 순수한 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP는 SM 완충 용액에 희석하고 다시 감수성인 균주 혼탁액을 이용하여 3회 반복 정제하였다. 이렇게 얻어진 순수한 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP는 SM 완충 용액에 희석하여 보관하였다.

[0110] 상기 1.에서 확인한 항생제 내성 아시네토박터 바우마니(*Acinetobacter baumannii*) 32개 균주 각각을 맥콘키 한천배지에서 접종하여 배양한 후, 상기 과정에 의해 정제된 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP를 도말된 각각의 내성 균주에 5 µL로 접종하여 플라그 형성을 확인하고, 역가 범위를 확인하여, 용균성을 하기 표 3에 나타내었다. 단, 하기 표 3에서 + 및 -는 수집된 균주에 대한 플라크 활성을 평가한 것으로, '+'는 투명한 플라크(clear plaque)를 의미하고, '-'는 용균이 일어나지 않은 것을 의미한다.

표 3

숙주 균주	용균 여부	숙주 균주	용균 여부
YMC15/01/P186	++	YMC15/04/R1148	++
YMC15/01/R2319	++	YMC15/04/R68	++
YMC15/01/P760	++	YMC15/04/P369	++
YMC15/01/R3872	++	YMC15/04/R663	++
YMC15/02/R923	++	YMC15/04/T132	++
YMC15/02/R830	++	YMC15/04/R1427	++
YMC15/02/R1418	++	YMC15/04/U2285	++
YMC15/02/R2403	++	YMC15/04/R2498	-
YMC15/02/R3331	++	YMC15/05/R1603	++
YMC15/02/P701	++	YMC15/05/R1818	++
YMC15/03/R2284	-	YMC15/05/R2554	++
YMC15/03/R2817	++	YMC15/05/R3556	++
YMC15/03/P828	++	YMC15/06/R675	-
YMC15/03/B10119	++	YMC15/08/R1402	++
YMC15/03/R3835	++	YMC15/08/R1398	++
YMC15/03/R4022	++	YMC15/08/R1719	++

[0113] 상기 표 3에서 보는 바와 같이, 본 발명에 따른 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP는 상당 수의 항생제 내성 아시네토박터 바우마니 균주를 용균 시키는 것을 확인할 수 있었다.

[0115] 3. 항생제 내성 아시네토박터 바우마니 균주에 대한 용균성 박테리오파지의 전자 현미경 분석

[0116] 상기 2.의 방법에 의해 정제된 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP를 감수성 균주 배양 배지(20 mL LB 배지)에 접종 및 배양한 뒤 220 nm 밀리포어 필터로 여과하고, 상청액에 폴리에틸렌글리콜(MW 8,000)을 10%(w/v)의 양으로 첨가한 후 밤새 냉장 보관하였다. 이후 12,000 g의 조건으로 20 분 동안 원심 분리한 뒤, 에너지 여과 투과 전자현미경(Energy-Filtering Transmission Electron Microscope)을 이용하여 상기 박테리오파지

YMC14/01/P262_ABA_BP의 형태를 분석하여, 그 결과를 도 1에 나타내었다.

[0117] 도 1에서 보는 바와 같이, 본 발명에 따른 상기 YMC14/01/P262_ABA_BP 박테리오파지를 모양으로 분류하는 기준으로 보았을 때, 육각형 머리에 긴 꼬리를 가지고 있는 미오비리대(*Myoviridae*) 과에 속하는 것으로 분류하였다.

4. 박테리오파지의 흡착능 및 1단 증식 곡선(One-step growth curve) 분석

[0120] 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주를 OD 값이 0.5가 되도록 배양한 뒤, 아시네토박터 바우마니 균주에 상기 2.에서 정제된 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP를 MOI 0.001로 넣고 상온에서 배양한 뒤, 100 μl 시료를 1, 2, 3, 4, 5분에 1 ml씩 채취하여 LB 배지에 희석한 뒤 플라그 분석을 통해 상기 박테리오파지의 흡착능을 평가하여, 그 결과를 도 2에 나타내었다.

[0121] 또한, 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주를 OD 값이 0.3이 되도록 배양한 뒤, 4 °C에서 5 분 동안 7,000 g로 원심 분리하여 세포를 침전시킨 후, 0.5 ml의 LB 배지에 희석시키고, 상기 2.에서 정제된 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP를 MOI 0.001(titer 10^8 pfu/세포)로 넣고 37 °C에서 5 분 동안 배양하였다. 배양된 혼합 시료를 13,000 g에서 1 분 동안 원심 분리하여 얻어진 펠렛을 10 ml의 LB 배지에 희석시키고 37 °C에서 배양하였다. 배양 도중 10 분마다 시료를 채취하여 플라그 분석을 통해 상기 박테리오파지의 1단 증식 곡선을 평가하여, 그 결과를 도 3에 나타내었다.

[0122] 도 2에서 보는 바와 같이, 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP의 접종 후 5분 이내에 박테리오파지의 99 % 정도가 아시네토박터 바우마니 균주에 흡착하였다(4 분: 6.9%, 10 분: 1.3%, 15 분: 0%).

[0123] 또한, 도 3에서 보는 바와 같이, 1단 증식 곡선 결과 대략 79 PFU/감염 세포의 높은 버스트 사이즈를 나타내었다(0 분: 8 PFU/ml, 100 분: 636 PFU/ml).

[0124] 상기 결과를 통해 본 발명에 따른 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP는 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주에 비교적 빠른 시간 내에 흡착할 수 있고, 79 PFU/감염 세포의 높은 버스트 사이즈를 나타내 항생제 내성 균주의 용균 효과를 발휘하는 것을 알 수 있다.

5. 생체 외 항생제 내성 아시네토박터 속 세균에 대한 박테리오파지의 용균능 검증

[0127] 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주 1×10^9 CFU/ml에 준비된 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP를 1×10^8 CFU/ml(MOI: 0.1), 1×10^9 PFU/ml(MOI: 1), 1×10^{10} PFU/ml(MOI: 10)의 양으로 각각 처리하고 시간 별로 OD 값(파장 600nm)을 측정하였다. 단, 음성 대조군으로는 PBS+SM 버퍼를 처리하여, 그 값을 도 4에 나타내었다.

[0128] 도 4에서 보는 바와 같이, 아시네토박터 바우마니 균주에 대하여 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP를 처리한 경우 OD 값이 감소하였고, MOI 값이 증가할수록 OD 값은 더욱 감소하였으며, 특히 MOI 10일 때 가장 용균능이 높았다.

[0129] 상기 결과를 통해, 본 발명에 따른 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP는 항생제 내성 아시네토박터 바우마니 균주에 대하여 용균성을 갖는 것을 알 수 있다.

6. 생체 내 항생제 내성 아시네토박터 속 세균에 대한 박테리오파지의 용균능 검증

[0132] 3 ~ 4령된 꿀벌부채명나방 유충(*Galleria mellonella larvae*) 200마리를 준비한 뒤, 각 그룹당 10 마리씩 분류하였다. 각 유충에 콜리스틴에 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주를 최소 치사 농도(MLD)로 유충의 복각(proleg)을 통해 주입한 후, 콜리스틴과 상기 2.에서 정제된 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP를 MOI 10 또는 MOI 100으로 혼합 접종한 뒤 72시간까지 매 12 또는 24 시간마다 유충의 생존률을 확인하여 그 결과를 도 5에 나타내었다.

[0133] 도 5에서 보는 바와 같이, 콜리스틴에 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주를 주입한 유충에 본 발명에 따른 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP를 처리한 경우 유충의 생존율이 증가하였고, MOI 값이 증가할수록 유충의 생존율이 더욱 증가하는 것을 확인할 수 있었다. 또한, 콜리스틴에 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주를 주입하지 않고 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP만을 주입한 경우도 건강한 대조군과 그 생존률을 비교할 때 독성이 없는 것을 확인할 수 있었다.

[0134] 상기 결과를 통해, 본 발명에 따른 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP는 생체 내에서도 항생제 내성 아시네토

박터 바우마니 균주에 대하여 용균성을 가지므로, 상기 아시네토박터 바우마니 균주에 의해 유발되는 감염성 질환을 효과적으로 예방, 개선 또는 치료할 수 있는 것을 알 수 있다.

7. 항생제 내성 아시네토박터 바우마니 균주에 대한 박테리오파지의 안정성 평가

본 발명에 따른 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP가 온도 및 알칼리에서 파괴되지 않고 안정성을 유지하는지 확인하였다.

상기 2.의 방법에 의해 정제된 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP 1 μl 를 4, 5, 6, 7, 8, 9 및 10의 pH로 맞춘 SM 버퍼 40 μl 에 넣은 뒤, 37 °C에서 1시간 동안 배양한 뒤 항생제 내성 클렙시엘라 뉴모니아균과 함께 상기 4.의 방법으로 플라크 분석을 실시하여 그 결과를 도 6에 나타내었다.

또한, 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP 용액을 각각 4 °C, 37 °C, 50 °C, 60 °C 및 70 °C에서 배양하는 1 시간 동안 10 분 단위로 각각의 샘플을 아시네토박터 바우마니 균주와 함께 상기 4.의 방법으로 플라크 분석을 실시하여 그 결과를 도 7에 나타내었다.

도 6에서 보는 바와 같이, 본 발명에 따른 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP는 산성, 중성 및 알카리성 모두에서 높은 안정성을 나타내었고, 30 일 동안 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP는 특히 중성(pH 7~8)에서 비교적 안정성을 나타내었다.

또한, 도 7에서 보는 바와 같이, 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP는 70 °C의 고온에서 까지 매우 높은 안정성을 보였다.

8. 항생제 내성 클렙시엘라 속 균에 대한 박테리오파지의 전체 게놈 서열 분석

본 발명에 따른 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP의 특성을 규명하기 위하여 전체 유전자 서열 분석을 Illumina sequencer(Roche)를 통하여 통상의 기술자에게 자명한 전체 게놈 서열 분석 방법을 기초로 분석하여, 그 결과를 도 8 및 표 4에 나타내었다.

표 4

유전체번호	범위(Range)		개시코돈	스트랜드(strand)	길이(bp)	추정 기능(Putative function)	주석 출처(Annotation source)	E-value	NCBI blast P identity (%)	NCBI-Bank accession number
	시작	종료								
ORF 1	95	653	GT G	-	558	ParB/sulfiredoxin	Vibrio phage 1.213.0..10N.2 22.54.F10	4E-65	59	AJR95847.1
ORF 2	686	949	AT G	-	264	hypothetical protein	Acinetobacter phage AbP2	2E-32	96	ASJ78829.1
ORF 3	105 4	123 3	AT G	-	180	fis family transcriptional regulator	Acinetobacter phage WCHABP12	2E-06	45	ARB06798.1
ORF 4	123 6	156 2	AT G	-	327	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMCl1/12/R1215	4E-74	100	AJT61457.1
ORF 5	188 9	222 7	AT G	-	339	AB1gp40	Acinetobacter phage ABI	5E-44	96	AD014411.1
ORF 6	230 0	253 9	AT G	-	240	AB1gp42	Acinetobacter phage ABI	2E-59	96	AD014413.1
ORF 7	258 0	296 7	GT G	-	288	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	3E-56	100	YP_009055433.1
ORF 8	294 8	320 8	AT G	-	261	AB1gp43	Acinetobacter phage ABI	1E-21	42	AD014414.1
ORF 9	320 5	359 1	AT G	-	387	gp69	Escherichia phage EB49	1E-10	56	YP_009018683.1
ORF 10	357 8	415 9	AT G	-	582	AB1gp45	Acinetobacter phage ABI	2E-24	89	AD014416.1
ORF 11	415 6	432 0	AT G	-	165	AB1gp46	Acinetobacter phage ABI	1E-137	98	AD014417.1
ORF 12	431 7	489 2	AT G	-	576	AB1gp47	Acinetobacter phage ABI	2E-134	79	AD014418.1
ORF 13	488 9	565 6	AT G	-	768	AB1gp48	Acinetobacter phage ABI	2E-16	92	AD014419.1
ORF	564	575	AT	-	114	putative bacteriophage	Acinetobacter	2E-99		AFV51531.

[0146]

14	4	7	G			e-associated immunity protein	phage IME-AB2	41		1
ORF 15	575 4	596 6	AT G	-	213	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	0.3 2	41	YP_009055 440.1
ORF 16	603 8	618 7	AT G	-	150	AB1gp50	Acinetobacter phage AB1	3E- 58	91	AD014421. 1
ORF 17	618 4	647 7	AT G	-	294	AB1gp51	Acinetobacter phage AB1	4E- 35	63	AD014422. 1
ORF 18	647 4	674 3	AT G	-	270	putative replicative DNA helicase	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	0	99	YP_009055 443.1
ORF 19	675 4	809 7	AT G	-	134 4	putative primosomal protein	Acinetobacter phage IME-AB2	0	99	AFV51535. 1
ORF 20	810 3	896 9	AT G	-	867	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	2E- 113	100	YP_009055 445.1
ORF 21	896 2	944 1	AT G	-	480	AB1gp54	Acinetobacter phage AB1	2E- 38	87	AD014425. 1
ORF 22	945 4	966 6	AT G	-	213	AB1gp54	Acinetobacter phage AB1	2E- 38	87	AD014425. 1
ORF 23	968 1	100 16	AT G	-	336	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	8E- 76	100	YP_009055 447.1
ORF 24	102 00	103 88	AT G	-	189	AB1gp57	Acinetobacter phage AB1	1E- 21	86	AD014426. 1
ORF 25	105 82	111 69	AT G	+	588	putative HNH homing endonuclease	Acinetobacter phage ABP2	3E- 61	50	ASJ78942. 1
ORF 26	112 22	114 16	AT G	-	195	AB1gp60	Acinetobacter phage AB1	3E- 14	52	AD014431. 1
ORF 27	115 16	123 28	AT G	+	813	putative transcriptional regulator	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	0	100	YP_009055 451.1
ORF	123	126	AT	+	270	AB1gp63	Acinetobacter	6E- 88		AD014434.

[0147]

28	83	52	G				phage ABI	47		1
ORF 29	127 45	130 77	AT G	+	333	AB1gr64	Acinetobacter phage ABI	1E-68	94	AD014435. 1
ORF 30	130 77	132 59	AT G	+	183	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	2E-36	100	YP_008055 454.1
ORF 31	132 55	141 55	AT G	+	900	recombinase	Psychrobacter phage pOW20-A	1E-70	43	YP_007673 324.1
ORF 32	141 52	149 07	AT G	+	756	AB1gr67	Acinetobacter phage ABI	2E-169	97	AD014438. 1
ORF 33	149 08	152 01	AT G	+	294	AB1gr68	Acinetobacter phage ABI	7E-61	96	AD014439. 1
ORF 34	151 98	154 19	AT G	+	222	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	2E-07	43	YP_008055 458.1
ORF 35	154 16	155 77	AT G	+	162	AB1gr70	Acinetobacter phage ABI	3E-29	96	AD014441. 1
ORF 36	155 65	161 37	AT G	+	573	putative nucleoside triphosphate pyrophosphohydrolase	Acinetobacter phage IME-AB2	5E-71	64	AFV51550. 1
ORF 37	161 30	163 60	AT G	+	231	rIIB lysis inhibitor	Caulobacter phage CcrPW	2	33	AK068725. 1
ORF 38	164 53	170 61	AT G	-	609	putative endolysin	Acinetobacter phage WCHABP12	5E-143	98	ARB06760. 1
ORF 39	170 48	173 23	AT G	-	276	AB1gr74	Acinetobacter phage ABI	1E-56	95	AD014445. 1
ORF 40	173 95	176 44	AT G	-	249	AB1gr75	Acinetobacter phage ABI	3E-30	92	AD014446. 1
ORF 41	177 20	195 43	AT G	-	182 4	putative tail fiber protein	Acinetobacter phage WCHABP1	2E-77	88	ARQ94726. 1
ORF 42	195 45	203 90	GT G	-	846	putative tail fiber protein	Acinetobacter phage YMC11/12/B2315	0	99	YP_008003 603.1
ORF	203	209	AT	-	627	AB1gr78	Acinetobacter	8E-	99	AD014449.

[0148]

43	68	94	G				phage ABI	149		1
ORF 44	209 94	221 78	AT G	-	118 5	putative baseplate J- like protein	Acinetobacter phage IME-AB2	0	99	AFV51558. 1
ORF 45	221 75	225 28	AT G	-	354	AB1grp80	Acinetobacter phage ABI	3E- 81	99	AD014451. 1
ORF 46	226 74	233 45	AT G	-	672	putative baseplate assembly protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	2E- 157	100	YP_009055 472.1
ORF 47	233 02	241 92	GT G	-	891	AB1grp82	Acinetobacter phage ABI	0	94	AD014453. 1
ORF 48	243 01	246 42	AT G	-	342	hypothetical protein	Acinetobacter phage WCHABP12	5E- 60	99	AB06749. 1
ORF 49	245 81	251 77	AT G	-	597	AB1grp83	Acinetobacter phage ABI	2E- 139	98	AD014454. 1
ORF 50	251 85	272 33	AT G	-	204 9	lysozyme like domain protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	0	100	YP_009055 475.1
ORF 51	272 36	274 78	GT G	-	243	putative tail- fiber/lysozy- me protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	3E- 52	99	YP_009055 476.1
ORF 52	274 78	279 03	AT G	-	426	AB1grp01	Acinetobacter phage ABI	1E- 37	46	AD014372. 1
ORF 53	279 49	283 98	AT G	-	450	AB1grp02	Acinetobacter phage ABI	2E- 59	58	AD014373. 1
ORF 54	284 11	298 74	AT G	-	146 4	AB1grp03	Acinetobacter phage ABI	0	98	AD014374. 1
ORF 55	298 64	303 58	AT G	-	495	AB1grp04	Acinetobacter phage ABI	3E- 110	98	AD014375. 1
ORF 56	303 55	308 25	AT G	-	471	AB1grp05	Acinetobacter phage ABI	3E- 108	96	AD014377. 1
ORF 57	309 03	311 84	AT G	-	282	putative capsid protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	3E- 55	100	YP_009055 482.1

[0149]

ORF 58	312 32	314 17	AT G	-	186	AB1gp08	Acinetobacter phage AB1	8E- 31	90	AD014379. 1
ORF 59	314 14	319 20	AT G	-	507	putative RNA polymerase	Acinetobacter phage WCHABP12	5E- 98	94	ARB06827. 1
ORF 60	324 27	326 51	AT G	+	225	hypothetical protein	Acinetobacter phage IME-AB2	4E- 47	100	AFV51493. 1
ORF 61	328 19	330 94	AT G	-	276	hypothetical protein	Acinetobacter phage AP22	2E- 58	98	YP_006383 783.1
ORF 62	331 10	335 59	AT G	-	450	AB1gp12	Acinetobacter phage AB1	1E- 84	80	AD014383. 1
ORF 63	335 59	338 97	AT G	-	339	AB1gp13	Acinetobacter phage AB1	3E- 21	43	AD014384. 1
ORF 64	339 77	349 96	AT G	-	102 0	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	0	100	YP_009055 499.1
ORF 65	350 06	354 85	AT G	-	450	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	2E- 110	100	YP_009055 490.1
ORF 66	354 93	368 27	AT G	-	133 5	conserved protein of unknown function	Acinetobacter phage AP22	0	86	YP_006383 778.1
ORF 67	370 41	372 47	AT G	-	207	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	1E- 43	100	YP_009055 493.1
ORF 68	372 37	375 12	AT G	-	276	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	5E- 61	100	YP_009055 494.1
ORF 69	376 11	379 73	AT G	-	363	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	2E- 84	100	YP_009055 495.1
ORF 70	379 70	383 62	AT G	-	393	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC11/12/R1215	1E- 89	100	AJT61472. 1
ORF 71	383 55	387 77	AT G	-	423					
ORF 72	387 391	AT	-	354	hypothetical	Acinetobacter phage YMC-13-	4E-	100	YP_009055	

72	67	20	G			protein	01-C62	88		498.1
ORF 73	392 02	393 12	AT G	-	111	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	3E- 27	100	YP_009055 499.1
ORF 74	393 49	395 13	AT G	-	165	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	7E- 32	100	YP_009055 500.1
ORF 75	402 03	409 73	AT G	-	771	putative head protein	Acinetobacter phage ABP2	0	99	ASJ78923. 1
ORF 76	409 75	424 06	AT G	-	143 1	putative portal protein	Acinetobacter phage WCHABP12	0	96	ARB06806. 1
ORF 77	424 10	437 11	AT G	-	130 2	putative phage terminase large subunit	Acinetobacter phage AP22	0	94	YP_006383 766.1
ORF 78	436 80	440 45	AT G	-	366	INA binding domain	uncultured Mediterranean phage uvMED	2E- 12	41	BA088996. 1
ORF 79	440 38	445 35	TT T	-	498	ParB/sulfur doxin	Vibrio phage 1.213.0..1ON.2 22.54.F10	5E- 58	56	AUR95847. 1

[0150]

[0151]

[0152]

도 8 및 상기 표 4에서 보는 바와 같이, 상기 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP는 선형의 dsDNA(linear

dsDNA)를 포함하며, 79개의 ORF로 구성되어 있었다.

[0153] 본 발명에 따른 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP의 서열을 기준의 박테리오파지의 서열과 대조한 결과, 본 발명에 따른 박테리오파지와 유사성을 갖는 박테리오파지는 검출되지 않았다. 상기 결과를 통해 본 발명에 따른 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP는 기준에 발견되지 않은 신규한 박테리오파지에 해당함을 알 수 있다.

[실시예 2] 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP

1. 임상검체 분리 및 항생제 내성 균주 선별

[0156] 하기 표 5에 나타낸 바와 같이 대학 병원의 ICU(intensive care unit) 혈액과 임상 검체 등으로부터 아시네토박터 바우마니(*Acinetobacter baumannii*) 세균을 분리하여 배양하였다. 균주 동정은 키트/ ATB 32 GN 시스템 (bioMÉrieux, Marcy l'Etoile, France)을 이용하여 수행하였다. 그 뒤, 항생제 감수성 시험은 물러-힌튼 (Mueller-Hinton) 아가를 사용하여 외기 37 °C에서 하룻밤 동안 배양하는 CLSI 디스크 확산 시험 방법을 사용하였고, 시험 항생제는 이미페넴(imipenem), 피페라실린-타조박탐(piperacillin-tazobactam), 엠피실린-설백탐(ampicillin-s μ bactam), 아즈트레오남(aztreonam), 세프타지דים(ceftazidime), 세페펩(cefepime), 세포탁신(cefotaxime), 젠타마이신(gentamicine), 아미카신(amicacin), 시프로플록사신(ciprofloxacin), 레보플록사신(levofloxacin), 티게실린(tigecycline) 및 콜리스틴(colistin)을 사용하였다. 감수성 결과는 Clinical and Laboratory Standards Institute (CLSI, 2016)를 기준으로 판독하였다. 수집된 아시네토박터 바우마니 (*Acinetobacter baumannii*) 균주의 항생제 내성 프로파일은 하기 표 6에 나타내었다. 단, 하기 표 6에서 S, I 및 R은 항균제에 대한 감수성을 평가한 결과로, 'S'는 민감(Susceptible), 'I'는 중간(Intermediate), 'R'은 내성(Resistant)을 의미한다.

표 5

숙주 균주	시료 유래	숙주 균주	시료 유래
YMC15/01/P186	카테터 팁(Other Catheter Tip)	YMC15/04/R1148	가래 (pneumonia)
YMC15/01/R2319	스왑 또는 배액관발	YMC15/04/R68	가래 (pneumonia)
YMC15/01/P760	가래 (pneumonia)	YMC15/04/P369	가래 (pneumonia)
YMC15/01/R3872	둔부 욕창	YMC15/04/R663	가래 (pneumonia)
YMC15/02/R923	혈액	YMC15/04/T132	기관 튜브 팁
YMC15/02/R830	가래 (pneumonia)	YMC15/04/R1427	기관 흡입 (pneumonia)
YMC15/02/R1418	둔부 욕창	YMC15/04/U2285	기관 흡입 (pneumonia)
YMC15/02/R2403	정맥용 카테터 팁	YMC15/04/R2498	스왑 또는 배액관 등
YMC15/02/R3331	가래 (pneumonia)	YMC15/05/R1603	욕창
YMC15/02/P701	정맥용 카테터 팁	YMC15/05/R1818	담즙, PTBD

표 6

숙주 군주	아 미 카 신	엔 피 실 린 - 설 비 팀	세 포 타 지 팀	시 포 로 를 록 사 신	콜 리 스 틴	제 페 팀	제 포 학 심	센 타 마 이 신	이 미 페 넴	레 보 를 록 사 신	메 로 페 넴	미 노 시 클 린	피 페 라 실 린	피 페 라 실 린/ 타 조 박 팀	코 트 리 목 자	티 계 설 린
YMC15/ 02/T28	6 R	1 6 I	≥ 64 R	≥ 4 R	≥1 6 R	32 R	≥ 6 4 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	≤1 S	≥1 28 R	≥128 R	≥3 20 R	2 S
YMC14/ 01/P26 2	6 R	1 6 I	16 I	≥ 4 B	≥0 .5 S	≥64 R	≥ 6 4 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	4 S	≥1 28 R	≥128 R	≥3 20 R	≤0 .5 S
YMC13/ 02/R66 9	6 R	≥ 3 2 R	≥ 64 R	≥ 4 R	≥1 6 R	≥64 R	≥ 6 4 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	≤1 S	≥1 28 R	≥128 R	160 R	1 S
YMC13/ 02/P18 0	6 R	1 6 I	≥ 64 R	≥ 4 R	4 R	≥64 R	≥ 6 4 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	≤1 S	≥1 28 R	≥128 R	160 R	2 S
YMC13/ 02/B19 06	6 R	1 6 I	≥ 64 R	≥ 4 R	4 R	≥64 R	≥ 6 4 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	≤1 S	≥1 28 R	≥128 R	160 R	2 S
YMC13/ 02/R13 80	6 R	≥ 3 2 R	≥ 64 R	≥ 4 R	4 R	32 R	≥ 6 4 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	≤1 S	≥1 28 R	≥128 R	≥3 20 R	2 S
YMC13/ 02/P38 6	6 R	1 6 I	≥ 64 R	≥ 4 R	4 R	≥64 R	≥ 6 4 R	≥1 6 R	≥1 6 R	4 I	≥1 6 R	≤1 S	≥1 28 R	≥128 R	160 R	2 S
YMC13/ 05/T18 0	20 S	≥ 3 2 R	≥ 64 R	≥ 4 R	4 R	≥64 R	≥ 6 4 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	≤1 S	≥1 28 R	≥128 R	160 R	2 S
YMC13/ 05/R13 14	6 R	≥ 3 2 R	≥ 64 R	≥ 4 R	4 R	8 S	≥ 6 4 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	≤1 S	≥1 28 R	≥128 R	≥3 20 R	4 I
YMC13/ 05/T31 7	6 R	≥ 3 2 R	≥ 64 R	≥ 4 R	16 R	8 S	≥ 6 4 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	≤1 S	≥1 28 R	≥128 R	≥3 20 R	2 S
YMC13/ 05/R21 99	6 R	1 6 I	≥ 64 R	≥ 4 R	4 R	≥64 R	≥ 6 4 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	≤1 S	≥1 28 R	≥128 R	≥3 20 R	2 S
YMC13/ 05/R33 08	6 R	≥ 3 2 R	≥ 64 R	≥ 4 R	8 R	8 S	≥ 6 4 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	≤1 S	≥1 28 R	≥128 R	≥3 20 R	2 S

		R				R										
YMC13/ 05/B35 26	6 R	1 6 I	≥ 64 R	≥ 4 R	8 R	≥ 64 R	≥ 6 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	≤1 S	≥1 28 R	≥128 R	≥3 20 R	2 S
YMC13/ 05/B34 38	6 R	4 S	≥ 64 R	≥ 4 R	≥1 6 R	32 R	≥ 6 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	2 S	≥1 28 R	≥128 R	≥3 20 R	≥8 R
YMC13/ 05/B35 36		≥ 3 2 R	≥ 64 R	≥ 4 R	16 R	16 I	≥ 6 R	≥1 6 R	≥1 6 R	4 I	≥1 6 R	≤1 S	≥1 28 R	≥128 R	160 R	≤0 .5 S
YMC13/ 06/B42	6 R	≥ 3 2 R	≥ 64 R	≥ 4 R	16 R	16 I	≥ 6 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	≤1 S	≥1 28 R	≥128 R	160 R	2 S
YMC13/ 06/B63 3	22 S	≥ 3 2 R	≥ 64 R	≥ 4 R	16 R	32 R	≥ 6 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	2 S	≥1 28 R	≥128 R	≥3 20 R	4 I
YMC13/ 12/P15 4	6 R	≥ 3 2 R	≥ 64 R	≥ 4 R	1 S	≥ 64 R	≥ 6 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	8 I	≥1 28 R	≥128 R	≥3 20 R	2 S
YMC13/ 12/P18 0	9 R	≥ 3 2 R	≥ 64 R	≥ 4 R	≥1 6 R	≥ 64 R	≥ 6 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	≤1 S	≥1 28 R	≥128 R	≥3 20 R	≥8 R
YMC13/ 12/P21 7	6 R	≥ 3 2 R	≥ 64 R	≥ 4 R	≥1 6 R	≥ 64 R	≥ 6 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	8 I	≥1 28 R	≥128 R	≥3 20 R	2 S
YMC17/ 08/N 34	6 R	1 6 I	≥ 64 R	≥ 4 R	≥1 6 R	32 R	≥ 6 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	≤1 S	≥1 28 R	≥128 R	≥3 20 R	2 S
YMC17/ 07/U 6299	6 R	1 6 I	16 I	≥ 4 R	≤0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	4 S	≥1 28 R	≥128 R	≥3 20 R	≤0 .5 S
YMC17/ 08/N 153	6 R	≥ 3 2 R	≥ 64 R	≥ 4 R	≥1 6 R	≥ 64 R	≥ 6 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	≤1 S	≥1 28 R	≥128 R	160 R	1 S
YMC17/ 08/N 243	6 R	1 6 I	≥ 64 R	≥ 4 R	≥4 R	≥ 64 R	≥ 6 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	≤1 S	≥1 28 R	≥128 R	160 R	2 S
YMC17/ 08/N 456	6 R	1 6 I	≥ 64 R	≥ 4 R	4 R	≥ 64 R	≥ 6 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	≤1 S	≥1 28 R	≥128 R	160 R	2 S

[0161]

YMC17/ 10/N 291	6 R	≥ 3 2 R	≥ 64 R	≥ 4 R	4 R	32 R	≥ 6 R	≥1 6 R	≥1 6 R	≥8 R	≥1 6 R	≤1 S	≥1 28 R	≥128 R	≥3 20 R	2 S
-----------------------	-----	------------------	--------------	-------------	-----	------	-------------	-----------	-----------	---------	-----------	---------	---------------	--------	---------------	-----

[0162]

[0163] 상기 표 4에서 보는 바와 같이, 수집된 아시네토박터 바우마니(*Acinetobacter baumannii*) 20개 균주는 다양한 항생제에 대하여 내성을 가지는 다재내성 균주임을 알 수 있었다.

[0165]

2. 박테리오파지 검체 수집

[0166]

2-1. 파지 응행 구축을 위한 검체 수집

[0167]

세브란스 병원의 하수 처리시설에서 최초 침전지 거친 후 부유물질 및 침사물이 제거된 원수를 확보하였다. 이는 화학 처리 시설 전 단계의 하수로 제한하였다. 수집한 시료에 1 L 당 염화나트륨 58 g을 첨가한 후 10,000 g에서 10 분간 원심 분리하여 220 nm 밀리포어 필터로 여과하였다. 얻어진 여과액에 폴리에틸렌글리콜(PEG, 분자량 8000)을 10% W/V으로 첨가하고 4 °C에서 12 시간 동안 냉장 보관하였다. 12 시간 냉장 보관된 여과액을 12,000 g에서 20 분간 원심 분리하여 침전물을 파지 희석 완충액 (SM 완충액)에 재부유한 뒤, 동일한 양의 클로로포름을 첨가하여 냉동 보관하였다. 이를 3회 반복하여 300 mL의 박테리오파지 부유액을 채취하였다.

[0169]

2-2. 용균성 파지 선별 및 용균역가 측정

[0170]

용균성 파지의 분리 정제는 스팟 테스트(Spot Test)법 (Mazzocco A et al. In *Bacteriophages, Clokie and Kropinski AM, eds. Humana Press. 2009*)으로 실행하였다. 확보된 균주를 맥콘키 한천배지에서 접종 후 외기

35 °C에서 하룻밤 동안 배양하였다. 배양 후, 투명한 플라크 형성을 보고 파지에 감수성인 균주를 선별하였다. 감수성인 균주를 맥콘키 한천 배지에 접종하여 35 °C에서 12시간 동안 배양하였다. 살린 1 ml 튜브에 McFarland 0.5 탁도로 각 균주의 혼탁액 제조하고 H 탑 아가 (3 ml), 감수성 박테리아 100 µl 및 파지 용액 (각각 1 µl, 10 µl 및 50 µl)을 섞어 LB 아가에 도포한 후, 35 °C에서 12 시간 동안 배양하였다. 플라크 관찰한 후에 파스퇴르 파이펫으로 플라크를 채취하여 SM 완충 용액에 희석하고, 다시 감수성인 균주 혼탁액을 이용하여 3 회 반복 정제하였다. 이렇게 얻어진 순수한 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP는 SM 완충 용액에 희석하고 다시 감수성인 균주 혼탁액을 이용하여 3회 반복 정제하였다. 이렇게 얻어진 순수한 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP는 SM 완충 용액에 희석하여 보관하였다.

[0171] 상기 1.에서 확인한 항생제 내성 아시네토박터 바우마니(*Acinetobacter baumannii*) 균주를 맥콘키 한천배지에서 접종하여 배양한 후, 상기 과정에 의해 정제된 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP를 도말된 각각의 내성 균주에 5 µl로 접종하여 플라그 형성을 확인하고, 역가 범위를 확인하여, 용균성을 하기 표 7에 나타내었다.

[0172] 단, 하기 표 7에서 + 및 -는 수집된 균주에 대한 플라크 활성을 평가한 것으로, '+'는 투명한 플라크(clear plaque)를 의미하고, '-'는 용균이 일어나지 않은 것을 의미한다.

표 7

숙주 균주	용균 여부	숙주 균주	용균 여부
YMC15/02/T28	+	YMC13/05/R2199	-
YMC13/02/R669	+	YMC13/05/R3526	+
YMC13/02/R1380	+	YMC13/06/R42	-
YMC13/02/P386	+	YMC13/06/R633	+
YMC13/05/T180	+	YMC13/12/P154	+

[0175] 상기 표 7에서 보는 바와 같이, 본 발명에 따른 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP는 상당 수의 항생제 내성 아시네토박터 바우마니 균주를 용균 시키는 것을 확인할 수 있었다.

3. 항생제 내성 아시네토박터 바우마니 균주에 대한 용균성 박테리오파지의 전자 현미경 분석

[0177] 상기 2.의 방법에 의해 정제된 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP를 감수성 균주 배양 배지(20 ml LB 배지)에 접종 및 배양한 뒤 220 nm 밀리포어 필터로 여과하고, 상청액에 폴리에틸렌글리콜(MW 8,000)을 10 %(w/v)의 양으로 첨가한 후 밤새 냉장 보관하였다. 이후 12,000 g의 조건으로 20 분 동안 원심 분리한 뒤, 에너지 여과 투과 전자현미경(Energy-Filtering Transmission Electron Microscope)을 이용하여 상기 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP의 형태를 분석하여, 그 결과를 도 9에 나타내었다.

[0179] 도 9에서 보는 바와 같이, 본 발명에 따른 상기 YMC15/02/T28_ABA_BP 박테리오파지를 모양으로 분류하는 기준으로 보았을 때, 육각형 머리에 긴 꼬리를 가지고 있는 미오비리대 과에 속하는 것으로 분류하였다.

4. 박페리오파지의 흡착능 및 1단 증식 곡선(One-step growth curve) 분석

[0182] 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주를 OD 값이 0.5가 되도록 배양한 뒤, 아시네토박터 바우마니 균주에 상기 2.에서 정제된 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP를 MOI 0.001로 넣고 상온에서 배양한 뒤, 100 µl 시료를 1, 2, 3, 4, 5분에 1 ml씩 채취하여 LB 배지에 희석한 뒤 플라그 분석을 통해 상기 박테리오파지의 흡착능을 평가하여, 그 결과를 도 10에 나타내었다.

[0183] 또한, 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주를 OD 값이 0.3이 되도록 배양한 뒤, 4 °C에서 5 분 동안 7,000 g로 원심 분리하여 세포를 침전시킨 후, 0.5 ml의 LB 배지에 희석시키고, 상기 2.에서 정제된 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP를 MOI 0.001(titer 10^8 pfu/cells)로 넣고 37 °C에서 5 분 동안 배양하였다. 배양된 혼합 시료를 13,000 g에서 1 분 동안 원심 분리하여 얻어진 펠렛을 10 ml의 LB 배지에 희석시키고 37 °C에서 배양하였다. 배양 도중 10 분마다 시료를 채취하여 플라그 분석을 통해 상기 박테리오파지의 1단 증식 곡선을 평가하여, 그 결과를 도 11에 나타내었다.

[0184] 도 10에서 보는 바와 같이, 상기 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP의 접종 후 5 분 이내에 박테리오파지의 99 % 정도가 아시네토박터 바우마니 균주에 흡착하였다(10분: 0.24%).

[0185] 또한, 도 11에서 보는 바와 같이, 1단 증식 곡선 결과 424 PFU/감염 세포의 높은 버스트 사이즈를 나타내었다

(10분: 0.24 PFU/ml).

- [0186] 상기 결과를 통해 본 발명에 따른 상기 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP는 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주에 비교적 빠른 시간 내에 흡착할 수 있고, 424 PFU/감염 세포의 높은 버스트 사이즈를 나타내 항생제 내성 균주의 용균 효과를 발휘하는 것을 알 수 있다.
- [0188] 5. 생체 외 항생제 내성 아시네토박터 속 세균에 대한 박테리오파지의 용균능 검증
- [0189] 항생제 내성 아시네토박터 바우마니 균주 1×10^9 CFU/ml에 준비된 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP를 1×10^8 CFU/ml(MOI: 0.1), 1×10^9 PFU/ml(MOI: 1), 1×10^{10} PFU/ml(MOI: 10)의 양으로 각각 처리하고 시간 별로 OD 값(파장 600nm)을 측정하였다. 단, 음성 대조군으로는 PBS+SM 버퍼를 처리하여, 그 값을 도 12에 나타내었다.
- [0190] 도 12에서 보는 바와 같이, 아시네토박터 바우마니 균주에 대하여 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP를 처리한 경우 OD 값이 감소하였고, MOI 값이 증가할수록 OD 값은 더욱 감소하였으며, 특히 MOI 10일 때 가장 용균능이 높았다.
- [0191] 상기 결과를 통해, 본 발명에 따른 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP는 항생제 내성 아시네토박터 바우마니 균주에 대하여 용균성을 갖는 것을 알 수 있다.
- [0193] 6. 생체 내 항생제 내성 아시네토박터 속 세균에 대한 박테리오파지의 용균능 검증
- [0194] 3 ~ 4령된 꿀벌부채명나방 유충(Galleria mellonella larvae) 200 마리를 준비한 뒤, 각 그룹당 10 마리씩 분류하였다. 각 유충에 콜리스틴에 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주를 최소 치사 농도(MLD)로 유충의 복각을 통해 주입한 후, 콜리스틴과 상기 2.에서 정제된 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP를 MOI 10 또는 MOI 100으로 혼합 접종한 뒤 72 시간까지 매 12 또는 24 시간마다 유충의 생존률을 확인하여 그 결과를 도 13에 나타내었다.
- [0195] 도 13에서 보는 바와 같이, 콜리스틴에 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주를 주입한 유충에 본 발명에 따른 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP를 처리한 경우 유충의 생존율이 증가하였고, MOI 값이 증가할수록 유충의 생존율이 더욱 증가하는 것을 확인할 수 있었다. 또한, 콜리스틴에 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주를 주입하지 않고 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP만을 주입한 경우도 건강한 대조군과 그 생존률을 비교할 때 독성이 없는 것을 확인할 수 있었다.
- [0196] 상기 결과를 통해, 본 발명에 따른 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP는 생체 내에서도 항생제 내성 아시네토박터 바우마니 균주에 대하여 용균성을 가지므로, 상기 아시네토박터 바우마니 균주에 의해 유발되는 감염성 질환을 효과적으로 예방, 개선 또는 치료할 수 있는 것을 알 수 있다.
- [0198] 7. 항생제 내성 아시네토박터 바우마니 균주에 대한 박테리오파지의 안정성 평가
- [0199] 본 발명에 따른 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP가 온도 및 일칼리에서 파괴되지 않고 안정성을 유지하는지 확인하였다.
- [0200] 상기 2.의 방법에 의해 정제된 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP 1 μl 를 4, 5, 6, 7, 8, 9 및 10의 pH로 맞춘 SM 버퍼 40 μl 에 넣은 뒤, 37 °C에서 1시간 동안 배양한 뒤 항생제 내성 클렙시엘라 뉴모니아균과 함께 상기 4.의 방법으로 플라크 분석을 실시하여 그 결과를 도 14에 나타내었다.
- [0201] 또한, 상기 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP 용액을 각각 4 °C, 37 °C, 50°C, 60°C 및 70°C에서 배양하는 1시간 동안 10분 단위로 각각의 샘플을 아시네토박터 바우마니 균주와 함께 상기 4.의 방법으로 플라크 분석을 실시하여 그 결과를 도 15에 나타내었다.
- [0202] 도 14에서 보는 바와 같이, 본 발명에 따른 상기 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP는 pH 7.5에 해당하는 중성에서 가장 안정성을 나타내었고, 30일 동안 상기 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP는 중성/알카리성에서 비교적 안정성을 나타내었다.
- [0203] 또한, 도 15에서 보는 바와 같이, 상기 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP는 50°C의 고온에서 까지 매우 높은 안정성을 보였다.
- [0205] 8. 항생제 내성 클렙시엘라 속 균에 대한 박테리오파지의 전체 게놈 서열 분석

[0206]

본 발명에 따른 상기 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP의 특성을 규명하기 위하여 전체 유전자 서열 분석을 Illumina sequencer(Roche)를 통하여 통상의 기술자에게 자명한 전체 게놈 서열 분석 방법을 기초로 분석하여, 그 결과를 도 16 및 표 8에 나타내었다.

표 8

유 전 체 번 호	범위 (Range)		개 시 코 돈	스트 랜드 (stra nd)	길 이 (bp)	추정 기능 (Putative function)	주석 출처 (Annotation source)	E- val ue	NCBI blast P ident ity (%)	NCBI-Bank accesion number
	시 작	종 료								
ORF 1	445	162	AT G	-	118 5	putative baseplate J- like protein	Acinetobacter phage IME-AB2	0	99	AF51558. 1
ORF 2	162 6	197 9	AT G	-	354	AB1gp80	Acinetobacter phage AB1	3E- 81	99	AD014451. 1
ORF 3	212 5	279 6	AT G	-	672	putative baseplate assembly protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	2E- 157	100	YP_009055 472.1
ORF 4	275 3	364 3	GT G	-	891	AB1gp82	Acinetobacter phage AB1	0	94	AD014453. 1
ORF 5	375 2	409 3	AT G	-	342	hypothetical protein	Acinetobacter phage WCHABP12	5E- 60	99	ARB06749. 1
ORF 6	403 2	462 8	AT G	-	597	AB1gp83	Acinetobacter phage AB1	2E- 139	98	AD014454. 1
ORF 7	463 6	668 4	AT G	-	204 9	lysozyme like domain protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	0	100	YP_009055 475.1
ORF 8	668 7	692 9	GT G	-	243	putative tail- fiber/lysozy me protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	3E- 52	99	YP_009055 476.1
ORF 9	692 9	735 4	AT G	-	426	AB1gp01	Acinetobacter phage AB1	1E- 37	46	AD014372. 1
ORF 10	740 0	784 9	AT G	-	450	AB1gp02	Acinetobacter phage AB1	2E- 59	58	AD014373. 1
ORF 11	786 2	932 5	AT G	-	146 4	AB1gp03	Acinetobacter phage AB1	0	98	AD014374. 1
ORF 12	931 5	980 9	AT G	-	495	AB1gp04	Acinetobacter phage AB1	3E- 110	93	AD014375. 1
ORF 13	980 6	102 76	AT G	-	471	AB1gp06	Acinetobacter phage AB1	3E- 108	96	AD014377. 1

[0208]

ORF 14	103 54	106 35	AT G	-	282	putative capsid protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-CE2	3E- 55	100	YP_009055 482.1
ORF 15	106 63	108 68	AT G	-	186	AB1gp08	Acinetobacter phage ABI	8E- 31	90	AD014379. 1
ORF 16	108 65	113 71	AT G	-	507	putative RNA polymerase	Acinetobacter phage WCHABP12	5E- 98	94	ARB06827. 1
ORF 17	118 78	121 02	AT G	+	225	hypothetical protein	Acinetobacter phage IME-AB2	4E- 47	100	AF51493. 1
ORF 18	122 70	125 45	AT G	-	276	hypothetical protein	Acinetobacter phage AP22	2E- 58	98	YP_006363 783.1
ORF 19	125 61	130 10	AT G	-	450	AB1gp12	Acinetobacter phage ABI	1E- 84	80	AD014383. 1
ORF 20	130 10	133 48	AT G	-	389	AB1gp13	Acinetobacter phage ABI	4E- 20	42	AD014384. 1
ORF 21	134 28	144 47	AT G	-	102	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	0	100	YP_009055 489.1
ORF 22	144 57	149 36	AT G	-	480	AB1gp16	Acinetobacter phage ABI	2E- 31	44	AD014387. 1
ORF 23	149 44	162 78	AT G	-	133	AB1gp17	Acinetobacter phage ABI	0	81	AD014388. 1
ORF 24	164 92	166 98	AT G	-	207	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	1E- 43	100	YP_009055 493.1
ORF 25	166 88	169 63	AT G	-	276	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	6E- 61	100	YP_009055 494.1
ORF 26	170 62	174 24	AT G	-	363	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	2E- 84	100	YP_009055 495.1
ORF 27	174 21	178 13	AT G	-	393	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC11/12/R1215	1E- 89	100	AJT61472. 1
ORF 28	178 06	182 28	AT G	-	423					

[0209]

ORF 29	182 18	185 71	AT G	-	354	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	4E-83	100	YP_009055 498.1
ORF 30	186 53	187 63	AT G	-	111	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	3E-27	100	YP_009055 499.1
ORF 31	188 00	189 64	AT G	-	165	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	7E-21	100	YP_009055 500.1
ORF 32	196 54	204 24	AT G	-	771	putative head protein	Acinetobacter phage AbP2	0	99	ASJ78923. 1
ORF 33	204 27	218 57	AT G	-	143 1	putative portal protein	Acinetobacter phage WCHABP12	0	96	ARB06806. 1
ORF 34	218 61	231 62	AT G	-	130 2	putative phage terminase large subunit	Acinetobacter phage AP22	0	94	YP_006383 766.1
ORF 35	231 31	234 96	AT G	-	366	DNA binding domain	uncultured Mediterranean phage uvMED	2E-12	41	BA088996. 1
ORF 36	234 89	246 82	GT G	-	119 4	ParB/sulfure doxin	Vibrio phage 1.213.0..1ON.2 22.54.F10	4E-138	58	AUR95847. 1
ORF 37	247 34	249 97	AT G	-	264	hypothetical protein	Acinetobacter phage AbP2	2E-32	96	ASJ78929. 1
ORF 38	251 02	252 81	AT G	-	180	fis family transcriptional regulator	Acinetobacter phage WCHABP12	2E-06	45	ARB06798. 1
ORF 39	252 84	256 10	AT G	-	327	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC11/12/R1215	4E-74	100	AJT61457. 1
ORF 40	259 37	262 75	AT G	-	339	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	2E-79	100	YP_009055 430.1
ORF 41	263 48	265 87	AT G	-	240	AB1gp40	Acinetobacter phage AB1	5E-44	96	AD014411. 1
ORF	267	270	GT	-	288	AB1gp42	Acinetobacter	2E-	96	AD014413.

[0210]

42	28	15	G				phage AB1	59		1
ORF 43	269 95	272 56	AT G	-	251	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-O1-C62	3E-55	100	YP0090554 33.1
ORF 44	272 53	276 39	AT G	-	337	AB1gp43	Acinetobacter phage AB1	1E-21	42	AD014414. 1
ORF 45	276 26	282 07	AT G	-	532	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-O1-C62	5E-141	100	YP_009055 435.1
ORF 46	282 04	283 68	AT G	-	165	AB1gp45	Acinetobacter phage AB1	2E-24	89	AD014416. 1
ORF 47	283 65	289 40	AT G	-	576	AB1gp46	Acinetobacter phage AB1	1E-137	98	AD014417. 1
ORF 48	289 37	297 04	AT G	-	768	AB1gp47	Acinetobacter phage AB1	2E-134	79	AD014418. 1
ORF 49	296 92	298 06	AT G	-	114	AB1gp48	Acinetobacter phage AB1	2E-16	92	AD014419. 1
ORF 50	298 02	300 14	AT G	-	213	putative bacteriophage-associated immunity protein	Acinetobacter phage IME-AB2	2E-41	99	AFV51531. 1
ORF 51	300 85	302 35	AT G	-	150	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-O1-C62	3E-01	41	YP_009055 440.1
ORF 52	302 32	305 25	AT G	-	294	AB1gp50	Acinetobacter phage AB1	3E-58	91	AD014421. 1
ORF 53	305 22	307 91	AT G	-	270	AB1gp51	Acinetobacter phage AB1	4E-35	63	AD014422. 1
ORF 54	308 02	321 45	AT G	-	134 4	putative replicative RNA helicase	Acinetobacter phage YMC-13-O1-C62	0	99	YP_009055 443.1
ORF 55	321 51	330 17	AT G	-	867	putative primosomal protein	Acinetobacter phage IME-AB2	0	99	AFV51535. 1
ORF 56	330 10	334 89	AT G	-	430	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-	2E-113	100	YP_009055 445.1

[0211]

						01-C62				
ORF 57	335 02	337 14	AT G	-	213	AB1gr54	Acinetobacter phage ABI	2E- 38	87	AD014425. 1
ORF 58	337 29	340 64	AT G	-	396	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	8E- 76	100	YP_009055 447.1
ORF 59	342 48	344 36	AT G	-	189	AB1gr57	Acinetobacter phage ABI	1E- 21	86	AD014428. 1
ORF 60	346 30	352 17	AT G	+	588	putative HNH homing endonuclease	Acinetobacter phage AbP2	3E- 61	50	ASJ76942. 1
ORF 61	352 70	354 64	AT G	-	195	AB1gr60	Acinetobacter phage ABI	3E- 14	52	AD014431. 1
ORF 62	355 64	363 76	AT G	+	813	putative transcriptio nal regulator	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	0	100	YP_009055 451.1
ORF 63	364 31	367 00	AT G	+	270	AB1gr63	Acinetobacter phage ABI	6E- 47	88	AD014434. 1
ORF 64	367 93	371 25	AT G	+	333	AB1gr64	Acinetobacter phage ABI	1E- 68	94	AD014435. 1
ORF 65	371 25	373 07	AT G	+	183	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	2E- 36	100	YP_009055 454.1
ORF 66	373 04	382 03	AT G	+	900	recombinase	Psychrobacter phage pOW20-A	1E- 70	43	YP_007673 324.1
ORF 67	382 00	389 55	AT G	+	756	AB1gr62	Acinetobacter phage ABI	2E- 169	97	AD014438. 1
ORF 68	389 56	392 49	AT G	+	294	AB1gr68	Acinetobacter phage ABI	7E- 61	96	AD014439. 1
ORF 69	392 46	394 67	AT G	+	222	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13- 01-C62	2E- 07	43	YP_009055 458.1
ORF 70	394 64	396 25	AT G	+	162	AB1gr70	Acinetobacter phage ABI	3E- 29	96	AD014441. 1
ORF 71	396 13	401 85	AT G	+	573	putative nucleoside triphosphate	Acinetobacter phage IME-AB2	5E- 71	64	AFV51550. 1

					pyrophosphoh ydrolase					
ORF 72	401 78	404 08	AT G	+	231	rIIIB lysis inhibitor	Caulobacter phage CcrPW	2	33	AX068725. 1
ORF 73	405 01	411 09	AT G	-	609	putative endolysin	Acinetobacter phage WCHABP12	5E- 143	98	ARB06760. 1
ORF 74	410 96	413 71	AT G	-	276	AB1gp74	Acinetobacter phage ABI	1E- 56	95	AD014445. 1
ORF 75	413 55	416 75	AT G	-	321	AB1gp75	Acinetobacter phage ABI	1E- 53	95	AD014446. 1
ORF 76	417 51	425 74	AT G	-	182 4	putative tail fiber protein	Acinetobacter phage WCHABP1	2E- 77	88	ARB04726. 1
ORF 77	435 75	444 21	GT G	-	846	putative tail fiber protein	Acinetobacter phage YMC11/12/R2315	0	99	YP_009203 603.1

[0212]

[0214] 도 16 및 상기 표 8에서 보는 바와 같이, 상기 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP는 선형의 dsDNA(linear dsDNA)를 포함하며, 77개의 ORF로 구성되어 있었다.

[0215]

본 발명에 따른 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP의 서열을 기준의 박테리오파지의 서열과 대조한 결과, 본 발명에 따른 박테리오파지와 유사성을 갖는 박테리오파지는 검출되지 않았다. 상기 결과를 통해 본 발명에 따른 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP는 기존에 발견되지 않은 신규한 박테리오파지에 해당함을 알 수 있다.

[0217] [실시예 3] 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP

[0218] 1. 임상 검체 분리 및 항생제 내성 균주 선별

[0219] 하기 표 9에 나타낸 바와 같이 대학 병원의 ICU(intensive care unit) 혈액과 임상 검체 등으로부터 아시네토박터 바우마니(*Acinetobacter baumannii*) 균주를 분리하여 배양하였다. 균주 동정은 키트/ ATB 32 GN 시스템 (bioMérieux, Marcy l'Etoile, France)을 이용하여 수행하였다. 그 뒤, 항생제 감수성 시험은 물러-힌튼 (Mueller-Hinton) 아가를 사용하여 외기 37 °C에서 하룻밤 동안 배양하는 CLSI 디스크 확산 시험 방법을 사용하였고, 시험 항생제는 아미카신(amicacin), 앰피실린-설백탐(ampicillin-s μ bactam), 세프타지덤 (ceftazidime), 시프로플록사신(ciprofloxacin), 콜리스틴(colistin), 세페펩(cefepime), 세포탁심 (cefotaxime), 젠타마이신(gentamicine), 이미페넴(imipenem), 레보플록사신(levofloxacin), 메로페넴 (meropenem), 미노사이클린(minocycline), 피페라실린(piperacillin), 피페라실린-타조박탐(piperacillin-tazobactam), 코트리목사(cotrimoxa) 및 티게사이클린(tigecycline)을 사용하였다. 감수성 결과는 Clinical and Laboratory Standards Institute (CLSI, 2016)를 기준으로 판독하였다. 수집된 아시네토박터 속 세균의 항생제 내성 프로파일은 하기 표 10에 나타내었다. 단, 하기 표 10에서 S, I 및 R은 항균제에 대한 감수성을 평가한 결과로, 'S'는 민감(Susceptible), 'I'는 중간(Intermediate), 'R'은 내성(Resistant)을 의미한다.

표 9

속주 균주	유래	속주 균주	용균 여부
YMC16/12/R12914	가래 (pneumonia)	YMC16/01/R198	기관 흡입 (pneumonia)
YMC16/12/B11422	카테터 혈액	YMC16/01/R353	가래 (pneumonia)
YMC16/12/B11449	혈액	YMC16/01/R405	가래 (pneumonia)
YMC16/12/B10832	혈액	YMC16/01/R397	가래 (pneumonia)
YMC16/12/B13325	카테터 혈액	YMC16/01/R380	가래 (pneumonia)
YMC17/01/P518	스왑 또는 배액관둔부	YMC16/12/R4637	가래 (pneumonia)
YMC17/01/B8053	카테터 혈액	YMC17/01/R2812	가래 (pneumonia)
YMC17/01/B10087	카테터 혈액	YMC17/02/R541	가래 (pneumonia)
YMC17/01/B12075	카테터 혈액	YMC17/02/R2392	가래 (pneumonia)
YMC17/02/B14	혈액	YMC17/03/R348	가래 (pneumonia)
YMC17/01/B13454	혈액	YMC17/03/R5305	
YMC17/02/B87	혈액	YMC17/03/R3095	
YMC17/02/B721	혈액	YMC17/03/R3428	
YMC17/02/B4520	카테터 혈액	YMC17/03/R4607	가래 (pneumonia)
YMC17/02/B4039	혈액	YMC17/03/P971	스왑 또는 배액관둔부
YMC17/02/B4864	혈액	YMC16/03/R4461	기관 흡입 (pneumonia)
YMC17/02/P523	둔부 욕창	YMC16/05/R2210	가래 (pneumonia)
YMC17/02/B8414	복막 혈액 병	YMC16/07/R2512	기관지 세척
YMC17/03/R585	가래 (pneumonia)	YMC16/09/R2471	기관 흡입 (pneumonia)
YMC17/03/B4730	카테터 혈액	YMC16/10/R2537	가래 (pneumonia)
YMC17/03/B5000	카테터 혈액	YMC16/12/P503	스왑 또는 배액관흉부
YMC17/03/R1888	가래 (pneumonia)	YMC15/02/T28	Other Catheter Tip
YMC17/03/R3279	가래 (pneumonia)	YMC15/02/R436	기관 흡입 (pneumonia)
YMC17/03/R4077	기관 흡입 (pneumonia)	YMC15/03/R1604	기관 흡입 (pneumonia)
YMC17/04/R488	가래 (pneumonia)	YMC15/09/R1869	가래 (pneumonia)
YMC17/04/R640	가래 (pneumonia)	YMC14/06/R2359	가래 (pneumonia)
YMC17/05/R1095	기관 흡입 (pneumonia)	YMC14/08/T90	카테터 팁
YMC16/01/P11	스왑 또는 배액관복부	YMC14/08/R1169	가래 (pneumonia)
YMC16/01/R123	기관 튜브 딥		

표 10

숙주 군주	아 미 카 신	엔 피 실 린 - 체 제 탁 담	세 포 타 지 점	시 포 로 클 록 사 신	클 리 스 틴	세 포 판	세 포 합 집	젠� 타 마 이 신	이 미 페 넴	레 보 플 록 사 신	메 로 페 넴	미 노 시 클 린	피 페 라 실 린	피 페 라 실 린/ 타 조 박 담	코 트 리 목 사	티 케 실 린	
YMC16 /12/B 12914																	
YMC16 /12/B 11422	6 R	≥ 3 2 B	≥ 64 R	≥ 4 B	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 B	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	160 R	1 S	
YMC16 /12/B 11449	6 R	≥ 3 2 B	≥ 64 R	≥ 4 B	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	2 S	
YMC16 /12/B 10832																	
YMC16 /12/B 13325	6 R	1 I	≥ 64 R	≥ 4 B	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 B	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	1 S	
YMC17 /01/P 518	6 R	1 I	≥ 64 R	≥ 4 B	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	160 R	2 S	
YMC17 /01/B 8053	6 R	8 S	≥ 64 R	≥ 4 B	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	≥ 8 R	
YMC17 /01/B 10087	6 R	1 I	≥ 64 R	≥ 4 B	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	160 R	2 S	
YMC17 /01/B 12075	22 S	1 6 I	≥ 64 R	≥ 4 B	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 S	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 2 0 S	2 S	
YMC17 /02/B 14	6 R	≥ 3 2 B	≥ 64 R	≥ 4 B	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	8 I	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	2 S	
YMC17 /01/B 13454	6 R	≥ 3 2 B	≥ 64 R	≥ 4 B	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	160 R	2 S	
YMC17 /02/B 87	20 S	1 6 I	≥ 64 R	≥ 4 B	≤ 0 .5 S	≥ 64 R	≥ 6 4 R	2 S	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	8 I	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	2 S	

[0222]

YMC17 /02/B 721	6 R	≥ 3 2 R	≥ 3 64 R	≥ 4 4 R	≤ 0 .5 S	≥ 6 64 R	≥ 6 64 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	2 S
YMC17 /02/B 4520	6 R	≥ 3 2 R	≥ 3 64 R	≥ 4 4 R	≤ 0 .5 S	≥ 6 64 R	≥ 6 64 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	160 R	1 S
YMC17 /02/B 4039	6 R	≥ 3 2 R	≥ 3 64 R	≥ 4 4 R	≤ 0 .5 S	≥ 6 64 R	≥ 6 64 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	80 R	≤ 0 .5 S
YMC17 /02/B 4864	25 S	≤ 2 S	≤ 4 2 S	≤ 0 0. 25 S	≤ 0 .5 S	≥ 2 S	≥ 8 S	≥ 1 S	≤ 0 .25 S	≤ 0 .12 S	≤ 0 .25 S	≤ 1 S	≤ 4 S	≤ 2 0 S	≤ 0 .5 S	
YMC17 /02/R 523	21 S	1 I	≥ 6 64 R	≥ 4 4 R	≤ 0 .5 S	≥ 6 64 R	≥ 6 64 R	≥ 4 S	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≤ 2 0 S	1 S
YMC17 /02/B 8414	6 R	1 I	≥ 6 64 R	≥ 4 4 R	≤ 0 .5 S	≥ 6 64 R	≥ 6 64 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≥ 2 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	≥ 8 R
YMC17 /03/R 585	6 R	≥ 3 2 R	≥ 3 64 R	≥ 4 4 R	≥ 1 6 R	≥ 6 64 R	≥ 6 64 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	4 I
YMC17 /03/B 4730	6 R	1 I	≥ 6 64 R	≥ 4 4 R	≤ 0 .5 S	≥ 6 64 R	≥ 6 64 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	≥ 8 R
YMC17 /03/B 5000	6 R	≥ 3 2 R	≥ 3 64 R	≥ 4 4 R	≤ 0 .5 S	≥ 6 64 R	≥ 6 64 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≥ 8 I	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	1 S
YMC17 /03/R 1888	6 R	8 S	≥ 6 64 R	≥ 4 4 R	≥ 1 6 R	≥ 6 64 R	≥ 6 64 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	≥ 8 R
YMC17 /03/R 3279	6 R	1 I	≥ 6 64 R	≥ 4 4 R	≥ 1 6 R	≥ 6 64 R	≥ 6 64 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	1 S
YMC17 /03/R 4077	6 R	1 I	≥ 6 64 R	≥ 4 4 R	≤ 0 .5 S	≥ 6 64 R	≥ 6 64 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≥ 2 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	≥ 8 R
YMC17 /04/R 488	6 R	1 I	≥ 6 64 R	≥ 4 4 R	≥ 8 R	≥ 6 64 R	≥ 6 64 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	160 R	2 S
YMC17 /04/R	6 R	1 I	≥ 6 64 R	≥ 4 4 R	≥ 8 R	≥ 6 64 R	≥ 6 64 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≤ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 128 R	≥ 3 20 R	≥ 8 R

[0223]

640					R											
YMC1 7/05/ R1095	6 R	1 6 I	N 64 R	N 4 R	N 6 R	N 64 R	N 6 R	N 1 6 R	N 1 6 R	N 8 R	N 1 6 R	2 S	N 1 28 R	N 128 R	N 3 20 R	4 I
YMC16 /01/P 11	6 R	N 3 2 R	N 64 R	N 4 R	N 0 .5 S	N 64 R	N 6 R	N 1 6 R	N 1 6 R	N 8 R	N 1 6 R	N 1 S	N 1 28 R	N 128 R	N 3 20 R	2 S
YMC16 /01/B 123	6 R	N 3 2 R	N 64 R	N 4 R	N 0 .5 S	N 64 R	N 6 R	N 1 6 R	N 1 6 R	N 8 R	N 1 6 R	N 1 S	N 1 28 R	N 128 R	160 R	2 S
YMC16 /01/B 198	6 R	8 S	N 64 R	N 4 R	N 0 .5 S	N 64 R	N 6 R	N 1 6 R	N 1 6 R	N 8 R	N 1 6 R	N 1 S	N 1 28 R	N 128 R	160 R	2 S
YMC16 /01/B 353	6 R	1 6 I	N 64 R	N 4 R	N 0 .5 S	N 64 R	N 6 R	N 1 6 R	N 1 6 R	N 8 R	N 1 6 R	N 1 S	N 1 28 R	N 128 R	160 R	2 S
YMC16 /01/B 405	6 R	1 6 I	N 64 R	N 4 R	N 0 .5 S	N 64 R	N 6 R	N 1 6 R	N 1 6 R	N 8 R	N 1 6 R	N 1 S	N 1 28 R	N 128 R	N 3 20 R	N 8 R
YMC16 /01/B 397	6 R	N 3 2 R	N 64 R	N 4 R	N 0 .5 S	N 64 R	N 6 R	N 1 6 R	N 1 6 R	N 8 R	N 1 6 R	N 1 S	N 1 28 R	N 128 R	160 R	1 S
YMC16 /01/B 380	N 3 2 R	N 64 R	N 4 R	N 0 .5 S	N 64 R	N 6 R	N 1 6 R	N 1 6 R	N 8 R	N 1 6 R	4 S	N 1 28 R	N 128 R	N 2 0 S	2 S	
YMC16 /12/B 4637	6 R	N 3 2 R	N 64 R	N 4 R	N 1 6 R	N 64 R	N 6 R	N 1 6 R	N 1 6 R	N 8 R	N 1 6 R	N 1 S	N 1 28 R	N 128 R	N 3 20 R	4 I
YMC17 /01/B 2812	6 R	N 3 2 R	N 64 R	N 4 R	N 1 6 R	N 64 R	N 6 R	N 1 6 R	N 1 6 R	N 8 R	N 1 6 R	N 1 R	N 1 28 R	N 128 R	N 3 20 R	4 I
YMC17 /02/B 541	6 R	N 3 2 R	N 64 R	N 4 R	N 1 6 R	N 64 R	N 6 R	N 1 6 R	N 1 6 R	N 8 R	N 1 6 R	N 1 R	N 1 28 R	N 128 R	N 3 20 R	4 I
YMC17 /02/B 2392	6 R	N 3 2 R	N 64 R	N 4 R	N 4 R	N 64 R	N 6 R	N 1 6 R	N 1 6 R	N 8 R	N 1 6 R	N 1 S	N 1 28 R	N 128 R	N 3 20 R	2 S
YMC17 /03/B 348	6 R	1 6 I	32 R	N 4 R	N 4 R	N 64 R	N 6 R	N 1 6 R	N 1 6 R	N 8 R	N 1 6 R	N 1 S	N 1 28 R	N 128 R	N 3 20 R	N 0 .5 S

[0224]

[0225]

1604					R										
YMC15 /09/R 1869	6 R	1 6 I	≥ 64 R	≥ 4 R	≥ 1 6 R	32 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≥ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 3 20 R	4 I
YMC14 /06/R 2359	6 R	8 S	≥ 64 R	≥ 4 R	≥ 1 6 R	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≥ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 3 20 R	2 S
YMC14 /08/T 90	6 R	8 S	≥ 64 R	≥ 4 R	≥ 1 6 R	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≥ 1 2 S	≥ 1 28 R	≥ 3 20 R	2 S
YMC14 /08/R 1169	6 R	1 6 I	≥ 64 R	≥ 4 R	≥ 1 6 R	≥ 64 R	≥ 6 4 R	≥ 1 6 R	≥ 1 6 R	≥ 8 R	≥ 1 6 R	≥ 1 S	≥ 1 28 R	≥ 3 20 R	≥ 8 R

[0226]

[0227] 상기 표 10에서 보는 바와 같이, 수집된 아시네토박터 바우마니(*Acinetobacter baumannii*) 57개 균주는 다양한 항생제에 대하여 내성을 가지는 다재내성 균주임을 알 수 있었다.

[0229] 2. 박테리오파지 검체 수집

[0230] 2-1. 파지 은행 구축을 위한 검체 수집

[0231] 세브란스 병원의 하수 처리시설에서 최초 침전지 거친 후 부유물질 및 침사물이 제거된 원수를 확보하였다. 이는 화학 처리 시설 전 단계의 하수로 제한하였다. 수집한 시료에 1 L 당 염화나트륨 58 g을 첨가한 후 10,000 g에서 10 분간 원심 분리하여 220 nm 밀리포어 필터로 여과하였다. 얻어진 여과액에 폴리에틸렌글리콜(PEG, 분자량 8000)을 10% W/V으로 첨가하고 4 °C에서 12 시간 동안 냉장 보관하였다. 12시간 냉장 보관된 여과액을

12,000 g에서 20 분간 원심 분리하여 침전물을 파지 희석 완충액 (SM 완충액)에 재부유한 뒤, 동일한 양의 클로로포름을 첨가하여 냉동 보관하였다. 이를 3회 반복하여 300 mL의 박테리오파지 부유액을 채취하였다.

[0233] 2-2. 용균성 파지 선별 및 용균역가 측정

용균성 파지의 분리 정제는 스팟 테스트(Spot Test)법 (Mazzocco A et al. In Bacteriophages, Clokie and Kropinski AM, eds. Humana Press. 2009)으로 실행하였다. 확보된 균주를 맥콘키 한천배지에서 접종 후 외기 35 °C에서 하룻밤 동안 배양하였다. 배양 후, 투명한 플라크 형성을 보고 파지에 감수성인 균주를 선별하였다. 감수성인 균주를 맥콘키 한천 배지에 접종하여 35 °C에서 12 시간 동안 배양하였다. 살린 1 mL 튜브에 McFarland 0.5 탁도로 각 균주의 혼탁액 제조하고 H 탑 아가 (3 mL), 감수성 박테리아 100 µL 및 파지 용액 (각각 1 µL, 10 µL 및 50 µL)을 섞어 LB 아가에 도포한 후, 35 °C에서 12 시간 동안 배양하였다. 플라크 관찰한 후에 파스퇴르 파이펫으로 플라크를 채취하여 SM 완충 용액에 희석하고, 다시 감수성인 균주 혼탁액을 이용하여 3 회 반복 정제하였다. 이렇게 얻어진 순수한 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 SM 완충 용액에 희석하고 다시 감수성인 균주 혼탁액을 이용하여 3 회 반복 정제하였다. 이렇게 얻어진 순수한 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 SM 완충 용액에 희석하여 보관하였다.

[0235] 상기 1.에서 확인한 항생제 내성 아시네토박터 바우마니(*Acinetobacter baumannii*) 57개 균주 각각을 맥콘키 한천배지에서 접종하여 배양한 후, 상기 과정에 의해 정제된 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP를 도말된 각각의 내성 균주에 5 µL로 접종하여 플라그 형성을 확인하고, 역가 범위를 확인하여, 용균성을 하기 표 11에 나타내었다. 단, 하기 표 11에서 + 및 -는 수집된 균주에 대한 플라크 활성을 평가한 것으로, '+'는 투명한 플라크 (clear plaque)를 의미하고, '-'는 용균이 일어나지 않은 것을 의미한다.

표 11

숙주 균주	용균 여부	숙주 균주	용균 여부
YMC17/01/B10087	+	YMC17/03/R348	+
YMC17/02/B4520	+	YMC17/03/R3095	+
YMC17/03/R585	+	YMC17/03/R3428	++
YMC17/03/R3279	+	YMC17/03/P971	+
YMC17/05/R1095	+	YMC16/03/R4461	++
YMC16/01/P11	+	YMC16/05/R2210	++
YMC16/01/R198	+	YMC16/07/R2512	+
YMC16/01/R353	+	YMC16/09/R2471	++
YMC16/01/R405	+	YMC15/03/R1604	++
YMC16/01/R397	+	YMC15/09/R1869	+
YMC16/12/P503	+	YMC14/06/R2359	+
YMC15/02/T28	+	YMC14/08/T90	+
YMC14/08/R1169	+		

[0238] 상기 표 11에서 보는 바와 같이, 본 발명에 따른 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 상당 수의 항생제 내성 아시네토박터 바우마니 균주를 용균 시키는 것을 확인할 수 있었다.

[0240] 3. 항생제 내성 아시네토박터 바우마니 균주에 대한 용균성 박테리오파지의 전자 현미경 분석

[0241] 상기 2.의 방법에 의해 정제된 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP를 감수성 균주 배양 배지(20 mL LB 배지)에 접종 및 배양한 뒤 220 nm 밀리포어 필터로 여과하고, 상청액에 폴리에틸렌글리콜(MW 8,000)을 10%(w/v)의 양으로 첨가한 후 밤새 냉장 보관하였다. 이후 12,000 g의 조건으로 20 분 동안 원심 분리한 뒤, 에너지 여과 투과 전자현미경(Energy-Filtering Transmission Electron Microscope)을 이용하여 상기 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP의 형태를 분석하여, 그 결과를 도 17에 나타내었다.

[0242] 도 17에서 보는 바와 같이, 본 발명에 따른 상기 YMC15/09/R1869_ABA_BP 박테리오파지를 모양으로 분류하는 기준으로 보았을 때, 육각형 머리에 긴 꼬리를 가지고 있는 미오비리대 과에 속하는 것으로 분류하였다.

[0244] 4. 박테리오파지의 흡착능 및 1단 증식 곡선(One-step growth curve) 분석

[0245] 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주를 OD 값이 0.5가 되도록 배양한 뒤, 아시네토박터 바우마니 균주에 상기 2.에서 정제된 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP를 MOI 0.001로 넣고 상온에서 배양한 뒤, 100

μl 시료를 1, 2, 3, 4, 5 분에 1 ml씩 채취하여 LB 배지에 희석한 뒤 플라그 분석을 통해 상기 박테리오파지의 흡착능을 평가하여, 그 결과를 도 18에 나타내었다.

[0246] 또한, 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주를 OD 값이 0.3이 되도록 배양한 뒤, 4 °C에서 5 분 동안 7,000 g로 원심 분리하여 세포를 침전시킨 후, 0.5 ml의 LB 배지에 희석시키고, 상기 2.에서 정제된 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP를 MOI 0.001(titer 10^8 pfu/cells)로 넣고 37 °C에서 5 분 동안 배양하였다. 배양된 혼합 시료를 13,000 g에서 1 분 동안 원심 분리하여 얻어진 펠렛을 10 ml의 LB 배지에 희석시키고 37 °C에서 배양하였다. 배양 도중 10 분마다 시료를 채취하여 플라그 분석을 통해 상기 박테리오파지의 1단 증식 곡선을 평가하여, 그 결과를 도 19에 나타내었다.

[0247] 도 18에서 보는 바와 같이, 상기 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP의 접종 후 5 분 이내에 박테리오파지의 99 % 정도가 아시네토박터 바우마니 균주에 흡착하였다(5 분: 2.9%).

[0248] 또한, 도 19에서 보는 바와 같이, 1단 증식 곡선 결과 78 PFU/감염 세포의 높은 버스트 사이즈를 나타내었다(0 분: 14 PFU/ml, 50 분: 1096 PFU/ml).

[0249] 상기 결과를 통해 본 발명에 따른 상기 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 항생제 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주에 비교적 빠른 시간 내에 흡착할 수 있고, 78 PFU/감염 세포의 높은 버스트 사이즈를 나타내 항생제 내성 균주의 용균 효과를 발휘하는 것을 알 수 있다.

5. 생체 내 항생제 내성 아시네토박터 속 세균에 대한 박테리오파지의 용균능 검증

[0252] 3 ~ 4령된 꿀벌부채명나방 유충(*Galleria mellonella larvae*) 200마리를 준비한 뒤, 각 그룹당 10 마리씩 분류하였다. 각 유충에 콜리스틴에 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주를 최소 치사 농도(MLD)로 유충의 복각을 통해 주입한 후, 콜리스틴과 상기 2.에서 정제된 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP를 MOI 10 또는 MOI 100으로 혼합 접종한 뒤 72 시간까지 매 12 또는 24 시간마다 유충의 생존률을 확인하여 그 결과를 도 20에 나타내었다.

[0253] 도 20에서 보는 바와 같이, 콜리스틴에 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주를 주입한 유충에 본 발명에 따른 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP를 처리한 경우 유충의 생존율이 증가하였고, MOI 값이 증가할수록 유충의 생존율이 더욱 증가하는 것을 확인할 수 있었다. 또한, 콜리스틴에 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주를 주입하지 않고 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP만을 주입한 경우도 건강한 대조군과 그 생존률을 비교할 때 독성이 없는 것을 확인할 수 있었다.

[0254] 상기 결과를 통해, 본 발명에 따른 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 생체 내에서도 항생제 내성 아시네토박터 바우마니 균주에 대하여 용균성을 가지므로, 상기 아시네토박터 바우마니 균주에 의해 유발되는 감염성 질환을 효과적으로 예방, 개선 또는 치료할 수 있는 것을 알 수 있다.

6. 생체 내 항생제 내성 아시네토박터 속 세균에 대한 박테리오파지의 용균능 검증

[0257] 콜리스틴에 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주(30 μl)를 마우스에 2시간 동안 비강 투여한 후, 상기 2.에서 정제된 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP (30 μl) 또는 콜리스틴 항생제(30 μl)를 동일하게 비강 투여 하였다. 1일 및 5일 경과 후 각 실험군 당 4마리씩 부검하여 폐 조직을 적출하였다. 마우스 폐의 일부를 갈아 얻은 시료로 균을 배양하여 실제적인 균수의 변화를 측정해 박테리오파지 또는 항생제와의 시너지 효과를 평가하였다.

[0258] 도 21에서 보는 바와 같이, 콜리스틴에 내성을 갖는 아시네토박터 바우마니 균주를 주입한 마우스에 본 발명에 따른 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP를 투여한 경우 마우스의 폐 내에서 상기 아시네토박터 바우마니의 균수가 현저히 감소한 것을 볼 수 있었고, MOI 값이 증가할수록 상기 아시네토박터 바우마니의 균수가 더욱 감소하는 것을 확인할 수 있었다. 또한, 상기 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP와 콜리스틴을 함께 투여한 경우 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP 만을 단독으로 투여한 경우에 비하여 마우스의 폐내 아시네토박터 바우마니의 균수가 더욱 감소하는 것을 확인할 수 있었다.

[0259] 상기 결과를 통해, 본 발명에 따른 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 생체 내에서도 항생제 내성 아시네토박터 바우마니 균주에 대하여 용균성을 가지므로, 상기 아시네토박터 바우마니 균주에 의해 유발되는 감염성 질환을 효과적으로 예방, 개선 또는 치료할 수 있는 것을 알 수 있다.

7. 항생제 내성 아시네토박터 바우마니 균주에 대한 박테리오파지의 안정성 평가

- [0262] 본 발명에 따른 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP가 온도 및 알칼리에서 파괴되지 않고 안정성을 유지하는지 확인하였다.
- [0263] 상기 2.의 방법에 의해 정제된 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP 1 μl 를 4, 5, 6, 7, 8, 9 및 10의 pH로 맞춘 SM 버퍼 40 μl 에 넣은 뒤, 37 °C에서 1시간 동안 배양한 뒤 항생제 내성 클렙시엘라 뉴모니아균과 함께 상기 4.의 방법으로 플라크 분석을 실시하여 그 결과를 도 22에 나타내었다.
- [0264] 또한, 상기 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP 용액을 각각 4 °C, 37 °C, 50 °C, 60 °C 및 70 °C에서 배양하는 1 시간 동안 10 분 단위로 각각의 샘플을 아시네토박터 바우마니 균주와 함께 상기 4.의 방법으로 플라크 분석을 실시하여 그 결과를 도 23에 나타내었다.
- [0265] 도 22에서 보는 바와 같이, 본 발명에 따른 상기 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 산성, 중성 및 알칼리 성 모두에서 안정성을 나타내었으나, 30일 동안 상기 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 중성/알카리성에서 비교적 안정성을 나타내었다.
- [0266] 또한, 도 23에서 보는 바와 같이, 상기 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 70°C의 고온에서 까지 매우 높은 안정성을 보였다.
- [0268] 8. 항생제 내성 클렙시엘라 속 균에 대한 박테리오파지의 전체 게놈 서열 분석
- [0269] 본 발명에 따른 상기 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP의 특성을 규명하기 위하여 전체 유전자 서열 분석을 Illumina sequencer(Roche)를 통하여 통상의 기술자에게 자명한 전체 게놈 서열 분석 방법을 기초로 분석하여, 그 결과를 도 24 및 표 12에 나타내었다.

표 12

유전체번호	범위 (Range)		개시코드	스트랜드 (strand)	길이 (bp)	추정 기능 (Putative function)	주석 출처 (Annotation source)	E-value	NCBI blast P identity (%)	NCBI-Bank accession number
	시작	종료								
ORF 1	445	1629	ATG	-	1185	putative baseplate J-like protein	Acinetobacter phage WCHABP1	0	99	AR094729.1
ORF 2	1626	1979	ATG	-	354	AB1gp80	Acinetobacter phage AB1	3E-80	98	AD014451.1
ORF 3	2125	2769	ATG	-	645	putative baseplate assembly protein	Acinetobacter phage WCHABP1	1E-152	97	AR094731.1
ORF 4	2750	3640	GATG	-	891	AB1gp82	Acinetobacter phage AB1	0	94	AD014453.1
ORF 5	3750	4025	ATG	-	276	hypothetical protein	Acinetobacter phage ABP2	2E-59	100	ASJ78898.1
ORF 6	4022	4639	ATG	-	618	AB1gp83	Acinetobacter phage AB1	7E-131	92	AD014454.1
ORF 7	4647	6737	ATG	-	2091	lysozyme like domain	Acinetobacter phage AP22	0	74	YP_006383794.1
ORF 8	6740	6952	ATG	-	213	putative tail-fiber protein	Acinetobacter phage LZ35	6E-44	99	YP_009291892.1
ORF 9	6982	7407	ATG	-	426	AB1gp01	Acinetobacter phage AB1	1E-37	46	AD014372.1
ORF 10	7453	7902	ATG	-	450	AB1gp02	Acinetobacter phage AB1	3E-105	97	AD014373.1
ORF 11	7915	9378	ATG	-	1464	AB1gp03	Acinetobacter phage AB1	0	95	AD014374.1
ORF 12	9368	9862	ATG	-	495	AB1gp04	Acinetobacter phage AB1	3E-110	93	AD014375.1
ORF 13	9859	10377	ATG	-	519	AB1gp06	Acinetobacter phage AB1	3E-108	96	AD014377.1
ORF	104	106	AT	-	282	putative capsid	Acinetobacter phage YMC-13-	3E-	100	YP_009055

[0271]

14	07	68	G			protein	01-C62	55		482.1
ORF 15	107 36	109 21	AT G	-	186	AB1gp08	Acinetobacter phage ABI	8E-31	90	AD014379. 1
ORF 16	109 18	113 70	AT G	-	453	putative RNA polymerase	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	5E-104	100	YP_009055 484.1
ORF 17	113 99	115 84	AT G	-	186	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	2E-35	100	YP_009055 485.1
ORF 18	116 58	118 04	AT G	-	147	lambda family tail tape measure protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	1E-24	100	YP_009055 486.1
ORF 19	118 50	122 72	AT G	-	423	AB1gp12	Acinetobacter phage ABI	1E-95	97	AD014383. 1
ORF 20	122 72	126 10	AT G	-	399	AB1gp13	Acinetobacter phage ABI	3E-21	43	AD014384. 1
ORF 21	126 90	137 09	AT G	-	102 0	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	0	100	YP_009055 489.1
ORF 22	137 19	141 98	AT G	-	480	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	1E-109	99	YP_009055 490.1
ORF 23	142 06	155 40	AT G	-	133 5	AB1gp17	Acinetobacter phage ABI	0	81	AD014388. 1
ORF 24	155 40	157 04	AT G	-	165	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	1E-30	100	YP_009055 492.1
ORF 25	157 54	159 60	AT G	-	207	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	1E-43	100	YP_009055 493.1
ORF 26	159 50	162 25	AT G	-	276	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	6E-61	100	YP_009055 494.1
ORF 27	163 24	166 86	AT G	-	363	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	2E-84	100	YP_009055 495.1

[0272]

ORF 28	166 83	170 75	AT G	-	393	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC11/12/R1215	1E-89	100	AJT61472, 1
ORF 29	170 68	174 90	AT G	-	423					
ORF 30	174 80	178 33	AT G	-	354	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	4E-89	100	YP_009055 498.1
ORF 31	179 15	180 61	AT G	-	147	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	3E-27	100	YP_009055 499.1
ORF 32	180 62	182 26	AT G	-	165	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	7E-32	100	YP_009055 500.1
ORF 33	189 16	196 86	AT G	-	771	putative head protein	Acinetobacter phage AbP2	0	99	ASJ78923, 1
ORF 34	196 89	211 19	AT G	-	143 1	putative portal protein	Acinetobacter phage WCHABP12	0	96	ARB06806, 1
ORF 35	211 23	224 00	AT G	-	127 8	putative terminase large subunit	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	0	99	YP_009055 504.1
ORF 36	223 97	229 96	GT G	-	600	coil containing protein	Vibrio phage 1.246.0..1ON.2 61.54.E10	2E-32	35	AUR98010, 1
ORF 37	229 89	233 78	AT G	-	390	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	3E-88	100	YP_009055 422.1
ORF 38	234 32	236 14	AT G	-	163	AB1gp34	Acinetobacter phage AB1	4	88	AD014405, 1
ORF 39	236 11	237 84	AT G	-	174					
ORF 40	237 99	240 41	AT G	-	243	AB1gp35	Acinetobacter phage AB1	1E-47	93	AD014406, 1
ORF 41	240 38	242 35	AT G	-	198	fis family transcriptional regulator	Acinetobacter phage WCHABP12	3E-33	91	ARB06798, 1

[0273]

ORF 42	242 38	245 64	AT G	-	327	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC11/12/R1215	4E-74	100	AJT61457. 1
ORF 43	245 64	247 79	GT G	-	216	AB1grp39	Acinetobacter phage AB1	2E-39	87	AD014410. 1
ORF 44	248 91	252 38	AT G	-	348	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	2E-78	99	YP_009055 430.1
ORF 45	253 02	255 41	AT G	-	240	AB1grp40	Acinetobacter phage AB1	7E-45	97	AD014411. 1
ORF 46	256 82	259 69	GT G	-	288	AB1grp42	Acinetobacter phage AB1	2E-59	95	AD014413. 1
ORF 47	259 50	262 10	AT G	-	261	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	3E-56	100	YP_009055 433.1
ORF 48	262 07	264 67	AT G	-	261	AB1grp43	Acinetobacter phage AB1	6E-08	40	AD014414. 1
ORF 49	264 64	272 19	AT G	-	756	AB1grp47	Acinetobacter phage AB1	2E-134	79	AD014418. 1
ORF 50	273 29	275 41	AT G	-	213	putative bacteriophage-associated immunity protein	Acinetobacter phage IME-AB2	2E-41	99	AFV51531. 1
ORF 51	276 13	277 62	AT G	-	150	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	3E-01	41	YP_009055 440.1
ORF 52	277 59	280 52	AT G	-	294	AB1grp50	Acinetobacter phage AB1	3E-58	91	AD014421. 1
ORF 53	280 49	283 18	AT G	-	270	AB1grp51	Acinetobacter phage AB1	4E-35	63	AD014422. 1
ORF 54	283 29	296 72	AT G	-	134 4	putative replicative DNA helicase	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	0	99	YP_009055 443.1
ORF 55	296 78	305 44	AT G	-	667	putative primosomal protein	Acinetobacter phage IME-AB2	0	98	AFV51535. 1

[0274]

ORF 56	305 37	310 16	AT G	-	480	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	2E-113	100	YP_009055 445.1
ORF 57	310 29	312 41	AT G	-	213	AB1gp54	Acinetobacter phage AB1	2E-38	87	AD014425. 1
ORF 58	312 55	315 91	AT G	-	336	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	8E-75	100	YP_009055 447.1
ORF 59	317 75	319 36	AT G	-	162	AB1gp57	Acinetobacter phage AB1	1E-21	86	AD014428. 1
ORF 60	321 57	327 44	AT G	+	588	putative HNH homing endonuclease	Acinetobacter phage ABP2	3E-61	50	ASJ78942. 1
ORF 61	327 97	329 91	AT G	-	195	AB1gp60	Acinetobacter phage AB1	3E-14	42	AD014431. 1
ORF 62	330 91	339 08	AT G	+	813	putative transcriptional regulator	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	0	100	YP_009055 451.1
ORF 63	339 70	342 27	AT G	+	258	AB1gp63	Acinetobacter phage AB1	6E-47	88	AD014434. 1
ORF 64	343 20	345 52	AT G	+	333	AB1gp64	Acinetobacter phage AB1	1E-68	94	AD014435. 1
ORF 65	346 52	348 34	AT G	+	183	hypothetical protein	Acinetobacter phage YMC-13-01-C62	2E-35	100	YP_009055 454.1
ORF 66	348 31	357 30	AT G	+	900	recombinase	Psychrobacter phage pOW20-A	9E-71	43	YP_007673 324.1
ORF 67	357 27	364 82	AT G	+	756	AB1gp67	Acinetobacter phage AB1	5E-166	95	AD014438. 1
ORF 68	364 83	367 76	AT G	+	294	AB1gp68	Acinetobacter phage AB1	2E-61	96	AD014439. 1
ORF 69	367 73	369 55	AT G	+	183					
ORF 70	369 52	371 16	AT G	+	165	AB1gp70	Acinetobacter phage AB1	1E-27	92	AD014441. 1
ORF	371	376	AT	+	522	putative nucleoside	Acinetobacter	1E-	64	AFV51550.

71	16	37	G			triphosphate pyrophosphohydrolase	phage IME-AB2	68		1
ORF 72	376 30	378 60	AT G	+	231	AB1gp72	Acinetobacter phage AB1	3E-39	82	AD014443. 1
ORF 73	379 59	384 71	AT G	-	513	putative lysozyme family protein	Acinetobacter phage IME-AB2	3E-119	99	AFV51552. 1
ORF 74	384 61	387 33	AT G	-	273	AB1gp74	Acinetobacter phage AB1	1E-54	94	AD014445. 1
ORF 75	387 17	390 39	GT G	-	323	AB1gp75	Acinetobacter phage AB1	1E-68	95	AD014446. 1
ORF 76	391 11	415 25	AT G	-	241 5	putative tail fiber	Acinetobacter phage YMC13/03/R2096	0	90	YP_009146 765.1
ORF 77	415 27	423 96	GT G	-	870	putative tail fiber protein	Acinetobacter phage ABP2	4E-155	79	ASJ78889. 1

[0275]

[0276]

[0277]

도 24 및 상기 표 12에서 보는 바와 같이, 상기 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 선형의 dsDNA(linear dsDNA)를 포함하며, 77개의 ORF로 구성되어 있었다.

[0278]

본 발명에 따른 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP의 서열을 기존의 박테리오파지의 서열과 대조한 결과, 본 발명에 따른 박테리오파지와 유사성을 갖는 박테리오파지는 검출되지 않았다. 상기 결과를 통해 본 발명에 따른

박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP는 기준에 발견되지 않은 신규한 박테리오파지에 해당함을 알 수 있다.

[0279] 이상에서 본 발명에 대하여 상세하게 설명하였지만 본 발명의 권리범위는 이에 한정되는 것은 아니고, 청구범위에 기재된 본 발명의 기술적 사상을 벗어나지 않는 범위 내에서 다양한 수정 및 변형이 가능하다는 것은 당 기술분야의 통상의 지식을 가진 자에게는 자명할 것이다.

[0280] [수탁번호(1)]

[0281] 박테리오파지 YMC14/01/P262_ABA_BP

[0282] 기탁기관명 : 한국미생물보존센터(국내)

[0283] 수탁번호 : KFCC11798P

[0284] 수탁일자 : 20181115

[0286] [수탁번호(2)]

[0287] 박테리오파지 YMC15/02/T28_ABA_BP

[0288] 기탁기관명 : 한국미생물보존센터(국내)

[0289] 수탁번호 : KFCC11799P

[0290] 수탁일자 : 20181115

[0292] [수탁번호(3)]

[0293] 박테리오파지 YMC15/09/R1869_ABA_BP

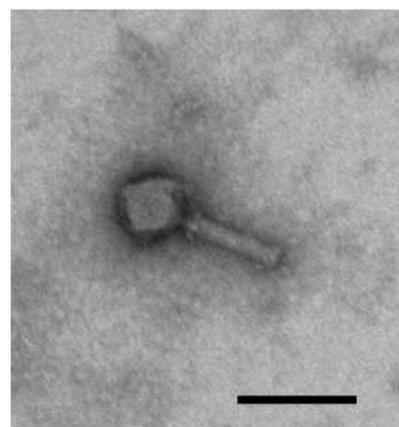
[0294] 기탁기관명 : 한국미생물보존센터(국내)

[0295] 수탁번호 : KFCC11802P

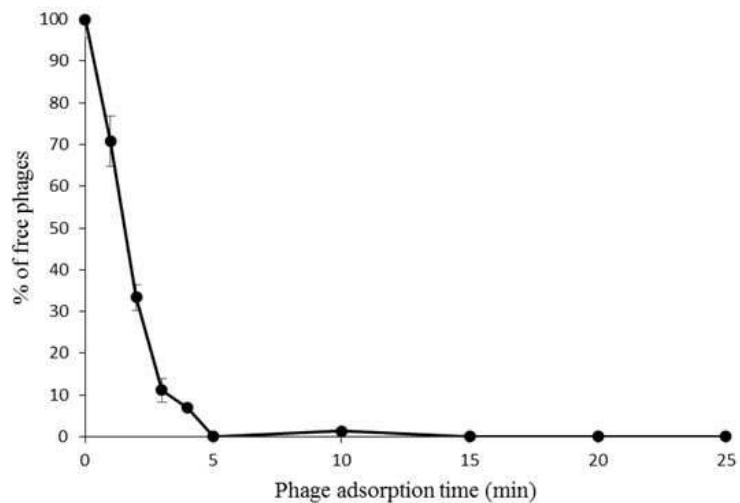
[0296] 수탁일자 : 20181115

도면

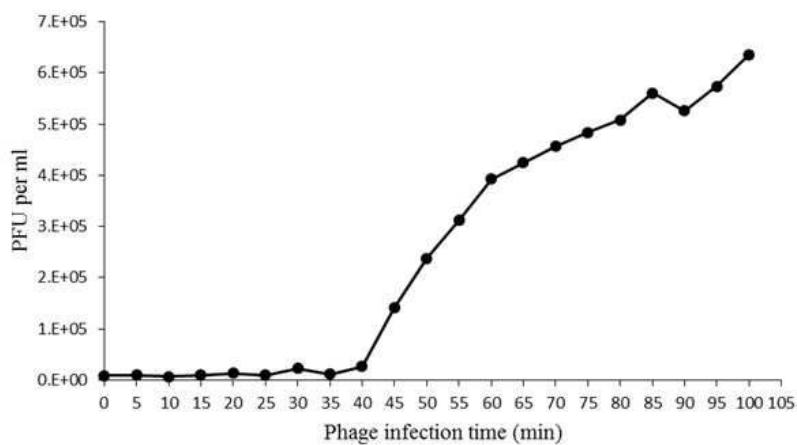
도면1



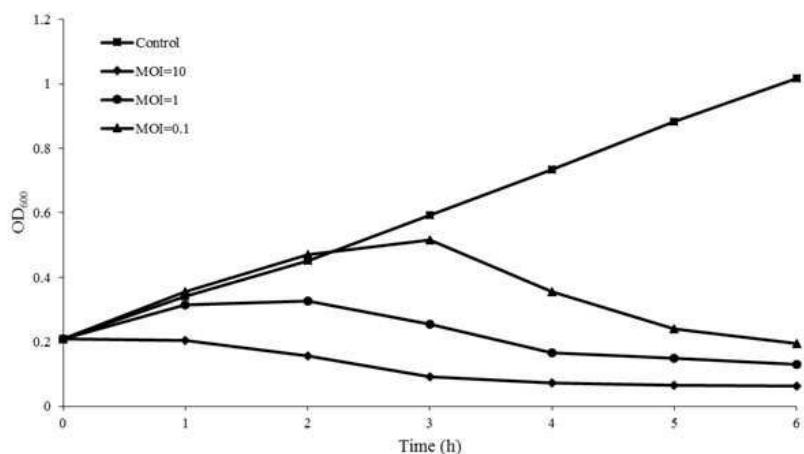
도면2



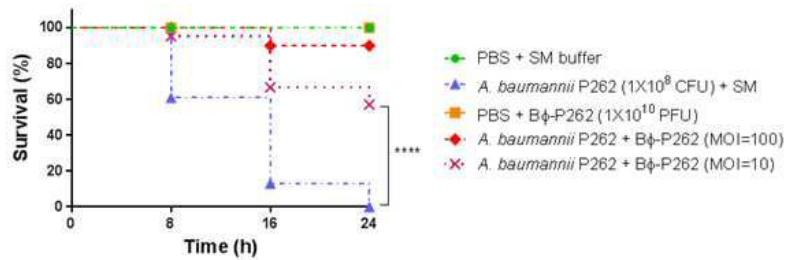
도면3



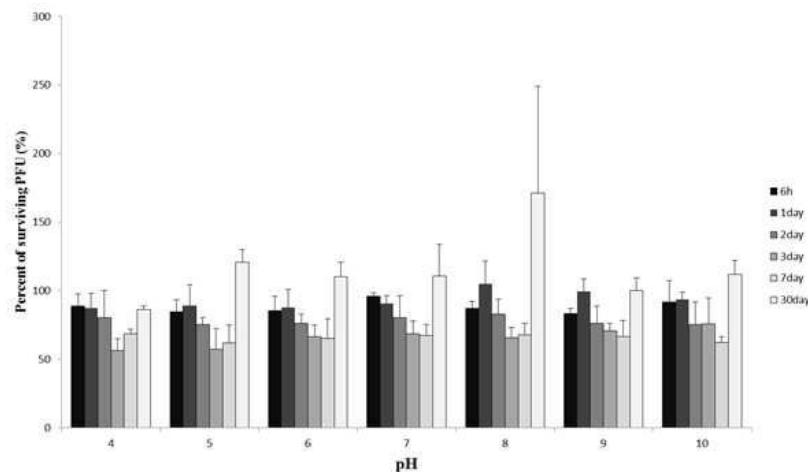
도면4



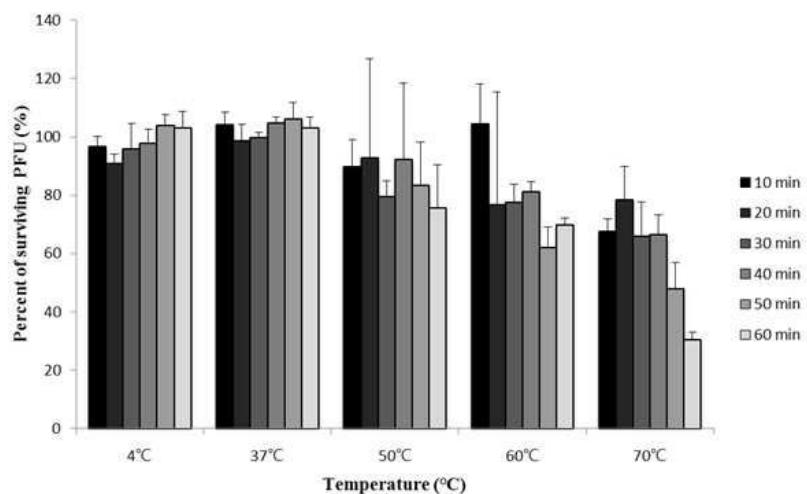
도면5



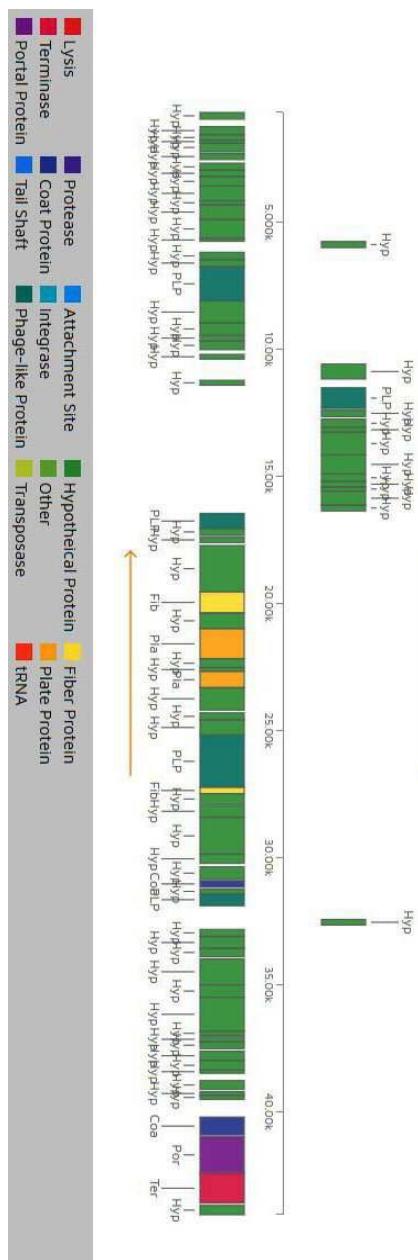
도면6



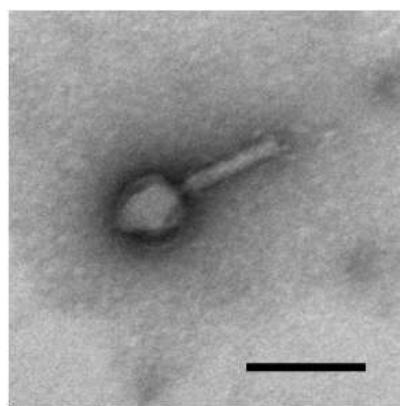
도면7



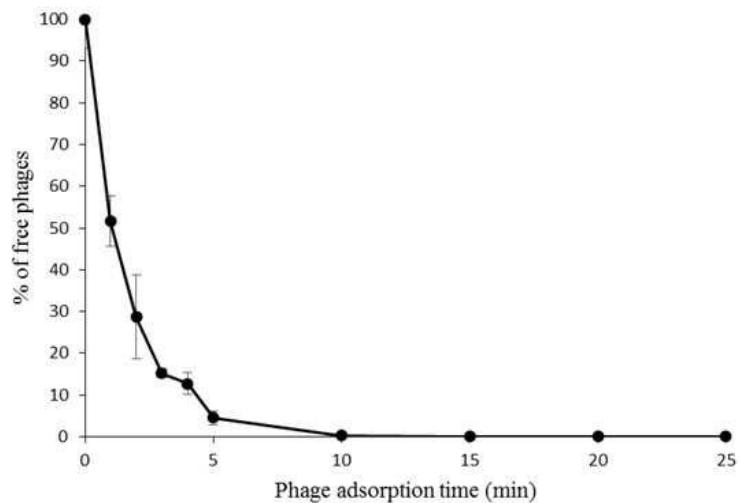
도면8



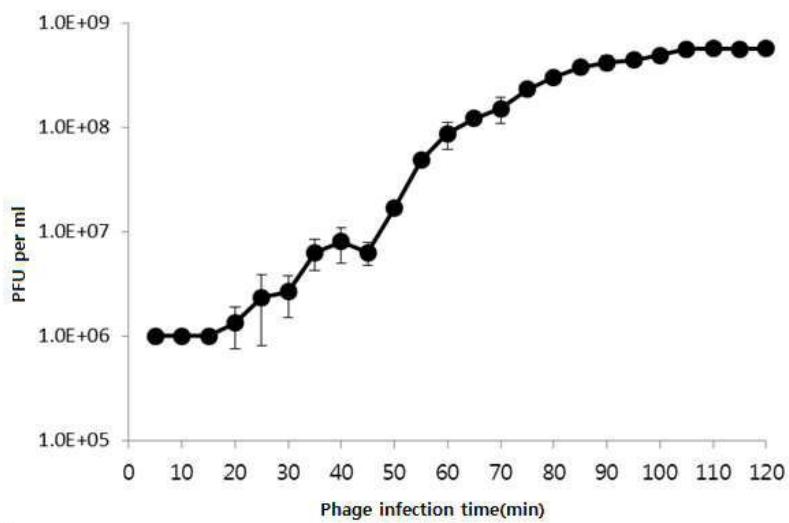
도면9



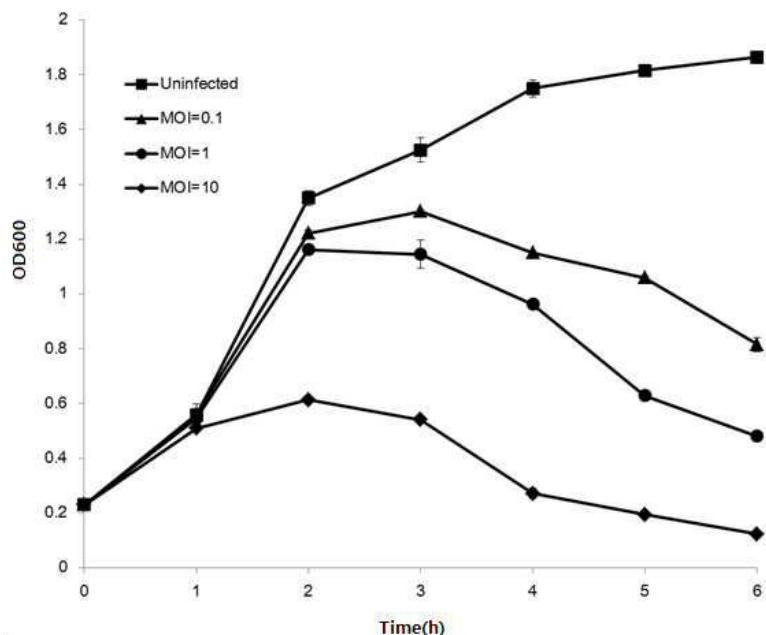
도면10



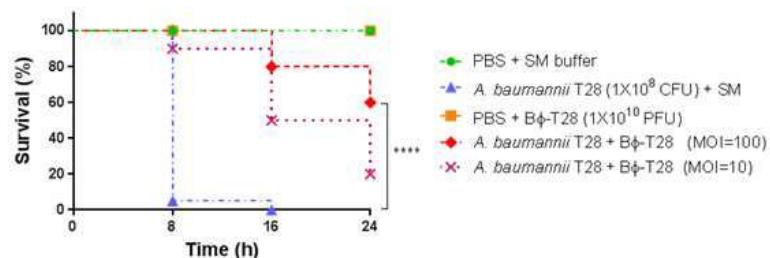
도면11



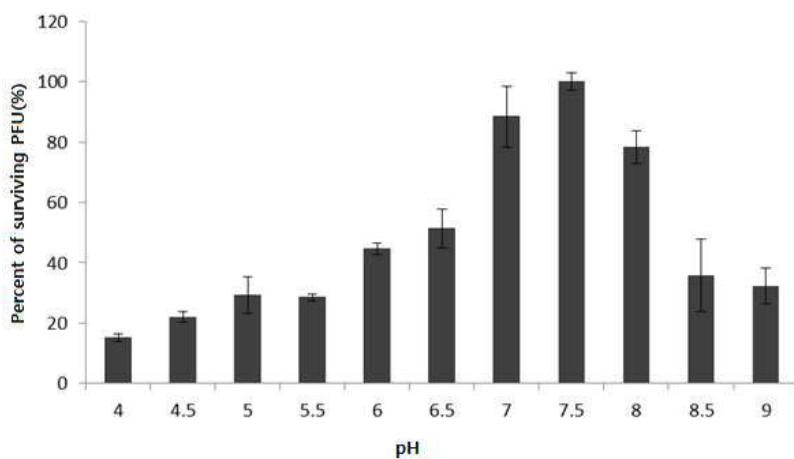
도면12



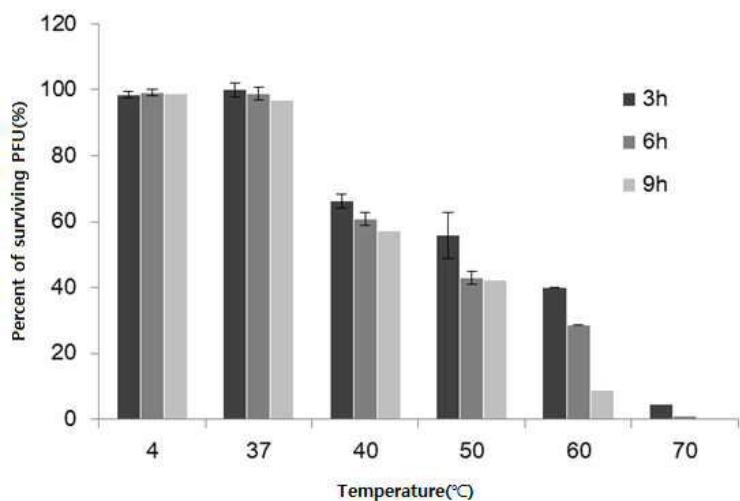
도면13



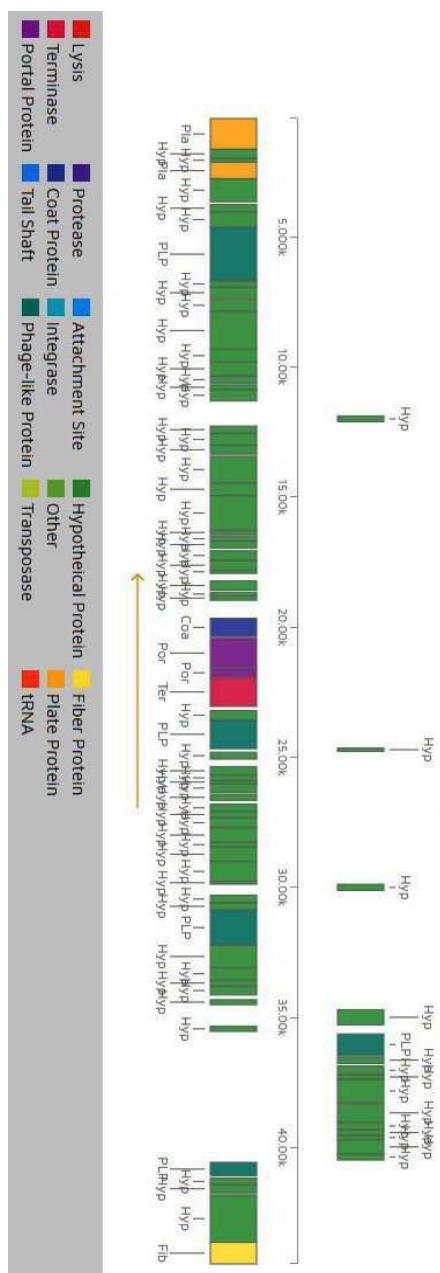
도면14



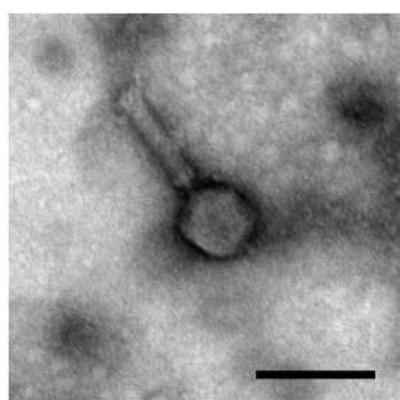
도면 15



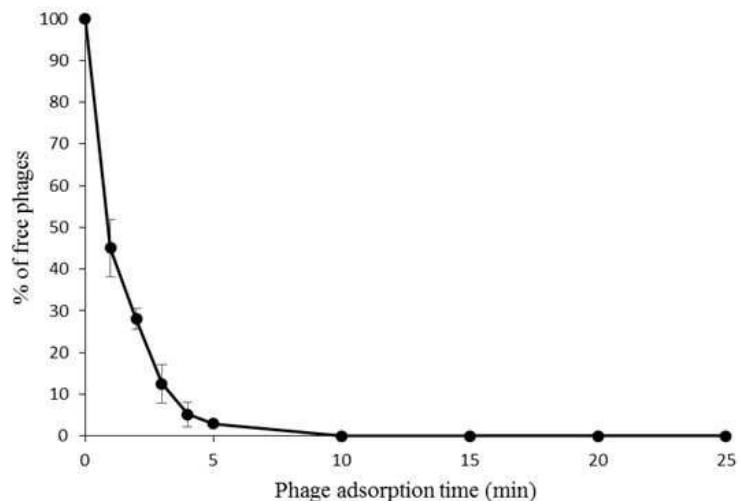
도면16



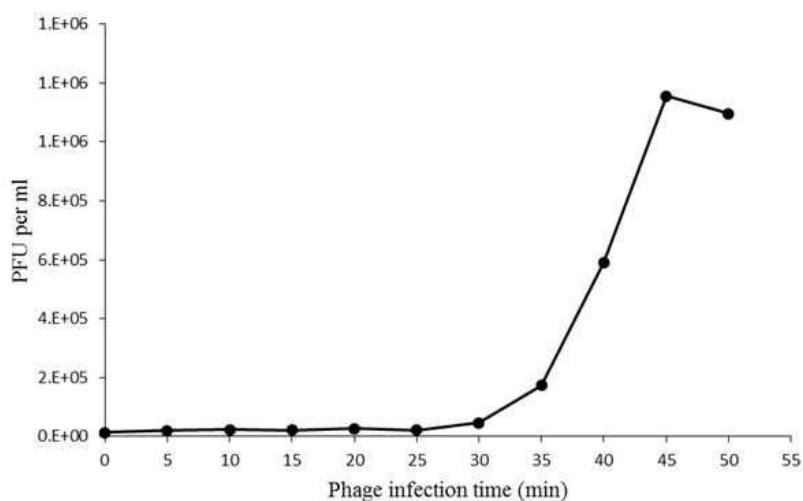
도면17



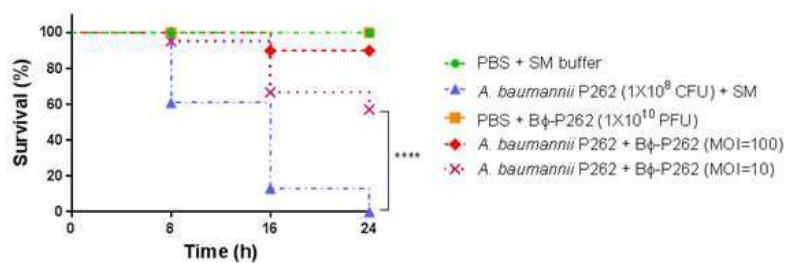
도면18



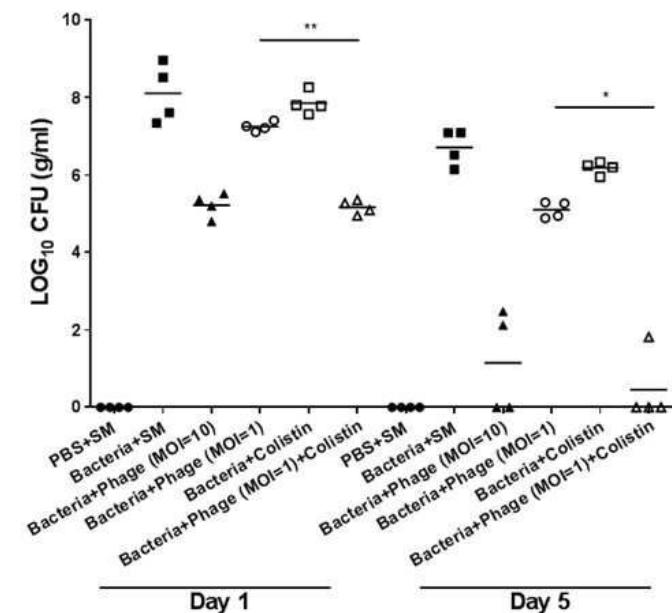
도면19



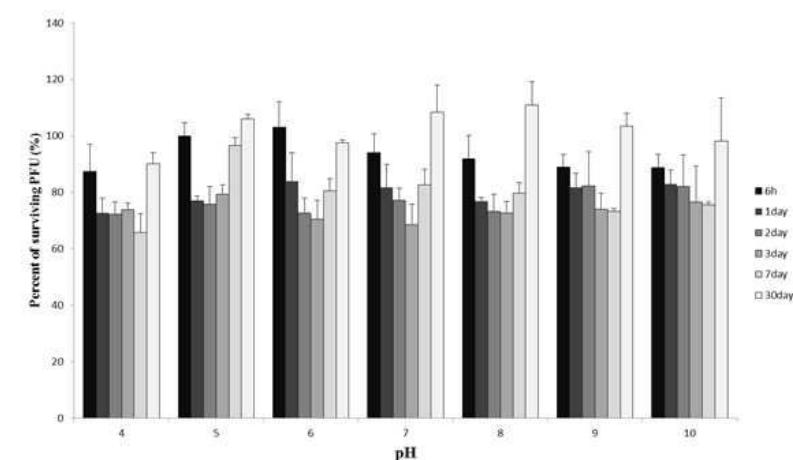
도면20



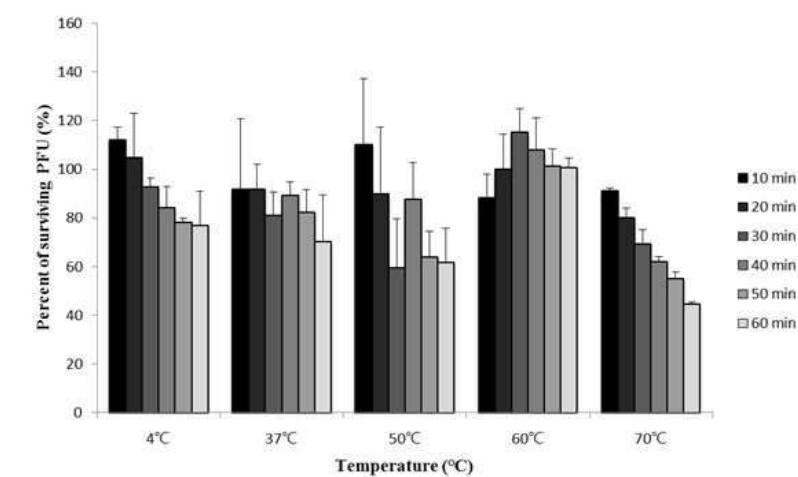
도면21



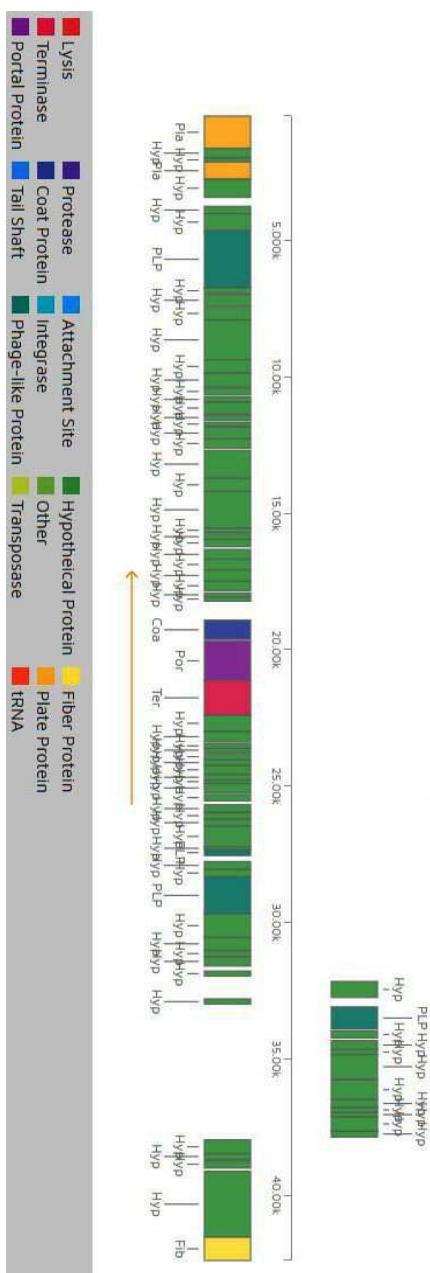
도면22



도면23



도면24



서열목록

- <110> Industry-Academic Cooperation Foundation, Yonsei University
<120> Novel bacteriophage specific for Acinetobacter genus bacteria
<130> PDPB187325d01
<160> 19
<170> KoPatentIn 3.0
<210> 1
<211> 44597
<212> DNA
<213> Unknown

<220><223> Bacteriophage YMC14/01/P262_ABA_BP

<400> 1

tatcgttcat tccgttgaa tatgaaaacac cataaggagg atcagtaaaa acaagatcag	60
ctttctgcc ttgcattaac ctctccacgg catcaatgct cgtactatcc ccgcacatca	120
aacggtgctt gccaaaatc caaacatcac cttctttgt tttgggtct gctggcgct	180
cgatcacttc gccatctgca tcttcttcat attcaggcgc gatttcatca atctcaagct	240
cttcgatttc atcaagtgaa aagcctgtta gctcaacatc aaaatccatt tctcgcaatg	300
cttcaaattc aatacgcagt gcatcaaagt cccactcgga attgagagcc agtttgttgt	360
ctgcaataat atacgcttc ttttgcgtt cggttaagtg tgaagcatca acgcaaggtt	420
attcctcaat accttagcttc ttgcagcca taacgcgacc atgcctgca atgataccgt	480
tatcgccgtc aatgatgatc gggttaaaaa accaaatc ttaatgctg gacgttatct	540
gcaacacctg ctgcgtcg tgcatacg aattgttagc gtatggatt aggtcgatg	600
tcttgacctt tttatagaa gtggaagatg ccattttatt tccaaaaac taaaattaa	660
taataccaca aaaagaaaaa ccgcgttaaa gcggttaat atccttgaac caattacagc	720
aataaaccctt tctatgcgcc caataatccc agccatagtt ttatttctt ttaagttaga	780
ttgtctttcc ttcatctaca caatagtgcg tagcttctt agttggcttg ctcttcctaa	840
tttcttcaat atccataatg caatcctcat agcggttaa gttcggtaat tctaaatctt	900
cggtaagta tccactctcc aaacatttt gaataaatat gcagccata ttcagtgcctt	960
ttaaaaataag ttaccctgc atactcaata taatgtgtcg caccttcgg agcatggct	1020
ctgatttctt caatttcat ctacccaccc tctttaaaat cccacccaac cccgagcgcac	1080
taatcccaag cattttagcc gcctcagttt gattacctct cgtcttaacc aaagcccttt	1140
ccaaaatagc ttttcaaacc gtttctaattt cttataaaaat cttcacctt tggctatagc	1200
ttcgtcaatt ttttgcata cggttgggg cattgttagt aaaactccctt aacattagcc	1260
gcacgatttt ctccatcctt acaaactgg tatgactcat tagcaaagtt tgatgcaata	1320
accgctttat cctcacctt gtaaacaggg aatgagtaag cccaatcaac attggcatcc	1380
attaaacttag ccagcatatt gtctacaccc cgcatctcctt caaccacttc tttagctga	1440
tgctttgcat aacttcttg acgcatcagc atagtagcct ctgcaaagtc atatacagca	1500
tcacaaaacc cagcattagc aaaacttggaa actgtcaata acgcaattaa taatttttc	1560
atcacaaaat ccctccaca ccattttaaa acatttcac atcaccact gttaaattac	1620
cttctttatg taaaggctttt aacgtctga tgtatccgc aatatcatca atcttctgtt	1680
gctggtgatt gtaaaatttc tcgcattgtt tatatgcgtt tatatcaaattt ctatcacca	1740

gacacacett tcgatagatt gcattaaatt cactcacaat caatctcctt ccagcattta	1800
cgccaaacct tggtaagtctc gccagttaaa ttactttcct cgtattccca ttcatgtcg	1860
cagaataggc gcttagaaa ttatagatc atttttattt ctccataagt ctgcgaacat	1920
agaacccaaa atttggatgg gataaaattt tatgcacaac ttcttaaga tcccaaataat	1980
cattagcgat ataatttcca cttatcggtt ttagtttat tgaaatgca tggcgat	2040
caatttctat tgacataact gcttggtac aagataaact tctattgctt ttaactaaaa	2100
taaatccacc cagtagcacca gtttctcgc atatacgat ttttgcttca ataatcactt	2160
caataatctg atcaagattt ctatcgtaat ttttgaagc ttcaagaccc tttaatag	2220
cttcataaaa atccatcact taccccttaa ccaattaaat acaaccatac cagcgat	2280
tacaatcaac actgaaccc tcagcaaaatc tggtgcgcg tacttaata cccttagatt	2340
tacccttaac tctttttgt gatccattt tcaatacctt gtatctact accacaatca	2400
atggaaataa aaccacactc aagatttagag ataaaacacc agctaagcc caaaacaact	2460
caaccaacaa tttaggtgca tggtgaata acttagctac atcaacaatt gccaaccata	2520
aagcttaac tataaccatt ttatctctcc tctttatattt ctcaatagta aattatattt	2580
ataattaatg caaggatttt aagcaaaaaa aatccgtatc ttggggtag atacggatgt	2640
aaaagtttct tcagttcgat aaatatacgaa aattttagt taattgcaag taacaattt	2700
aattgcttgc tctacacaat taaccacatt aacttgacca ttccataagt catccattc	2760
gatttgatct gggttaatt ttgcgtga aactggttt gctccatctt ttatctctaa	2820
taaaaagttt ttaccccgat agccccacaa aatgtcggtt caccctttc caacactgaa	2880
aagaatttga actgtacacc caatcttct aagtgtgcc actatttctg gttgatttgc	2940
atctatctta gctgtctca cgcacatcag ttccatataa aatgggttct ttgttttgt	3000
actttcctc aaattcttca atagtcatat atccaacata ataactaaat ccaattcaa	3060
actcattaga ccaatcttca ttaaattttaa aacatcatc aaaagtttac ctgtccctcac	3120
ttgcctcaat tataaaaaat tgggttggattt gtcgatttgg ctcaaaaggct tcaacccac	3180
gaactgcatg taaatgtat ttttcatgg acgtttctc aatggatctt tccaatgcgc	3240
attatattttt tgcctgacaa ccatcatatc accactacat gcatcattaa ttcccataaa	3300
gccaatgcgc gatgtattaa aaaatatact tgggtttct taaagacaa gcccaccc	3360
caaactgtct acacaaaacc atttataatc aatggaaacc atcctcaat caatctcaa	3420
ttcttctaac acttcaggc gacttttac ttccgtt tcatcttcag caagcatcaa	3480

aagctcgaa cgccctcgcg ccgctaata aatctaagcc tttagtgata ggctccaacc	5280
cttcatctgt attagttgtt gatctcaccc acttaccctc aaacataaaag taaaaaaactc	5340
catcacagct tttaaagttag aatccatcta agacgcttt acttatgtaa tttgcattct	5400
tcacatcatt acgttcaac acaacaaggc ctcgaagctg aggaaatgtt atttccctta	5460
atgtgtctt atccaaagct tcacaaggc aaccattga tccatggcg aaagctaaaa	5520
cccattttagt gttgcttcg tatttgccaa aaagcaaatc tagttcatag ccaagctgtt	5580
taaacaactc ctgagcctct ttgctcttagt cttcattgtt tacgcaattt ttataatttt	5640
ccatcacaca cccatcacca tattatgaat taacttactt aacccattt ctgaaaaat	5700
cacgatcaaa taaaacaaaaa ccatgactt tgcaaatcct ataaactctt tgctcatgg	5760
ttgttaatct ggttatttac gatcactgtt tggctaccgc ctttatttga caatgaccag	5820
aacaaactcc aaaaccagaa caacacagac caacctaaaa acaaattcat tgcaaagatt	5880
gcccatattac ttgcatgccc acgcataaag ccaataatgc taggcgcgaa atacataatt	5940
actgaaacaa ctaaaaccaa ttccataata aaaccatctg ttaatttata ttctcaatag	6000
taaacactat ccacaataat tgcaactatt tttaaatata ttgcatgtt actatgggtt	6060
ttacactccg atttgtcaca ctccatttt taaactgggtt ttaattctt actccccatg	6120
aatgagcctc atagacagta aattttcac cagcaaaata aacccgatca ccgactttgt	6180
atttcatttc tcaaccctca caattggctt aattctaaat ctgcgtcaa atatatttaa	6240
gacaaccttg ttggatagt aacgctgacg caagccaacc ttaccaacag caacaaattc	6300
ataattcgaa gtcataaaat caccatccca acagctcgaa cttactagaa caaccctgt	6360
cttattattcc gaatcataaa aacatgttg attaataatt gattgcaca tcattttatg	6420
gaatttgtaa aatctatcat ctgactttct aaaccaacaa tttagtataat tattcataact	6480
ctacaccct tctctatctc ttcatccgtt gcgtgacgca aacacttagt gcctgcacgt	6540
aaactatcaa tttatgaac aacactgtcc ttgtatatt ctccttaaa tacaacaagg	6600
tgccttaatt catatatttc atttgtcggtt cggatttcgat gtaagctgc tttaattca	6660
tcatgggtct tttaaccc tatttgcacat atttttaagc ttttgctac attatacccg	6720
ccaaattat caattaaattt cattaaaaa tcctcacatg tccaaatattt ctaaattaag	6780
attactaaat ctggatattt gtagttcagt tgctaatcta actgttccaa ctcaccatc	6840
acgcgcttg gctacaataa ttccggcaat accctgatct ttgagttct tatcataata	6900
ctcatcacga tatataaaaca tgatcacatc tgctgcctt tcaatagatc ccgactcag	6960
aatgtcagac attagaggc gtctatctt tctagattct aagcttgcgc ttaattgcgc	7020
taaacaaaaaa acaggacaat caaattctt tgctatagcc ttaagacctt ttgatattgc	7080

accaactgcc aagtgattgt tgcagtaga caatggtgat ttaagtaatg ttaaatagtc	7140
aacgaatact gcaccaacat aaccatattt tgcttcatg attcgccaat ttttctaatt	7200
atctgacaag ctaggtcttgc ccttatcatc aattaaaagt ttgatgcct tcaacttatt	7260
agttgcittt tagaaaaact cccaaatccctc atttttaata tcagagtcac gaatatctct	7320
taaatttattt gaggctagac tagcaaccaa tctttgccca atttttctt tcgacatttc	7380
agcagattgg aataaaaactg gatgctgttgc cataaaagaa acactcaaca tcaagcttg	7440
agcaaatgctg gtttccccca ttgatggtct ggcagcaata ataactaaat cacttttga	7500
tatttgacca agctgtctat ccaagtccat aaatccagg tttacaccta cgtcaacctt	7560
ctctccacgt ttcttcgcct ccacgtttt atcaatagac gcaaataagag aaacagaac	7620
atcataagca tccgataaaag tcggcacttc atcctgattt cttaaatttctt ccagaatgct	7680
ctcagatttc gatatacgctt catatgtc gtattggta gtatctatcg aaatagcctt	7740
aattctttctt cctgcctcaa acagcgctct tctggaggca tattcatttta actggcagc	7800
atgttgccta agaaaatgag ccagacctat tggatgtttt aaatttatca agaaatcttc	7860
atcaacaattt ttcgagtcat ttgcatttta cttgatttag tcataaaccatca taacaatgtc	7920
atgacctgac ccagcatcaa aaagctttt aaagtgccta aagataattt tatgttgttgc	7980
tgcataaaaaa ctatccgtt ttaatttgc tacaacatca tcaataaccac cattgagaga	8040
cataagggcg gataataccg attgttcaat ttgtatttag tacaagttt cattcatttt	8100
atttaatcca aataatttgc tggtagcactt acagctcttc ttactacattt ttcttggct	8160
tgaactttat cagcactattt attgctaact tgctcaatcc aatagtcgg tttccaggat	8220
tgcttgttta accacgaactt aggtgctgct ataaactcac cattgttctt tgtccacatt	8280
tcatcttttctt taaactcctc taaaaccttc atgatcattt caaaatctttt ttggatttt	8340
gtaaaagttt tattagctgc ttctttagttt cctttccgct tacattttgg atattcatc	8400
caaaacttctt caaatttttc taaaaacta cttttttttt tatctgttagt attctctgt	8460
gtatgtctgtt tataatgtt acgtttcaac gtatgggtt gtagttaga acgtaggagg	8520
gtggtagttt ctaacgttgg agggtggtagt attgaaacgg atgataacaat gtctgcata	8580
agaccaataa aaagaacattt aaatagtgtt gagttgtcag tttttacgg tctaaactct	8640
cgaattacaa caccaactc acaaagtgcg tcaaattgcctt cttaacctg tcttttagtt	8700
aatccaaattt gtttgcataa gctctcataa gatcgtgcataa ataaatctgc cttaactttt	8760
tttcttaactc caatcggtgc acctgtatct tcatcgttgcataa caattttgg tctataccag	8820
taaacaatctt cggataaaaat ttcagatgc ttcagggtcg gctttccattt tttaaactta	8880
aaaactgaga accaattttttaa aggaattaca ttcccttcaa tattcatcaa cccttatttgc	8940

tctactgttt cattccact gctatacatt gttatcacca ctcaaaacaa tttcgaga	9000
aaatttgtt aacttaatcg gcattcaac accaatactc actagtttt ttacaatgtg	9060
agcatcaaca acaccattga gtattgaatt cttAACAGCC atgcagaacc taaaatcctc	9120
taaatctcta ctgtgtttg ttaagttgca tgttgaacaa gaacaaacaa gattctaat	9180
acttcgtta attatcttg actttggat gaaatgatca atatgcattt ccatatatgt	9240
ttcaattca accccacaat aacaacattt ttgtcatga gagcgccaaa gttccttct	9300
taactctta gtgaatttg agccactagg gaagtattt aaagcaacat caaaaggcat	9360
atcattcaaa gtttagact tacgaatcat atttgggtga tttctatca ataaatcatt	9420
gttaagcaat gtatTTCCA taatTTACA aacctatcta aactgaccac taacaccgaa	9480
atacatggc ataggctcat tgcTTTCTT tcgatcaatg taagcgctt gaatttttc	9540
aatcatgaat tcatTTTT catggcgta aaagttctt acttcaccaa attgattgac	9600
aaattcgggg tattttttt caaaccaagt cataaaagaat aaagcgctt ttgatattc	9660
attcatcagt tgtctcctga taaaaagat gatttcttaa ttttattaaa ctcatctca	9720
cataatgcagc aaataataat ttgctctatc atatgaaata gtcaggttg taactcctt	9780
ttaaccatataat caagtgcgtga tattgcacag tcataagctg tggcaatatac gccaaaaaga	9840
tcattttttt ctttccaga ttttagcaat tctgccattt tatcaggtga aacagttag	9900
aatgcggct tgcattcggtt taggacacaa acaacatcat gctctgcgtc cttgactgga	9960
ttctttttta attcgctaat cgaagttgtt attgcgttat aaatttctgt aaccattcg	10020
ctctcctaaa ctatatggc atcttatagg tctttaaag ttaagtaaaa taaataattc	10080
aactatacaa aataagaaaa actgatataa aggtaaaata aaaagccccg aaggccttag	10140
tggttattttt tctttttta attccagca atcaaaacat tcattgttat aaactcgct	10200
tagcaatgat ccgcatttgc aaggcttggat atgcgtatc atcggttacc cataacttctt	10260
gcatttgacc ttgcaattac atttgggtt atatccttc taggctctt atcgctaatt	10320
ttgaaaggta ttgtgcata tccaaagcgg tcagggttca taaatccgtc attaattaca	10380
tggttcattt ttacctaca ttaaatatta acaatatcta gtgggttta tattatcaaa	10440
tatattctca atagtaaata gggtggagta gttagctttt tttgtgttag aatgaatttg	10500
cggatagagt gacggctcgaa aaccaatta acctgattgg cctccgcata attacatcag	10560
gtttcaatg aggattgaat tatggctaaa ctatgttgc gctgtggat taacgacaaa	10620
tcaaaaccct ccatgggtga tggaaagtttta ataaaagaat atgcgtttg gaaaaatatg	10680

attttcgat gctattcaga agaatataaa aagaatacc caacttatat tggatgcact	10740
gttccagaaa attcaagaa ttattcgat tttataatt ggtataacaa ccaaccaac	10800
ctagatggca atcttaattt tgaacttgac aaagattgc taataaaagg caataaaatt	10860
tactcagaag acacatgcac tctttgcca aaagaatata attaccttt aaacaaaaat	10920
aaagccaagc gaggggagta cccaatcgga gtttcttgc ataatgcaac aggaagattt	10980
gttgcaaaaa ttaaaaaaga agcaaagttt tttgtattt gttttaa taatccagta	11040
gatgcctta ttgcatacaa aaaagaaaag gaatctcata ttatattcat gacaataag	11100
tatagagatc tattaagcga ttctgcttat acggctctt taaattatat gtttaattt	11160
gatgattaac tcaatcatcc aatagtaat agtacaggtt aaataaaacc cgactagcg	11220
gttaaattcc taaaagttt tttgtatcg ggtgaagctt gactatagcc aaacccttt	11280
caaagcttgg atgttagtcgt ttaccagttt ctagaccgtg aatgtgaaca gttgaatcc	11340
ccgtctttct tgctaattca gcttgatttga tttcacggta ttctaaaact tcttcaataa	11400
tttgttcca gtcataaga ccctccattt ttgttagtt taaattatta aattagctat	11460
tgcaaatatt aaataatagt ttactatagg gaatatctta acaggagaaa caaagatgaa	11520
aatcgaaaat atcgctattt tttgttaaaga tttaaaccaa agagatgaag cgaaaaattt	11580
attaaaattt catggactcg gaaatgatgt gtgtccact ggagatcaga atattaccgt	11640
tgatTTTGGT caaacatttt gttttcaga ttttctgtt ggacgaaaaa tttagtttga	11700
tgaattttatg caaagatatt cagaaaacga tatgtatcaa aaaatccacc aagccaaaaa	11760
agaacttggt ttaaataata gtgaactatc tttaaagatg ggtaaatctc gcccstatat	11820
cgcataagatg cttaaccgcg cgccaaagcga gaagggttgc aataaagtta ttaaagaaaat	11880
tgacgaacctt ttggaaatttgc agcagcgctg caaggaaaaa gagtatgcac gatgcgttc	11940
tgaattaaat attccagttt ctataatga tcttcagtt caaaaacacc aagatggcga	12000
gaaagacaaa gaaatttcgg atctcaaaaaa gatcatcgaa agtaaagact tggcaatcag	12060
tggactaatc aaacaaaacg atgaagctaa gaaaattcat gataaggata ttaatacact	12120
ggtcgaggta gaaggaaatc ttattggtgc aaaaattgtat ttggatcgaa caaaagtta	12180
atggattac ttgttaatc aatacaagca atctgaagag gatgtaaata gccttaatc	12240
gaagatcaag cgcgagcgaa tcattatTTT aattgttatt gcaattttaa cggcgctatt	12300
cttcttgaag gttctatttgc ttggatcgat ttgttgcataa tacaagtgtt	12360
ttttaataaa ttactgttagt gagtgtggaa tgaaatgaat atattagagt tggcaaaaaat	12420
cattgataat tcttttcac aagatgatgtt ttactaact actcaaaaagg ttggcggtgt	12480
ttcaagcatc tcaatatccc caagaactgg acaagaaattt gaattttgtt aagttggcgc	12540

tgcttatgga gttaaaataa atgatgaaga gtttgaatta agatctggcg agtttgagtc	12600
gctattatcg ctttatctt gaggcgaat gttgttaac ttaatgaatt aaaatttagct	12660
ccttcggag cttttaat atttgcgcctt gacattaata ctaattcat ttactattga	12720
aatataaac aatggtaaa cattatgaaa aatgcattga ttttagctgc ttctgttgcg	12780
ttagctgcat gttcaggtaa accagttatt actggccctt atgaagttga atcattagat	12840
atgaaacata acgttagctgc cattaaatct ggtgattnag ttttagaagt tgagttgaa	12900
ggtagattct taaagatgg caacggattc caatcatgga atgatgttga ggttgaatct	12960
gttaatgacg taaagtttcaatgaatg ggtgaaacag aaaactatgt tttgccttagc	13020
gaagaagtat caaacattgt tcaagttatt gaaaatgaaa ttgcggagaa aatgtaatga	13080
gttggcttga cgatgtgaaa gaacatggtg cagacgctt cttctggta atcgaacacag	13140
cttatcaaataatgatgtgatt gactctaaag aatacagaaa gcgtatgcat gaatatacagag	13200
atattcagca tcaagaaaaga cagggaaacat tacttaaatt attggagatt tctaaatgag	13260
caatctaact cagcagcaaa aacaaaatgc attagctatt aaacaaacgc ttagcaacc	13320
atcggtgatg aagcgtatttggaaatgat agggcgtaaa tctgtatagct atattacgtc	13380
tgtaatgcag gttattaaatt caaacgggtt attggcgaa tcaactcccg aatcggttat	13440
aggtgcttttatacggctt gtgcgtttaa ttgccattaa aataacaatc ttgggtttgc	13500
ttatatttttgcgtttaaaa atcgacaaac tggcaatcaa gaagcacaat ttcatgtggg	13560
gtggaaaggt tacttgcagt tagcacagcg ctctggtcag attaaaaaga ttgcctcaat	13620
tgcagtttat gacaccgata cagaagaaaag cgtaaaggct cgtttaactt cattcattcc	13680
acaaaaagtt agtggcgaag ttattggta tctggcttat cttgagactg tgacagggtt	13740
tgaagctcat ttaacaatga ccaatgaaga gcttggcgtt catgcaagca agtatacgca	13800
gacgtataag actgcaaaatg cggaaaggca aagctattct gtatggcatc agaattggga	13860
cgcaatgtgt caaaagactg ttattaaatg gcttatctca aaatatgcgc ctatgtcggt	13920
ttagctttag caggcgatttgcatttgcgtt aatgtatca agctgtgatt aatgaagatg gcgaaagcttc	13980
atatgtttagt aatgtatcaag aaagcgaaaa gccattagct cgattgtt ctgaggatca	14040
atccccgcaatcgtggcggttattgaagctggtagcttactaaagagc atgctttaaa	14100
tccagatatt tacgcattaa gcgaagaaca aaagaaaata gttgaggcgt tatgaatcta	14160
attttcgtat gttctgatcttcatgcactatggaaatg caaagtctat tgactctgca	14220
tttctcacag aagaaggatca agcaataaag gcgaaagaaa aacgtaccga tgaagaacaa	14280
aagattttag atgatctttt ggtatagaact ttatcggttca ctgctaaatc actggtaag	14340
aaaaagtttgcgtttaaaa acataaagct ccaagtaagt ttactggaaatg taaagaaacaa	14400

agaaaaggta atttagttga agatgacgca atctgtttc taatgcaaca gaagtttatt	14460
agtgcgaaaa agaatatgat tcgtttact aatgactgga tcactggcga accagacatt	14520
attactaaca cagcaatacg tgacacaaaa tgcccggtt catattggac tatggagtat	14580
tttaaagagg atattgagag caaagctta gatgctggtt atgattggca gcaattaggg	14640
tatatgtggt tggtaagaga gaatcacat tacgagcaga aaataattaa tgaggcttat	14700
cggatttt tcctaattgc aacacctaaa gagtcctaa ctgcacatga tgatgaatat	14760
ttgcataatcg actatgtttt ggaaatgaat cctaatgatc gaatttcatc gtatagagtt	14820
gaatatgatc aaaagaaaaat tgacttaatt aaactaaaag tagaaatggc tagagaatat	14880
gccaaagactt tggttttgg aggataaatg aaaatcaagg aatcattatgt ctttgtttt	14940
gtttttggta tgcaaaaagg tggcataac ttaaatgagc gtaaaggcaa tattgttatg	15000
cgtaaaaacg gaaaggtggc tggaaatttat tttagatcgatc ccgattatta tgaaattaac	15060
gactattgca aggaacgata tgaattgtt ttaacgcaat ggcttaataa tggagtgaa	15120
tttatcaaga attaaaaacg tgaaggcgcg ttagaggtga tgcaaatag agggcaacga	15180
tatttgagt taaaagaaatg agtaaatatg attggtcga agtttctgaa gaagccaatt	15240
atgtagctac agataaagat atggttcaag tggaatttac agaaaaacca atcatctgc	15300
ttaattctgg aatgtggatt gatggcacca taaatggta tcacgattac actcataatg	15360
acaatttgc agatttaaa ggtgactgga aagactcact agagggaaagg cccaaatgaa	15420
cccaatagca atgatttat tttttttgg attaagtttt gttttgtgg ttgtctata	15480
tttatatgag gcatataagc ggaaacgata cgtcaaaaga aagcaagatg atcaacgtaa	15540
atttaaatcct attcgtgaaa agcaatggtg gaagtaaaca tggaaacaatt aattaaacaa	15600
atcgaacaat gggcgtcaga tcgtaatatt attaaagggtt caaagccaaat tgatcaagct	15660
atgaagctgt ttagcgaatt tggagagctt gctgataatg tggtaaagg gcgcgacatt	15720
aaagacgatt gcggcgatat ctattttgtt cttactattt tttctagtca atttaaagat	15780
ggactaatgg agaaagtatg caatgaaagc tacttgcattt ttattgttgg ggctgaggat	15840
ccaaagccag aatgtgtttt gatattaaag gatattgtt gatgtcttct tcgtgattta	15900
agcatattgg ctcaaaattt agatacttat gacatttcgg atgaagttt ttctgtgtt	15960
gtgtgtctca aacgaatcgc ttagctatct gaaacaacat tagaagaatg cgtcaactc	16020
gcataatgacg atataaaaaca cagaaagggg attatgataa atgggttatt tatcaaggaa	16080
tccgaccctg ttatgcaca agtaatttca gaaattgaag gaaattataa tgcttgagaa	16140

atttctaaaa tcactaggat ttctaggtat tgacgcttca aatatgaatt atcaaacttg	16200
tgaaaagaat cattataagt ttgaggatga aaatatagat aagcatggc gtttttcta	16260
tgcttttat aaaaatggtt ttgaggaagg ttacaagcgc ggatggaatg cggcttgtga	16320
tgaatitgc gcacagcaa ttagactaat caataaataa agacaagccc cgaaatgggg	16380
ctttcttaat tcacgcattt aacgcacacc acaacgtgaa tttttttt gattgaatgg	16440
gcagtgcgc cactacaaac tacgcaaagg acgctaaaaa ataagagcga tttcagcaat	16500
ctttgcgct ttatccgatc catatgtat tcgtcttgca ccaacataat cctttttaga	16560
ttgatagatg taatcagata gcttttacc agtaaaccaa ctttccttca tgccagttaa	16620
aagaatttgg atigcatatt ctttttcat aacatcgctt ggatttgcaca aaaagtcatg	16680
tcctagttt tttagaagctt tctcgtaatt ggattgccac gtgagctgaa catagccacg	16740
accatagttt agatgcgaga actcatcaaa cagataaact gaatttttg atccatctt	16800
gaaggtgtac aattgacctt tactatttt ataccatgtt ccataaggc gacccccc	16860
ttttctgtat tcagaaatag gcaacatggt ttgcgtt tccaccatg ttgtgccaa	16920
tacatatgca ctttgtaaat aagatataga cttgttttca tccatcgcat ccacgtgaa	16980
gttaatttca gcgacttggc tttctgttag ctttcctaga gagtctctaa gaatggcgaa	17040
tccaccctta gtcattttca tttttttca cttttaaata ttcatgaata aaacgtactg	17100
ttaaggcagcc aagccctaga cggactaata tttcagcgct ttgcgttgc ccataaaaat	17160
ccctgccttgc cagtttttgc ataaacatttgc ctgttacacc aatagcaagc ataaacataa	17220
ttacatcgac atgcactggaa aactaatct ttggatggaa caccacaaac attaaactgc	17280
cagtaatcaa aaaaaagctt agataattaa gaaacgtcat catcgagctt cactccgtt	17340
tttagattcaa ttcttacctt actacgttt tcgatagctt taattagcat ttttgcataac	17400
gtaatgccac ccatgccata ntgccaccca tgccataaat aaagccaaaa acctcgacat	17460
atccaccggcc agtcaaaaga cctgctgttgc gtgttgcacac gagataacac	17520
caacaatcca gctaataact cggtcagctt acggcttgc agaaggcact agggcggtga	17580
ttgttgcacc agccaccccc ataaatatga cgcctacatg ggcttttagc cactccagaa	17640
tcatgttaac aaaaatccact atagattcat cctatataag ttttacttat aatagcaaaa	17700
ctacgaaggg ttgtgtttt cacattaata ttaagtttac ggcgggtgct ggcgtatagc	17760
taatctcaat actctcttgg ggcattaata tgtaaatacc aacttttact gtgccggcgc	17820
cagctgcaac tggatcgccc tcagtcacag agtctgtacc tctacgcact aatgttggg	17880
ttacagtacc accctgtacg cgaattttaa ctggggatgttgc atttgcataa gtgttgc	17940
atggcgaagc gccaactgtc aagcttgc gtc gtggcttct tgctgatata aattgccag	18000

tgttcattt atacttgcct ctgagcggca ctc当地	19920
aagacattt aaaccttgt gatacctgcg gttgtacttg tggcagttgg aataactcc	19980
tgcccgctat agacttccca agctccacca agcccattat ttgggttac cgtgttgtt	20040
gctacaaggc ttctaaattc ttttggta tcatggatt gaacgattgc gcctaaccga	20100
tagccaccaa attcatctat gacatctgt gaccacgtat aacggttgcc atttgacca	20160
tagatgacat gctcagacag ggcattaaggc accccgttaa aatcttgcc ttttggcc	20220
ttgccaccat ctttgattt tgtcatggta attaaggcg aaccttcata ccatgtaaaa	20280
tcctctggat cttgaccgac ttggcaacc tttgaatag gttcttaac cccattagca	20340
gcgaatgcta tcgggataaa tataggatta gccactatag aaaactccat tgtaaagt	20400
gcttaaatct gaaccattaa agccaaatgt tctatccaca tcaatcttt tatatgat	20460
tccaaacacct gagggcattg gcaacatttt aagagtatag acaataagcc gatcaaatgg	20520
tgttaatgca aactcaaaaa catattggc tgacatatgg cccacaatat cgtaataagc	20580
cttgcgacca tcaaaaacca ttagcaaaaa cttattataa ttccatgcag ttgcata	20640
aatattttag gccccttga ttagtattaa ctttcttagg tctgcatacg ttaaacgata	20700
agaagcaaat gcaccacca cagaaaaaga gtaggtatta aatggcgtt aatctgg	20760
gaagccaaat gttttgcatt tagggtggc agttttgc aacgagaaa cgccaaactt	20820
atctgccccaa atatctaagc caaaaccctc agcgcttgc aagcgataaa cttttcgt	20880
aaaatcatca ataaaatatt gaggatcgat tacttcatta atgccatcaa taagcgccaa	20940
tattgtgggg ctatgtgcgt actgcgacat tatcgatct ttaatattct ccattagctc	21000
tcttaatag aaatcctgaa agaattaaa gaagggtatt ggtcaataacc aataggatt	21060
tcttaaccc atgtggcatt gtctgtactt gccaatattc cttaatcc gatttcg	21120
ataccacaga tataatggc tggataaaa tcttgccaa tacgcaccc attttcacca	21180
gaagcagcgc tagtcagaat atgattaatg acttcttgcgtaatggta agaaatcgca	21240
tctttatctt taacgataac ttttatccaa atatcaagaa aatcaggacg taaaatctt	21300
atggatatt gtggcgggtt ggatgggtat tttcagcaa ttactgtcac gtctgtattg	21360
ccattccaaag agcaaccagt accagctta ataaaagcg ctggccac atcataatca	21420
ttggccaccaa caacggaaac acaaataagaa tttcgaattt atggataatt tgtaggc	21480
actgttacag ttgcatacg tggatttgcgaa attacataag catctacaac gtcacgaa	21540
gccaatctg cgccaaatgt agcggaaatca gtcatttttag aattgttgc tacagactt	21600

tttcggcgca cctcaaaatc aacacgactc tcttcgtcat atcccatcac cgcgctatct	21660
tcattgtaaa cacgatcaag accattaatg gatgttgga taacaacaat agagtttgg	21720
agtgttcaa tagtccagc ctcatcacaa gttactgtaa tcgtcacttt gccatttaaa	21780
ccaatattat aagtccatt ggttcgcca gttcgaccag acaaattctig aacagcaaaa	21840
ccttctggaa ttggcgacc agacaagccc tcaaacacaa cagggcattg agaacggta	21900
gcaagcttc ttgttaaaaa ataaagctca ccgatagcat ctgaaaaat accttgtcg	21960
tatcgccgat catattggtt agctagataa acaagcttgt cataacaatc tttattaca	22020
gcagtcatg aagtgtttaa ttgatattga ggcgaacctt gaacgcgaga aacattgccc	22080
ccaaaggagt catcaatcat ttcccatgt ccattgtga ttgttcggt atctggacc	22140
gagtaaccaa catcagttat ttctatctt gggatcataa gccactact ccgctaagat	22200
tttatcatt cgtaaactca atagatccag acgctacacg atccttatcc aaagccaatt	22260
ttacattaac cgatactaca ccagaaacaa gtaatgatct ttcttgtaag tggcgctgat	22320
ataaagaaat tggatagcca aatttaccca tgattgactc taaaatagg attccatcat	22380
tcttgttgcata atagtcatct ccaagaaaaa cacgacatga acacgcaata tcttgcgctt	22440
gttggactc ttcatgtact acagcaatat ttccttgct gtccaaacgct aagtcccaag	22500
ttttgggtt tagaaacatg gtcttcataat aatattcacc cccataattc ttagcacaat	22560
taataaagtg aaaaatgccg ccactgcata agcaatactt cgcgctgaat gaatcacaat	22620
aatgcccga acaaaaccaa taaagaacca gaataactca tgaattgca taattaagcc	22680
tttggaccgt ctgtatcgct agagcctt tgaacccgc caigtttatg agtaacaag	22740
ctaatacgctt tagtattat atcgttaaa gattcaatta tgcctgatac tgttaatttt	22800
ccattaggtt ttacaacttc tggcgcatca agaacaatct ttgaatttgc tttgatatgg	22860
atttcattgc cttaaacca gatataattgt tcagccttt ctttgctcca agtcattgtt	22920
aagaatgcgt ccgactggcgt gcaaatgcga ttacgttg gtccaaactt tgaacgagg	22980
ctcttaaca aagatgtgtc acgagtcgca aatacgcaaa atcctatgtc accaacctgc	23040
ggatcacata taaccgcatt cttccaccc ttttgcgtt agtaaggcac attatgaatt	23100
tgccttagct cttagattgtt gttatccgca ccaatacgat aaagcatagg tttaacagaa	23160
acaaaaccga ctggaccatt gtcgttgaa taaactctg ttatctccac gacttcacca	23220
gtgttagtt cactggaaag aattgagaga atattagcct taaattctt agcggccca	23280
agattattga ttttaaagcc actagcgttg gactgctgca tctttgaat tcctccaagt	23340
cgcatttaca ttcatggcc acttgcctt tggatattt gttcaagtg tagcaacaag	23400
tccatatacg cgccaatctt gattgacaac atcacctata atgctttctc taatttgac	23460

aatgcccacca aatctaacaat gtggatcata cgcacaacta aatgttattc ctcttgatc	23520
tggtcagg tagccaatta aaccgtctt aggcgtatg attggtatct taactccct	23580
atccccaccc ttcttgcaaa taacaattaa tcttgctcg atgtacaaat caaagtcga	23640
catttgagct aactttcaa tttctcaat atttgagccg ttcagtgtgg tgtctgttag	23700
gatgtgagta acgccataat tttcaaactc atattgcatg tcttgcgcta agaatttaat	23760
aatatctgt gcatcaacct ctccacccccc tggatagtg aatgggtcag taggacgcat	23820
ttttcaact acagccattt ggcttgaat tactagcgct acatggcg cgccatctgt	23880
attgactgtc gcaaatgtaa tattccctc ataagcaact tttagtggtt gccccgttcc	23940
ggccgacccca atcttaacca tgttttagat tgcttgcattt gtattccatt ggacgcccgt	24000
aagcttattc actgttagaaa ggggtaggcc gtaagcggtt atttgagccg tcggcgaaat	24060
agccccattt ccataatgtga tatttgtttagat tatggctaaag ccagtagatg ataatcggtt	24120
atcacccatca gccgtaaaag tttgaacgcc atcttgcattt gtttgcgttta tttaatgac	24180
cttcttttc acaataaaaaa gcctccgtat tggaggcttag tataacctaa ttaataaaaa	24240
tgggtgtccca cgtaatagg ctatttcac tgcaccccg tcaggctagg caccatgaaa	24300
tcatacttcg tccgtccata taagtaataa acgagttaccc aagcctgtgtt attcaggatc	24360
actatttcca tctatataaa caaaaataaa gccatgcctt agataagttc gattcaggca	24420
tatccgattt aataatacat caccatcatt gttttagat aaactgatat ataaattatt	24480
taatcgagtt tctagggtga ttgccaagt aacaccattt aatgtatgtag tgaaaaatttg	24540
gttcgggact tgtgataaaag gaatatcgta ttgagccatg ttatccctgg aaaagtccac	24600
gtaaaacact ggttcgtgt gttgattgt taggccacc atctacagtt ttagatcg	24660
taggcgttt tacttccatca atagagtattt ccactctagc ctccaaacacc tcttcaagat	24720
caacattaaac agtaatcattt gttgaccat cttgagcaga gcgagcatga ttgatgccga	24780
caatctgata atttagataa acgtactcgat gtgtataat gtgaaagctt aaagttgatt	24840
tttagtagagc ttcaatctga cctagaaaca agcttcttc aagcacacca ccactgcctt	24900
tttgacatttga aacagttagcc atagaaggag cattcactttt gtttatataa gcaaatgagc	24960
cttgctctac tgggtatattt gaaatgttag agccagcatc gtaattcata cttacaacag	25020
tatcggtttt aacaataggg attccaaattt gattgacgtt ccccatgtc ttggcaata	25080
caccattaaat tagagcagca cggccaaatg aaagaccgac atttgcataa gcttccactg	25140
gtataaaatc tggtacagaa ggcattcccg ctaacatata tcacctaattt aatgtat	25200
cggaattgtt agaattgttccat tttttttttt cccattgtcat cttggacatttccagtaacg	25260
gtacttgcgtt atgtttgtt gtttatataa cttttttttt cttggacttc attagcctt	25320

tttgcattg ctgggttg tctagttt gttaagtcaa taaagtcgt ttgtctggtt	25380
gcttcagtg cagcagcaac agcttgcattt ccaattgttag ctttataaa tccagccca	25440
tcatgaacgc cgccaccagt agtttctga atagaagccc aacgagccgc aagtacgtta	25500
ttctggaatt gctcaggagt agctttacca gcgcgcacag cattcaagcc atatttaccc	25560
ctactgataa ttgcacatgc catagcatct tggtttcag ggctaaacat atccttgtca	25620
cttaatccag cagcacggat atagtcataa aagccagaat aaataaactg ataacgaccc	25680
attgccgaag atcggcgctt agcaggaata ccgcgagatt tctgttcatt taaatttgc	25740
ctttgcattt cttaacttgc tccgatcgat agttgagata gttccttccc aaacatttgt	25800
ttagccaaa tccttagcacc acgataggca acattgtgc cacttggtgc ggttgtgctt	25860
acttcacctt ttgcaatcaa gtccaagata gcattgccac cttttatgt tgccgttgca	25920
attgttggag cagaagaagc aggggtgttt ggatttacaa gattaccaac agcattagct	25980
aacgttcctt gttttgccca aaatacgtca tcaacaaaat cagcgctct tgagtagtag	26040
tttttaagca tatcccaagc ttgttaaggct gccccttaa aatcaccaga cactaattta	26100
tcaagaatct cagcatagcc tttaagcgat ggtattgcatttattcagcat gtcttgctt	26160
agattgtgtca aagcattttt caagttatca acagataaag tcgaatcatc aatatacttt	26220
ttgaatgcgc cccaaatcgaa caaggacttg ccaccccttg cccaaatttt atagtcgtca	26280
tagagcaacc caaatgccgc gcctaaagca cctacaacta gaataaatgg ggaaaatgga	26340
gcgataaacg ctaaagccgc aattgttagcc tttgttagaa ttggatgatgaaatagccca	26400
atagtaaaag atattgtgt gaaaacaccc ttacttgat ctcatgttc ttgcaggat	26460
tcaaaagatac caagcgcaac ttcaactaaggc ttccacaata acggatgatgat agcatctgcc	26520
atcattgttt taagtgttcc ccaatgctga cctagcaatg ctgggtttt tgccatttgaa	26580
cgagatgctt ttaattcttc ttggaggac ttgtacatct tagattgata ttcaagcatc	26640
ttctccattt cttaacgccc ttgcacaagc gtattaaatg tgccctcatc aattccatt	26700
tttgaggcaa tagagaatgc ttgtcgccgg tccattttag agaatgaatc cgcaaggct	26760
aacatcacat catcgtttt tcttagcttgc ctttgcgttgc cgaccatgcc aacgccccaa	26820
gcgttcataa atggcaatag ggtgttatcg cccatagtgaa caaaatcattt catccccatg	26880
tttagggatt tgattgttcc agtcatgcct tgagcagatc cacccattgc accagcagcg	26940
ccttgccaaat tttaatggt gtttgcgttgc attccttagat tgccgtcaag atgataaagc	27000
tcgtcattaa gctttgaac ttgtatcaacc attttaagaa taccagtagc agcggcagct	27060

acgctaaacc accgcgctaa agtcttggtt acgttgccaa cgatcttatac ggtttcgctg	27120
acagacttat tcagcttgtc gttattcgac ttggctttt cggcttcacg attatattgt	27180
gagccgtcca acccaagctt tacaattatac gactcaacaa catttcagc cattttacc	27240
tctgttcttg actagcaaaa tatthaattt ttgcttcgtt gtagtcggcg acttgcgttag	27300
cttcaatcat gtttagcgca ccctcaagac cgatacaagt gtttaactgg tgatagtac	27360
acattccagt taataatgct ctatacactg tttcagacat atgcaaagg gcagccaaa	27420
caccatctt taattcttga ttactcatcg cgtccttgcg ataagaataa tcaagcacta	27480
agcttcgcct tttctaaaaa aatcaatatg aatcccaatt gcgtgagcag ctagaatgg	27540
aaagttctta aagtctttaa tctccgtatcc cacatataa atacgtggtt caccagactt	27600
ggacaacatt tgtacacagc gatcaagtaa atcaaatttt aattcgcgtg aaatttcatg	27660
tggaaatacga cctagcacgg taaagactgc cgcccaatt tcaatcattc cagccattga	27720
ttttgtatca agattcaata catcaacgtc tttaaatttta acaccactat tcgcggcttg	27780
ttctaaaaga ccatgtgccccc attcatcagc ttgaatcgct ggcatttccg tgatttaaa	27840
aactttgcct ttatcgcgac catttcaat agtaactgtt ttgtctta agccttcaga	27900
catgatttta gcctctaaaaa aataaaaagg ggattgctcc cttatgggtt agttaacttc	27960
gattaaggct tctgaaatac cttcaatgct gtatgtgcta ccagctaata aagccctac	28020
accagtacgg ccagccttgc ccacaaaaca acctttgatt gtttgagagc gcttaacaga	28080
aggatagtaa gcacgaagct caatcgccaa tacgtccatc atcttaacaa agttttgtt	28140
aatgttttca aaaaccatga cagatttact gtttagcagct aaagaaattt tactgttgg	28200
tttgggttggaa atgaagccca ttgacaattt gccatctaca cctacttcag ttgtgc当地	28260
cgtcacatcc tcaaatacgca aaaacgcatac tttttgtgcc cttcaagcg taatccagtc	28320
gtcataaaattt ccagcacagc gcattgatattt gaccgttattt gggatgtaa ttgtgttccg	28380
attaagaccc attgacataa gttaatctcc ttactgaacg ttagtagcag tcatttctag	28440
acgttgcattt ctagaggcgtt ccgtatagaa taacttgata ataaatgatt cacgagccac	28500
gcgagtttgc gagtctggca aagtaataga tagccccaa cttgtgcga ataatttgact	28560
agcagcatca aagccagctt cttgattcac ttggaaatttt tgagcattag acaagtttac	28620
accagcgccgg ataccaccaa agttaataacc ttgatcaattt ggatcttgcg agtatgctcg	28680
aactgttagca ataccttgat cattgtatgg gattgtctt tgagcttggaa acatgttcat	28740
atatgcaagc tgcaattttag tacgcaagaa cacttggaa tcaaagttttaatccattt	28800
gtactgaccc gttacagagc cattgccagc aaactggaat cggtcattag cagtagccca	28860
agcgcctatag aatgagtagc cattttaac taatgttcc gcatcagttt cattttttac	28920

aacctcaat agtgcttctg tattactatt tactgccgtt gtcatgtat tagctatact	30840
tcttaatctt agactcatta aaaaaagccc catcggttga tgaggctagt ttaacattat	30900
tactaaaaag ttttacaag attgtatgtat atagaatcat catcaacatc ctcaaattt	30960
agtttactat ttggaaagaa ttactaata aggtcgactg cattaagcc acatgaatga	31020
atactcatat agtaaaaatc atggatcatt ttctcgag cggttatttt aataacatct	31080
aaatttgtaa cctcaccatt ttcacttca accaaatcat catacttattt atttaccatc	31140
ctaaaaattt ctatatgatt cataccaaac cccttattt gcatattctt attatatcta	31200
tttactatcg agaatgcaat atgtgattt attaatctat aattttgtt gtgaaaagcg	31260
tttgatcgaa tataagaagt gccttaatgt aatcatctga acatttcgca agatcaacat	31320
cattcaatttgc tcttgattcg gcatcttga aaaattcaat ggcttttca atcttctgg	31380
aaagtttctc tgaatttact ttatagata ctttcatagt ttaccctcaa caacttcgta	31440
tttgatttag tcgtgcatta gcatggatc acgcagcgga gaatcgctcc ctttcttagc	31500
aatcgtgtat ggtgcgttag ggggttgcga ccaaattcata atagaatact gaatcttatt	31560
ctgcataactc aatccaacca aattgagtgt atgcttaat gtatattccag ccttaatacc	31620
ttttttggtt aattctaccc aagcttctt ttgctcttt acagtgggtc tcataaatgg	31680
acgacttgga atattcttaa atccatattc gttttatag gccacagtagt caacgctagt	31740
cccatctgga tattttgcattt cttctaaagac accagtttt acatattgtat cattactaga	31800
tatcaagcgg tttaatgctt ggtctagtga gcctgtacgt tttattgaca tgagtagccc	31860
tccacatttgc ttaatgttttgcattt catcattcat caccaactca taaacatgaa taaaattcac	31920
ctcatttaaa ttgtatgaat aattctaaatgtt atgcttaatgtt tgcatagatg aacaagttaa	31980
caataagtga aatcaaagat gaattttttt cacttaacga tttaatca aatgtataaa	32040
tttatctgtt acttacaacc agtgtgaaac taagtaaattc ggttatgtgg tcggaaacaac	32100
tataacggca ggcgcatacgta taaacaatcc tgtactgtga gggtaagca aacaggaatc	32160
tgttggata gtcagaaatg ggcgtgttgg cagagttgg actgagttaa atcagggtaa	32220
ctagcaacccg aaatatgtttt aacaatgtt tcggacttta atcgaagggtt cggctccagt	32280
agcatactttt gataaagtta atgttcaaga tagttttttt aaaaaagact gtcttaggtt	32340
gaatattaaac ttttctctc agaatctcactt caatagcata tatctatata gtatttagtt	32400
actttaataaa gattttagggg taaatcatgg ctaaaaaaca aaaaagtccg aaattgaatc	32460
ttgaaactcg acaacttcgt gactttgaaa attggtaat aggcaaggc gcagacatttgc	32520

ttgccattaa gaacaaaggt gaatcaatta gatttatctt tcatggacga tgtggactga	32580
tctacaacac aatgcgcgca aatccactcg gaactcaatt agctaaagtc ttctgtataa	32640
ccaaaaata accattcgg tttgttgc cttaacttt gcaatacggt tgcatataaa	32700
aaacccgtc aatcgacagg gttaaatgt gaaatcaata ttttgatata gggctaacc	32760
tccagcctt ctgagctaag accatagcct tcttaaga tgagatcctt attcataatt	32820
accaaccaa accatgctta tcaaagaatt ttaaaaattg atgtaataca aattcaacaa	32880
ggtcttcttg atttcagca tattcaaggc ctgtgaagca cttatcttt ctggtaataa	32940
cagcaatagc agaaccttcc acttgaattt cagcaaaaaa acaaccagct ttaacggtgt	33000
gaatttctac gcgtccagaa atttgtgaag aagttcaat ttcacattca ggaaactcac	33060
gcttgaata tccaataact ttatcaatat tcataaatac acctattaaat taatagtgc	33120
cccacccaaa aggataaggt ccttagtgc gttaactgg catggagca gtagcagcaa	33180
cccaagttgc tgtacgatac gcagcagtct tggcatagaa ctcagcacca tacggcgtag	33240
attnaagcca ttgctccata gcacctgaac ccataggta gtcggacta acagatata	33300
agccttctgt agccgatgaa atgcgtccta caagtccagt gttccgcca ttgatcctgt	33360
tttgcatttc agctttgtga gccaccaata gccaataccca taacttacga ttcttcaagc	33420
taatgcaaga atttcgcta ttatcaagca agcattcgat agattcaaaa aagtaagtta	33480
attgctcggt tgaataacta ttgaattgcg gaaatgcaag cttaatgca gcaggatcga	33540
aaacgaaaac attagacatt agtttcctc aagtttgcctt ttttgcata gctctgctgg	33600
atctaggcgt tcaagtccag tttaacttt ggcttttctt tttgcctcggt ctttgcattt	33660
agacgaagat tcatccgcat agatcaactg gtttactaga agatcatggg tagcaaatcg	33720
agcgcgc当地 gcatcccaca attcttatac tacggcactt gttaaaccaa cttttctaaa	33780
gccaccatca atatacatag aactaggaa gttccacccg ttaataactt gtgattttcc	33840
ttccatttcc atcaaaaatag gaaaagggtt aagtaatgaa atagttacag ttgcattgt	33900
ttaagcctct tatttgataa cgttatctt acctaaaaaa aatgctaccg ctgggttagc	33960
actttcttgt tattgattag ggagttcggt ttggactgt tgctgtaca acaacattg	34020
ggcggcgaat aatcgccgcg taagttttt gacaacgctt ttgaatccaa ccagatgcct	34080
tctgaatcat tggatgaaca cgcattttt cagcataagc caattgaatt gtgtcacttc	34140
cttgatactt gcaagaacc aactgaacaa cctgacccgtt agctgtcgaa tattcaggaa	34200
ctgagtaaat gcttaaattt gggaaagctt tttcaagta gtcagcaaca ttaagaccgt	34260
aatcggttgc tgctgtatg agcgcttctt gctctgggtt gatcaacaaa ataaggtcg	34320
cagtagcgtt aactaagccg ttgcgttgcg tagccaaatg tttaaacatt tttgtatgt	34380

cgccaacaat cttaatgga agctcgaacg tccaaagcatc tggaatagga attgctggca	34440
ataggttcgg gtcgttcaga acaccatagt ttgc当地 accaaggcc agctacacca aaagcataga	34500
tttcatgtt catcttgaaa agtgc当地 taaatccaa ctctaattca gcagccc当地	34560
taagtttagc ttgc当地 ctaaa atagccgc当地 cttttccacc aacgc当地 aactgtt当地	34620
aattgtaaga ttggccgtt tggttagttt cgtttgc当地 agttgtgcc local ttatcattcc	34680
agtc当地 cta ggttaacgggc ttaccaccat tctcaacaac aggaaatgtc ataacagaag	34740
ttgtccagtc gc当地 tctga acttcttgc当地 gagc当地 ctgtt当地 taacgagttt ggagagaata	34800
aaatgc当地 ctgtt当地 aacttcttgc当地 tcaataaatt gc当地 aacat ctgcaaaaca ccagc当地 tag	34860
gc当地 ttaag catitgc当地 tcttgc当地 taatcattt gtgc当地 gagga gttgc当地 tacc	34920
gaggc当地 tgc当地 ttc当地 agggtt tagttaacgc当地 aacgc当地 aag ct当地 tt当地 gaggt ttaaagctt	34980
gatttttgc当地 agtcatcttgc当地 tc当地 accttt当地 tagtaatgt agtcaatgtca tttgc当地 aacag	35040
c当地 gccaatcgc aactttaat cc当地 agtgc当地 ctgttgc当地 tagtgc当地 tctgc当地 tagaa	35100
cc当地 gcaatttgc当地 gccatcttgc当地 ttagatgc当地 aaacatttgc当地 accaacggc当地 gtaggagtag	35160
cgatctggat atagaatgtc ccttatgtc gcaacgtt local ttcccttcca gc当地 aggaatttgc当地	35220
tcatagacgc ctgaccaaggc cactgagtaa taaccgc当地 attgc当地 gagaa cgactaaca	35280
aaccacagg cttgttcca ctaatttacat tagtaaccaa tccagtatgc gggc当地 agtgc当地	35340
c当地 gcaaatcg agc当地 aataacc acaccagaag cacctgctcg gaatttgagcg cggccagaca	35400
atagggtatg gcgagggtt tgc当地 gatgc当地 aatcaccaggc aacaccaggta cccatctt当地	35460
tgttaacttgc当地 ttgttgc当地 aatgc当地 cctcaaccta attaatgtc agcaaaaatgc当地	35520
tgc当地 taggatg catcatataa agatgaatcc atagccatag atttaggagc ttctgtt当地 acc	35580
ttctgc当地 gact taacaagagc agccaaaggcc gc当地 agtattaa taccaggatgt gtctacacct	35640
ttctgtt当地 aatgc当地 ataaacttca tgatctgagc taaagccatc aagagcaata	35700
acacccacta aaggctcaac ttgc当地 gagcc local gc当地 tt当地 aagaaggccgca	35760
atttcagcag catcttgc当地 aatttctt当地 ttgtctgtt当地 tcttgc当地 ctgc当地 tctgtct	35820
ttgtc当地 agtgc当地 ttcttaacgc ttacgc当地 ttatgc当地 ttgc当地 cc当地 tcttcatct	35880
ttggctt当地 gtcatc当地 aatgc当地 atttcaacgc atttcttacat catcttcatc ttctgc当地 cttt	35940
ttgtctgtt当地 cgtccctggc tttcttgc当地 tcttcatca local gagccaaaga accgtgaacgc当地	36000
gccacaatag tt当地 ttttaac atttccaaa gaatccatgc ctaactgtt当地 ttgc当地 agtgc当地	36060
gcaaggcttc cgttttaag ttgattgtc atcaatttgc当地 cctctattga atctgc当地 gata	36120
atcgc当地 gtcaac accacgttca acgatagca local cgtgattacc atgaatatttgc当地	36180
gtc当地 cataatac catcataagg tacaccatta aaagtaccgc acttcatgac agcatcataa	36240

ccttgagcgc ttgtctata tcacaaatcg tttcttaat agattcacta taagttcta	38040
atgattcggtt attaatgtat ctaagctttt ttgttatttc taaagctaaa tccaccctct	38100
tttgcattt caacatattt atgccttgcgt gagtgtataa tgttgcagc tcgtcacgct	38160
cttgcgtat ctittaaag taaacttcat gaccaatcac ttcaccgtga tgagatgttt	38220
taagctctc cacttcgct tgctgggtgt ttaatccaa tgaataaata tcaa atgttt	38280
cagtcctgtc cgctgaaaca ttcatatagt ttcttccca ccattcatca aacttttagtt	38340
caaactctt aaactcactc atggctggct ccttttctg catcacacat ttcacattna	38400
tctatatgcc cccacccatc atctcgaatg aagccaaacc cttacaaggc cttacatttg	38460
actttctttt tcicacccac caagaaatat cgatcttct ggtttaggtt aatataata	38520
gaacctgagt aatagcgct taacgccccca tcaatatgaa attcgtgtgg acctacacaa	38580
aacatccacc cggaaatcccc gcccacttt gttaaccatg tgaaatatgc ttctctccat	38640
ttcacataaac gcccagacag atgaggagtc aacaattcaa ttaaacgtgc tctaagcatc	38700
tccatgcttg ctgacatatac tccatagtga tattcaagat tgttagtata ctcgcctgtg	38760
ttatatcttag ttggcatgag attcaccggc tccgtatatt gattcgttgt ctgttattgc	38820
ctgctccaat tcatcccagc cgcttacatt tggatgtttt gctttattcc gcgttaggtt	38880
gtcttggca aacttagtac caccatgeca cttgatcaga tcaatcgact ccaccaagcg	38940
tttgagatcc gccatgttca caagttcaat tcttggatta aaacgatctg aataactttt	39000
tgctttggtg cagtagcata atgtttagta gtaacactcc atatattgc ttggatgcc	39060
ttcaacaacc tctcgccct tatccaaatcc ttgctcacga ataaactgtt ctgggttcat	39120
ttaaaaatac tccaatacat caaaggccag taaattgcat gattttaat atctttcca	39180
caaaattgac attaatcat attaatcat ccattctggt tttttacct ttaggtttt	39240
atgtggttca tcagggaaaga taaaagtac ataaacttg ctttcttcat aatgataaca	39300
tccctctggc atgttcgctt taagccattc taatttgcc ttgctcattt aattctccat	39360
gcaatattctt attgcttggt ctaatgaatg aaacatatac acatgatttt ctaactcata	39420
cacatgatac agccaatcta agtgatctat ttttattgtt cttccattaa caaaaataga	39480
ttcaccatca aaaaccactt ctgctttaat catttcaaac cccttctgtt gaataactaa	39540
atcttaccac tattaaatat aattctcaat agtaaatcta aaatagttt gacaaaataa	39600
aaccacccgt taggatggtt ctaaataaac tttagatgaag tgaacatggg agagtcgaac	39660
tcgccaataa aacagtattt tacaatgggtt gatcaatccc accgcccacaa aaaccaattt	39720
agtaattaaat tcaatcttat aatgtgaact gcaatattctt agcacctaag ctattctt	39780
ctcttaagttt cctactttca ggccgtcatc ggtttctgtt gccaataccg aaaacaacag	39840

aattataagc tggcttaagc atttgccaa cgggacgcataatgtaa gcaatcgcc	41760
tatgatgtac attttaccc ataaccacc actgcttagg cacaagaaa tcacttcta	41820
gtggattatt tgcatgtac atactaggcg tggaccaaag cggtcaata accgtgaagc	41880
ctttaacga gccttctta atgccttct cgtaatcaa tagaggcaga tcggcttat	41940
cctttgccc ttcatctga atgtataact gagagccacc atagtagtaa tcattctga	42000
tgtgcttacg gacaagggtt cgaatgtcca gcctgtaaa ttcttccatg agaatgtcta	42060
cgcgttctg gtcatcaccc ttgacctac cccattcggttgtcatcttgagcaaatg	42120
tttcagcaac taggcgatatactgatcact gaggcaatggactaataact tgatagccta	42180
aaaagttgct ataaaactgt ggctctaatac cagcatattt cgaagctgtt caaaaccat	42240
ccattgcat agcgctatga ccatctggtg caacaccatc aggcaagaa ggcgtttgt	42300
actgaatcgc cacacccatca ttatgcgtt gcatagcatt taacaagcg ttccatttcg	42360
gcttcgctt tggccttct tctttcttc tgaaccatc aaacatgttt tacctccga	42420
aagccgattt aatatcgccg atgttaatct tcataccat gccacgttcaatgttttt	42480
caagtgcata ggcataatgca tcgacatagt gtttatctt gtcaatgata atagtaata	42540
cctcatctgtt cagcctgtcttttgcgtt agtaatcactt gaaactttt acgttttttt	42600
tgcatgtatc atgaatgttag actttcttaa acgatttgat gaattcaata ccattctaa	42660
cagaaccctt gcccttctca acaggcgaa ttctacgcaaa acctttctttttttaatgac	42720
taatagatttccaggcgtt ctatccgtt aaacagcata ctcttaatg tctggatattt	42780
tcttccttaaa aatattcaaca gtatgtttaa gctcaagacc aactttcccg ctttcgtt	42840
caatccacaa agaatcatca tgaatccaga ctttgacaca tgccgttgaa tcttgagcaa	42900
aacccaaatgc caatccaata taaggaccat gccacttttgggtctggc gtaaaatcct	42960
ttttctcgta ttacccttg aagatttgatcactt gctcagacat ttcaagataa ggccttccc	43020
atatccagcg ataagttaca tcgtcaagat ttgcttgatc tcgttacgt tccaaatcgaa	43080
gaacatgagg gaaccacgga ttatcagaat agttcatctc agcaccataa ccgatttagaa	43140
cgcctatcatc atcccgatattt tcttcgttcaaaaccgtgt tgaggttggg ctatctcgatc	43200
tttcagggtt ccacgttacc cacacttcgaaataaacaat ctggccatta ggtatcacaa	43260
tttcttcacg tacagtttgtt aatagcttac gccaagccat ctgcgttacc gtttcagecct	43320
catccaccca actaagccaa atacgcgtt tagatgtt gctatctaag ttatgacgca	43380
agccacagaa agaatagtaa atattttat tcttggttat aatatagttt tcaccatgt	43440

cgttaataatc	gtctaaaaag	gggacggatt	taatgcctg	cctaacctcc	tccattgaag	43500
aatcagcaag	agtattcata	tattcacgac	cgcagaggat	agtcccacca	acaccatct	43560
cggaaaacat	ataaccctta	attgcggta	ttagggcgaa	cgtccttgtt	tttgctgatc	43620
cgcgaccacc	ccacgaggaa	cggtagcga	cacctigcgc	tgaaaataca	gggatiaact	43680
taggcggtat	ctgtatctgt	gtttcgaca	ttaggcgcta	ctagctaat	gatggttggt	43740
ttatagttca	cggattcgcc	attcgtggtg	acatccacag	cctgctttc	ttgccatcct	43800
gcttggactt	ttaaccaaaa	aatagcagca	ggtgtgctac	cgttctgcgc	ctgctgaaat	43860
aaggattgcg	ccatttcat	gttggcctga	atttcgcc	ggtctaaaat	ttctcgtaa	43920
tacttatata	gcgtttttt	atcaatgcgg	atataitgcag	aaatctgatc	atgcgggatg	43980
cccattgatg	caagcgcgcg	tacttcggct	tttgcgtt	cgggtggttc	atgtggttta	44040
gtcattaaac	ttctctcccg	tgctttcaag	tacagcatct	ttgcctgtca	atgtctgcca	44100
acggttaata	ataacatcac	agtatttcgg	gtcgagttcc	ataagatagg	cttgcgggt	44160
ggtttttcg	catccgatta	atgttgatcc	actgcgcgcg	aataggctta	aaacgcgacc	44220
atttgttta	caaaaatcat	taatccctct	ctcagatagc	tcagttggtt	tttgggttgg	44280
gtgaacgtat	gagettgatc	catcctttt	aacatcccat	actgcctatac	cacgcttacc	44340
attaaaccta	ggtctgcctt	tcacacaaaa	cagagcaatc	tcataatcta	aagcataact	44400
tccttcaagg	tcaccaattc	cggcaccatg	tttataccat	atcaatgttt	gtttatagaa	44460
cgactcaaat	tgcctctcc	attgtggata	aacgtgggt	gaagtccaaa	taaaagctgc	44520
agtgtcatcc	ttcataaaatg	aataaataac	tggagcaata	tcaagtatta	catcatcatt	44580
ttaataaca	tcaaattt					44597
<210>	2					
<211>	202					
<212>	PRT					

<213> Unknown

<220><223> Bacteriophage YMC14/01/P262_ABA_BP ORF38

<400> 2

Met Lys Met Thr Lys Gly Gly Phe Ala Ile Leu Arg Asp Ser Leu Gly

1	5	10	15
---	---	----	----

Arg Leu Thr Glu Ser Gln Val Ala Glu Ile Asn Phe Ile Val Asp Ala

20	25	30
----	----	----

Met Asp Lys Asp Lys Ser Ile Ser Tyr Ser Gln Gly Ala Tyr Val Leu

35	40	45
----	----	----

Ala Thr Thr Trp Trp Glu Thr Ala Lys Thr Met Leu Pro Ile Ser Glu

50 55 60

Tyr Arg Lys Gly Lys Gly Arg Pro Tyr Gly Thr Trp Tyr Lys Asn Ser

65 70 75 80

Lys Gly Gln Leu Tyr Thr Phe Lys Asp Gly Ser Lys Asn Ser Val Tyr

85 90 95

Leu Phe Asp Glu Phe Ser His Leu Tyr Tyr Gly Arg Gly Tyr Val Gln

100 105 110

Leu Thr Trp Gln Ser Asn Tyr Glu Lys Ala Ser Lys Lys Leu Gly His

115 120 125

Asp Phe Leu Ser Asn Pro Asp Asp Val Met Lys Lys Glu Tyr Ala Ile

130 135 140

Gln Ile Leu Leu Thr Gly Met Lys Glu Gly Trp Phe Thr Gly Lys Lys

145 150 155 160

Leu Ser Asp Tyr Ile Tyr Gln Ser Lys Lys Asp Tyr Val Gly Ala Arg

165 170 175

Arg Ile Ile Asn Gly Ser Asp Lys Ala Gln Lys Ile Ala Glu Ile Ala

180 185 190

Leu Ile Phe Glu Arg Ala Leu Arg Ser Leu

195 200

<210> 3

<211> 682

<212> PRT

<213> Unknown

<220><223> Bacteriophage YMC14/01/P262_ABA_BP ORF50

<400> 3

Met Ala Glu Asn Val Val Glu Ser Ile Ile Val Lys Leu Gly Leu Asp

1 5 10 15

Gly Ser Gln Tyr Asn Arg Glu Ala Glu Lys Ala Lys Ser Asn Asn Asp

20 25 30

Lys Leu Asn Lys Ser Val Ser Glu Thr Asp Lys Ile Val Gly Asn Val

35 40 45

Thr Lys Thr Leu Ala Arg Trp Phe Ser Val Ala Ala Ala Ala Thr Gly

50 55 60

Ile Leu Lys Met Val Asp Gln Val Gln Lys Leu Asn Asp Glu Leu Tyr

65 70 75 80

His Leu Glu Arg Asn Leu Gly Met Ser Ala Ser Thr Ile Lys Asn Trp

85 90 95

Gln Gly Ala Ala Gly Ala Met Gly Gly Ser Ala Gln Gly Met Thr Glu

100 105 110

Ser Ile Lys Ser Leu Asn Met Gly Met Asn Asp Phe Val Thr Met Gly

115 120 125

Asp Thr Thr Leu Leu Pro Phe Met Asn Ala Leu Gly Val Gly Met Val

130 135 140

Asp Ala Gln Gly Lys Leu Arg Lys Thr Asp Asp Val Met Leu Asp Leu

145 150 155 160

Ala Asp Ser Phe Ser Lys Met Asp Arg Glu Gln Ala Phe Ser Ile Ala

165 170 175

Ser Lys Met Gly Ile Asp Glu Gly Thr Phe Asn Thr Leu Val Gln Gly

180 185 190

Arg Lys Glu Met Glu Lys Met Leu Glu Tyr Gln Ser Lys Met Tyr Lys

195 200 205

Ser Ser Glu Glu Glu Leu Lys Ala Ser Arg Gln Leu Ala Gln Asn Arg

210 215 220

Ala Leu Leu Gly Gln His Trp Glu Ser Leu Lys Thr Met Met Ala Asp

225 230 235 240

Ala Ile Ile Pro Leu Phe Val Lys Leu Ser Glu Val Ala Leu Gly Ile

245 250 255

Phe Glu Tyr Leu Gln Glu His Glu Asp Gln Val Lys Gly Val Phe Thr

260 265 270

Ala Ile Ser Phe Thr Ile Gly Ala Ile Leu Ile Pro Ile Leu Thr Lys

275 280 285

Ala Thr Ile Ala Ala Leu Ala Phe Ile Ala Pro Phe Ser Pro Phe Ile
 290 295 300
 Leu Val Val Gly Ala Leu Gly Ala Ala Phe Gly Leu Leu Tyr Asp Asp
 305 310 315 320
 Tyr Lys Thr Trp Ala Glu Gly Lys Ser Leu Phe Asp Trp Gly Ala
 325 330 335

 Phe Lys Lys Tyr Ile Asp Asp Ser Thr Leu Ser Val Asp Asn Leu Lys
 340 345 350
 Asn Ala Phe Ser Asn Leu Gly Lys Asp Met Leu Asn Asn Ala Ile Pro
 355 360 365
 Thr Leu Lys Gly Tyr Ala Glu Ile Leu Asp Lys Leu Val Ser Gly Asp
 370 375 380
 Phe Lys Gly Ala Ala Leu Gln Ala Trp Asp Met Leu Lys Asn Tyr Tyr
 385 390 395 400
 Ser Arg Ala Ala Asp Phe Val Asp Asp Val Phe Gly Gln Lys Gln Gly

 405 410 415
 Thr Leu Ala Asn Ala Val Gly Asn Leu Val Asn Pro Asn Thr Pro Ala
 420 425 430
 Ser Ser Ala Pro Thr Ile Ala Ser Ala Thr Ser Lys Gly Gly Asn Ala
 435 440 445
 Ile Leu Asp Leu Ile Ala Lys Gly Glu Val Ser Thr Thr Ala Pro Ser
 450 455 460
 Gly Tyr Asn Val Ala Tyr Arg Gly Ala Arg Ile Ser Ala Lys Gln Met
 465 470 475 480

 Phe Gly Lys Glu Leu Ser Gln Leu Thr Ile Gly Gln Val Lys Glu Leu
 485 490 495
 Gln Arg Ala Asn Leu Asn Glu Gln Lys Ser Arg Gly Ile Pro Ala Lys
 500 505 510
 Arg Arg Ser Ser Ala Met Gly Arg Tyr Gln Phe Ile Tyr Ser Gly Phe
 515 520 525
 Asp Asp Tyr Ile Arg Ala Ala Gly Leu Ser Asp Lys Asp Met Phe Ser
 530 535 540

Pro Glu Asn Gln Asp Ala Met Ala Met Ala Ile Ile Ser Arg Gly Lys

545 550 555 560

Tyr Gly Leu Asn Ala Val Arg Ala Gly Lys Ala Thr Pro Glu Gln Phe

565 570 575

Gln Asn Asn Val Leu Ala Ala Arg Trp Ala Ser Ile Gln Lys Thr Thr

580 585 590

Gly Gly Gly Val His Asp Ala Ala Gly Phe Asn Lys Ala Thr Ile Gly

595 600 605

Asn Gln Ala Val Ala Ala Ala Leu Gln Ala Thr Arg Gln Ser Asp Phe

610 615 620

Ile Asp Leu Thr Lys Ala Arg Gln Asn Gln Ala Met Ala Asn Lys Ala

625 630 635 640

Asn Glu Val Gln Val Asn Val Gly Asp Ile Asn Ile Gln Thr Ser Ser

645 650 655

Ser Thr Val Thr Gly Asn Val Gln Asp Ala Met Gly Ala Val Lys Asp

660 665 670

Gln Phe Tyr Gln Phe Arg Asn Ser Phe Asn

675 680

<210> 4

<211> 80

<212> PRT

<213

> Unknown

<220><223> Bacteriophage YMC14/01/P262_ABA_BP ORF51

<400> 4

Val Leu Asp Tyr Ser Tyr Arg Lys Asp Ala Met Ser Asn Gln Glu Leu

1 5 10 15

Lys Asp Gly Val Leu Ala Ala Pro Leu His Met Ser Glu Thr Val Tyr

20 25 30

Arg Ala Leu Leu Thr Gly Met Cys Asp Tyr His Gln Leu Asn Thr Cys

35 40 45

Ile Gly Leu Glu Gly Ala Leu Asn Met Ile Glu Ala Lys Gln Val Ala

50	55	60	
Asp Tyr Asn Glu Ala Lys Ile Lys Tyr Phe Ala Ser Gln Glu Gln Arg			
65	70	75	80
<210> 5			
<211> 609			
<212> DNA			
<213> Unknown			
<220><223> Bacteriophage YMC14/01/P262_ABA_BP ORF38			
<400> 5			
atgaaaatga ctaagggtgg attcgccatt cttagagact ctctaggaag gctaacagaa			60
agccaaatcg ctgaaattaa cttcatcgta gatgcgttgg ataaagacaa gtctatatct			120
tattcacaag gtgcataatgt attggcgaca acatgggtgg aaacagcgaa aaccatgttg			180
cctatttctg aatacagaaaa agggaaaggt cgaccttatg gaacatggta taaaaatagt			240
aaaggtaat tgtacacctt caaagatggta tcaaaaaatt cagtttatct gtttgatgag			300
ttctcgcatc tatactatgg tcgtggctat gttcagctca cgtggcaatc caattacgag			360
aaagcttcta aaaaactagg acatgacttt ttgtcaaattc cagacgtatgt tatgaaaaaa			420
gaatatgcaa tccaaattct ttaactggc atgaaggaag gttggtttac tggtaaaaag			480
ctatctgatt acatctatca atctaaaaag gattatgttg gtgcaagacg aatcattaat			540
ggatcggata aagcgaaaaa gattgctgaa atcgcttta ttttgagcg tgcttcggt			600
agtttgttag			609
<210> 6			
<211> 2049			
<212> DNA			
<213> Unknown			
<220><223> Bacteriophage YMC14/01/P262_ABA_BP ORF50			
<400> 6			
atggctgaaa atgttgtga gtcgataatt gtaaagctt ggttggacgg ctcacaatat			60
aatcgtgaag ccgaaaaagc caagtcgaat aacgacaagc tgaataagtc tgtcagcgaa			120
accgataaga tcgtggcaa cgtaacaaag actttagcgc ggtggtttag cgtagctgcc			180
gctgctactg gtattctta aatgggttgcat caagttcaaa agcttaatga cgagctttat			240
catcttgaggc gcaatctagg aatgtcagca agcaccatataaaaattggca aggcgctgt			300
ggtgcaatgg gtggatctgc tcaaggcatg actgaatcaa tcaaattccctt aaacatgggg			360

atgaatgatt ttgtcaact gggcgatact accctattgc catttatgaa cgcttggc	420
gttggcatgg tcgatgctca aggcaagcta agaaaaactg atgatgtgat gtttagacct	480
gcggattcat tctctaaaat ggaccgcgag caagcattct ctattgcctc aaaaatggg	540
attgaatgagg gcacatcaa tacgcttgt caagggcgta aagaaatgga gaagatgctt	600
gaatatcaat ctaagatgta caagtccctc gaagaagaat taaaagcatc tcgtcaattg	660
gcacaaaacc gagcattgct aggtcagcat tggaaatcac taaaacaat gatggcagat	720
gctatcatcc cgttatttgta gaagcttagt gaagttgcgc ttggtatctt tgaatacttg	780
caagaacatg aagatcaagt aaagggtgtt ttacagcaa tatctttac tattggcgt	840
atttcatac caattctaac aaaggctaca attgcggctt tagcgttat cgctccattt	900
tccccattta ttctagttgt aggtgctta ggcgcggcat ttgggtgct ctatgacgac	960
tataaaaactt gggcagaagg tggcaagtcc ttgttcgatt ggggcgcatt caaaaagtat	1020
attgatgatt cgactttatc tttgtataac ttgaaaaatg cttagcata tctaggcaaa	1080
gacatgctga ataatgcaat accaacgcctt aaaggctatg ctgagattct tgataaatta	1140
gtgtctgggt atttaaagg ggcagccctt caagcttggg atatgcttaa aaactactac	1200
tcaagagccg ctgattttgt tcatgacgta ttggcaaaa aacaaggaac gttagctaat	1260
gctgttggta atttgtaaa tccaaacacc cctgctttt ctgctccaac aattgcaagc	1320
gcaacatcaa aagggtggcaa tgctatctt gacttgattt caaagggtga agtaagcaca	1380
accgcaccaa gtggctacaa tttgtccat cgtggtgctt ggatttcggc taaacaaatg	1440
tttggaaagg aactatctca actaacgcattt ggacaagttt aagaattgca aagagcaat	1500
ttaaatgaac agaaatctcg cggattttctt gctaaaggccc gatcttcggc aatgggtcg	1560
tatcgttta ttattctgg ctttgcgtac tataatccgtt ctgctggatt aagtgacaag	1620
gatatgttta gccctgaaaa ccaagatgct atggcgatgg caattatcag tagggtaaa	1680
tatggcttga atgcgtgtcg cgcgttggaaa gctactccgtt agcaattcca gaataacgta	1740
cttgcggctc gttggcttc tattcagaaa actactgggtt gggcggttca tcatgacgac	1800
ggatttaata aggctacaat tggaaatcaa gctgttgctt ctgcactgca agcaaccaga	1860
caaagcgact ttattgactt aaccaaagctt agacaaaacc aagcaatggc aaacaaggct	1920
aatgaagtcc aagtaaatgtt aggtgatattt aacattcaaa catcatcaag taccgttact	1980
ggaaatgtcc aagatgcaat gggcggtt aaagatcaat tctatcaattt ccgaaattca	2040
tttaatttag	2049

<210> 7

<211> 243

<212> DNA

<213> Unknown

<220><223> Bacteriophage YMC14/01/P262_ABA_BP ORF51

<400> 7

gtgcggatt attttatcg caaggacgct atgagtaatc aagaataaa agatgggtt 60

ttggctgccc cttgcatat gtctgaaaca gtgtatagag cattattaac tggaatgtgt 120

gactatcacc agttaaacac ttgtatcggt cttgagggtg cgctaaacat gattgaagct 180

aagcaagtgc ccgactacaa cgaagcaaaa attaaatatt ttgctagtca agaacagagg 240

taa 243

<210> 8

<211> 44580

<212> DNA

<213> Unknown

<220><223> Bacteriophage YMC15/02/T28_ABA_BP

<400> 8

ctgacatatg gcccacaata tcgtaataag ctttgcgacc ataaaaacc attagcaaaa 60

acttattaaat attccatgca gttgcataga gaatattga ggccgccttg atgatgatta 120

actttcttag gtctgcatca gttaaacgt aagaagcaaa tgaccacca tcagaaaaag 180

agttaggtatt aaatggctgg taatctgggtt ggaagccaaa tggggcgat tttaggtcg 240

cagttttgc aaaacgagaa acgccaactt tatctgccta aatatctaag cccaaaccct 300

cagcgcttga taagcgataa acttttcgtt aaaaatcatc aataaaatat tgaggatcga 360

ttacttcatt aatgccatca ataagcgcca atattgtggg gctatgtgcg tactgcgaca 420

ttatcgtatc ttaatattc tccattagct ctccttaata gaaatcctga aagaattaa 480

agaagggtat tggtaatac caatagggat ttcatcaacc catgtggcat tgtctgtact 540

tgccacaatt ctttttaatc cgatttcggt cataccacag atataatcggtt ctggataaa 600

atccttgcctt atacgcacctt tattttcacc agaagcagcg ctgtcgaa tatgattaat 660

gacttcttgtt tcaatgggtt aagaaatcgatc atctttatct ttaacgataa cttttatcca 720

aatatcaaga aaatcaggac gtaaaatctt aattggat tttggcggtt tggatggta 780

gtcttcagca attactgtca cgtctgtattt gccattccaa gagcaaccag taccagttt 840

aataaaagca gctttgcctt catcataatc attgccacca acaacggaaa cacaataga 900

atttcgaattt aatggataat ttgttgagcc tactgttaca gttgcatcag ttggatttga 960

gtggatatt tgttcaagt gtagcaacaa gtccataac gcgcatact tggatgacaa	2880
catcacat aatgtttct ctaatttca caatgccacc aaatctaaca agtggatcat	2940
acgcacaact aaatgttatt cctttgtat ctggcagg gtagccaatt aaaccgtct	3000
taggcgtat gatggatc ttaactccc tatccccacc ttcttgcaa ataacaatta	3060
atcttgctc gatgtacaaa tcaaagtcgc acatttgagc taactttca attttctcaa	3120
tatttgagcc gttcagtgtg gtgtctgtt ggatgtgagt aacgcataa ttttcaaact	3180
catattgcat gtcttgcgt aagaatttaa taatatctgc tgcataacc tcttcacctt	3240
ttggatagt gaatggtca gtaggacgca tttttcaac tacagccatt tggcttgaa	3300
ttactagcgc tacatttggc gcgcacatcg tattgactgt cgcaaatgtat atttccct	3360
cataagcaac ttttagtgcc tgccctgtt cgccgaccc aatcttaacc atgtttagaa	3420
ttgcttgcatt ggtattccat tggacgcgcg taagtttatt cactgttagaa agggtaggc	3480
cgtaagcggt tatttgagcg gtcggcgaaa tagccccatt gccatatgtt atattttag	3540
atatggctaa gccagtagat gataatcggt tattcaccc tc agccgtaaaa gtttgaacgc	3600
catcttgcatt ttttagcggtt attttatgtt cttttttt cacaataaaa agcctccgtt	3660
ttggaggctt gtataaccta attaataaaa ttgggtgtcc acgtgaatag gctatcttca	3720
ctgtcacccc gttaggcgtt gcaccatgaa atcatacttc gtccgtccat ataagtaat	3780
aacgagtacc taaggctgtt tattcaggat cactattcc atcttatatca acaaaaataa	3840
agccatgccc tagataagtt cgattcaggc atatccgatt taataataca tcaccatcat	3900
tgttattaga taaaactgata tataaatttt ttaatcgagt ttcttaggggtt attggccaa	3960
taacaccatt taatgtatgtt gtggaaaatt gggtcgggac ttgtgataaa ggaatatcg	4020
attgagccat gtatccctcc gaaaagtcca cgtaaaacac tggttcgctt tggtgattgc	4080
tttagcgcac catctacagt tttagagtcc ctaggcgtt ttacttcttca aatagagtt	4140
tccactctag cctccaaacac ctcttcaaga tcaacattaa cagtaatcat tggtgcacca	4200
tcttgaggcag agcgagcatg attgtatgcg acaatctgtt aatggatata aacgtactca	4260
ggtgtataaa tggtgaaagct taaagttgtt tttagtagat cttcaatctg accttagaaac	4320
aagttttt caagcacacc accactgcct ttgacattt aacagtagc catagaagga	4380
gcatttcactt ttttatatgtt agcaaatggat ctttgccta ctgggtattt tgaaatgc	4440
gagccagcat cgttaattcat atttacaaca gtatggcata aaacaatagg gattccaaat	4500
tgattgacga tccccatgtt cttggcaat acaccattaa tttagggcgc accggccaaat	4560
gaaagaccga catttgtcaaa agcttccactt ggtataaaaat ctggatcaga aggcatc	4620
gcttaacatata tttttttttt taaatgttattt tcggatatttga tagaaatgtt ctttaaccgc	4680

accatttgca tcttggacat ttccagtaac ggtacttgat gatgttgaa tgttaatatc	4740
acctacattt acttggactt cattagcctt gtttgcatt gcttggttt gtctagctt	4800
ggtaagtca ataaaagtcgc tttgtctggt tgcttgcagt gcagcagcaa cagcttgatt	4860
tccaaattgtat gccttattaa atccagccgc atcatgaacg ccgcaccagg tagtttctg	4920
aatagaagcc caacgagccg caagtacgtt attctggaaat tgctcaggag tagcttacc	4980
agcgcgcaca gcattcaagc catatttacc cctactgata attgccatcg ccatacgatc	5040
ttggtttca gggctaaaca tatccttgc acttaatcca gcagcacgga tatagtcac	5100
aaagccagaa taaaataact gataacgacc cattgccgaa gatcggcgct tagcaggaat	5160
accgcgagat ttctgttcat ttaaatttgc tctttcaat tctttactt gtccgatcgt	5220
tagtttagat agttccttcc caaacatttgc tttagccaa atcctagcac cacgataggc	5280
aacattttagt ccacttggtg cggttgtct tacttcaccc ttgcaatca agtccaagat	5340
agcattgcca cctttgatg ttgcgttgc aattttggaa gcagaagaag caggggttt	5400
tggatttaca agattaccaa cagcatttgc taacgttcc ttgttttgc caaatacgatc	5460
atcaacaaaa tcagcggctc ttgagtagta gtttttaagc atatccaaag cttgttaaggc	5520
tgcccttta aaatcaccag acactaattt atcaagaatc tcagcatagc cttaagcgt	5580
tggatttgc ttattcagca tgtctttgcc tagattgctg aaagcatttt tcaagttatc	5640
aacagataaa gtcgaatcat caataactt ttgtatgcg cccaaatcga acaaggactt	5700
gccaccccttct gcccaagttt tatagtcgtc atagagcaac ccaaattgcg cgcctaaagc	5760
acctacaact agaataaatg gggaaaatgg agcgataaac gctaaagccg caattgtac	5820
ctttggatgaa attggatgaa gaatagcgcc aatagtaaaa gatattgctg tgaaaacacc	5880
ctttacttgc ttctcatgtt cttgcaagta ttcaaaagata ccaagcgc当地 cttcactaag	5940
cttcacaat aacggatgaa tagcatctgc catcattttt ttaagtgatt cccaaatgctg	6000
accttagcaat gctcggtttt gtgcatttgc acgagatgct tttttttttt cttcgagga	6060
cttgcacatc tttagattgat attcaagcat ctttccatt tttttacgc cttgcacaag	6120
cgtattaaat gtgcctcat caattccat ttttggggca atagagaatg cttgctcg	6180
gtccatatttta gagaatgaaat ccgcaaggatc taacatcaca tcatcagttt ttcttagctt	6240
gccttggatca tcgaccatgc caacgccc当地 agcgatcata aatggcaata gggtatc	6300
gccccatgtg aacaaatcat tcatccccat gtttagggat ttgttatttattt cagtcatgc	6360
tttggatgatgat ccacccatttgc caccaggcgc gccttgc当地 tttttatgg tgcttgc当地	6420

cattcctaga ttgcgctcaa gatgataaag ctgcgtcatta agctttgaa cttgatcaac	6480
cattttaaga ataccagtag cagcggcagc tacgctaaac caccgcgcta aagtcttgt	6540
tacgttgcca acgatcttat cggttcgct gacagactta ttcagcttgt cgttattcga	6600
cttgcgttt tcggctcac gattatattt tgagccgtcc aacccaagct ttacaattat	6660
cgactcaaca acatttcag ccattttac ctctgttctt gactagcaaa atattaatt	6720
tttgcttcgt tgttagtcggc gacttgctt gcttcaatca tgtttagcgc accctcaaga	6780
ccgatacaag ttttaactg gtgatagtca cacattccag ttaataatgc tctatacact	6840
gttcagaca tatgcaaagg ggcagccaaa acaccatctt ttaattctt attactcatc	6900
gcgtccttgc gataagaata atcaagcact aagcttcgccc ttgttctaaa aaatcaat	6960
gaatccaaat tgcgtgagca gctagaatgg taaagttctt aaagtcttta atctcctgat	7020
cccacataca aatacgtggt tcaccagact tggaaacaat ttgtacacag cgatcaagta	7080
aatcaaattt taattcgcgt gaaatttcat gtggaaatcg acctagcagc gtaaagactg	7140
ccgcgccaat ttcaatcatt ccagccattt atttgtatc aagattcaat acatcaacgt	7200
cttttaaattt aacaccacta ttgcggctt gttctaaaag acgatgtgcc cattcatcag	7260
cttgaatcgc tggcattcc gtgattttaa aaactttgcc tttatcgcga ccatttcaa	7320
tagtaactgt tttgtcttt aagccttcag acatgattt agcctctaaa aaataaaaag	7380
gggattgctc cccttatggt tagttaactt cgattaagcc ttctgaaata cttcaatgc	7440
ggtatgtgct accagctaataa aagccccata caccagtacc gccagccttgc cccacaaaaac	7500
aacctttagt tggtttagagcg cgttaacag aaggatagta agcacgaagc tcaatcgca	7560
atacgtccat catcttaaca aagttttgtt aatgttttca aaaaaccatg acagatttac	7620
tgttagcagc taaagaaattt gtactgttgg ttttgttgg aatgaagccc attgacaatt	7680
tgccatctac acctacttca gtttgtcaa acgtcacatc ctcaaatgac aaaaacgcatt	7740
ctgtttgtc cccttcaagc gtaatccagt cgtcataaat tccagcacag cgcatigata	7800
tgaccgtatt tgcggatgta attgtgttgc gattaagacc cattgacata agttaatctc	7860
cttactgaac gtttagtagca gtcatttcta gacgttgcat gctagagccg tccgtataga	7920
ataacttgat aataaatgat tcacgagcca cgcgagtttgcg aagttatag	7980
atagcgccca accttgcg aataattgac tagcagcatc aaagccagct tcttattca	8040
cttggaaattt ttgagcatta gacaagtttca caccagcgcg gataccacca aagttataac	8100
cttgatcaat tggatcttgtt gaggatgtc gaactgttagc aataccttgc tcatgtatg	8160
ggattgtctt ttgagcttgg aacatgttca tataatgcaag ctgcaatttgc gtacgcaaga	8220
acacttggaa gtcaaaggta tcaatccattt tgtactgacc cgttacagag ccattgccag	8280

caaactggaa tcggtcatta gcagtagccc aagcgccata gaatgagtag ccattttaa 8340
cta atgttc cgcacatcgct tcatttgtt cgtctggaac taatccatct tgactacgga 8400
aaggcgttgt tgcgcggc ttatgttctt gatagttat tgaaccagaa acaccacaga 8460
agaaagctgc ttgtcaaat gttccataga ttggaacaac accgcttagta ttttttttgc 8520

ccccactcacc aaaagatgca ccacttgac caagagcaac aggtcaaga ccccacgtat 8580
acagcttggaa tcggcttattt tggtagttaa tccaaatgtc aaaagctttt agagcatcgat 8640
catcaaaatc gccatttgca taagtgaat tccaaatgtt actgctaaac tgaattgcgc 8700
tcaatgcggc agttcaggc gtatcttgcg ttgtatgatt gtttaggatt gcaccagggt 8760
cttgagtttag ttcaactta tcagccacag taccagtcgc aaagctaata gttgagcc 8820
cgcccgtagt acctgattga attacaaaac cttagttgt ggactggtaa acacaagtc 8880
aagttaatgc tgtaccgatt agggccggc catcgctata tgagtttgcg gtacttaat 8940

caacagtaac gtttttgat acaccatcaa caacgatatt cagactgccc ttaatcaatt 9000
taagatcagc aatgcttgcg ccagtaatat cgccgccaat aatagtagct gggtattcat 9060
ctgaattgtt tggtagttaa aatagtgat ttgtcgagt agttgcgtt taaagccgt 9120
taaagtaaac ggtcgcaaac ttataaacat cactttctag accgtatgc tgaccgacta 9180
gagttttaga aaaatattca tagtttaggat acacagcttcc attacaaat aaagtgtat 9240
ttaatcctag tgggttgcca ccgcaccaa ttacggcagg gtagacagca gcaatattac 9300
ttgctggat tgagttaaac tgcattgata gactccaaat cgatttgaga aacgtttcc 9360

agtatattaa ctgtttttc gtacttgcg ttgtattgca agtcagcttc aatcataaag 9420
cgcaattcat acattccagc ctcattaaaca aaagataaat cgcgtatacg cggattacct 9480
aatggtacgc aattaacttag cgtatcgat gtataaggc tattccaaag cgtaatatt 9540
tcttgcgtc gatccattgtt gttatcacca taaaatcta actgcattgt gccgtgcata 9600
gagttaaaga taaattgtt gtcaccatca taattaacgg acttttgc tcaagtggcga 9660
ccatgcataa aagtcaatgtt aatggcgttt ttagggattt ggtttaggtt ttataacct 9720
ctaattactg tcgtatcatt tgcaggcaga tttaagggtt taagcagata ctgacgcata 9780

tctgtataaa ggtcggttaa tatgctcatg gtgcaaatc tccttgattt aaaggcttgg 9840
catcagatcc agcaaaaacca aaataacgag catcatgtgg cgattccatcc ccagtattct 9900
gaacttagcacttccacccat ccgcataatgtt tattttcacc ttcaacggcg atttcatcac 9960
aatatgactc aagaacagct ttaacttgcgattctgttagg aatgcctca ccgtatggat 10020
tcatcacaat aatagacgta ccttttgcg tggcgctct aatcgctggaa atcatgcatt 10080
cagcatagat agataagaat tgtccctgtt gattggcaaa gcccagatgc tttaaatcct 10140

caacgctcat tgactgagct tgaacaacct taggttgac aatgtactgc ggcacttgt	10200
tgccatctgg tgtgacagta aaaccccttag caaccctcaa tagtgcttct gtattactat	10260
ttactgccgt tgcatacgta ttagctatac ttcttaatct tagactcatt aaaaaaagcc	10320
ccatcgttt atgaggctag ttacacatta ttactaaaaa gttttacaa gattgtatgt	10380
aatagaataa tcatacaat cctcaaatat tagttacta ttggaaaaga atttactaat	10440
aaggtcgact gcatttaagc cacatgaatg aatactcata tagtaaaaat catggatcat	10500
tttctcgga gcggttattt taataacatc taaatttgc acctcaccat tttcacttc	10560
aaccaaatac tcatacttat tatattaccat cctaaaaatt tctatatgtat tcataccaaa	10620
cccctttatt tgcataattct tattatatct atttactatc gagaatgcaa tatgtgattt	10680
aattaatcta taattttgt tgtgaaaagc gtttgatcga atataagaag tgccttaatg	10740
taatcatctg aacatttcgc aagatcaaca tcattcaatt gtcttgattc ggcattttg	10800
aaaaattcaa tggcttttc aatcttctgg taaagttct ctgaatttac ttttataat	10860
actttcatag ttaccctca acaactcgt atttgattga gtcgtgcatt agcatggat	10920
cacgcagcgg agaatcgctc ccttcttag caatcggtt tggcggttta gggggttgcg	10980
accaaatcat aatagaatac tgaatctcat tctgcataact caatccaacc aaattgagtg	11040
tatgctctaa tggatatcca gccttaatac cttttttgtt taattctacc caagcttctt	11100
tttgctct tacagtgggtt ctcataatg gacgacttgg aatattctta aatccatatt	11160
cgttttata gggcacagta gcaacgctag tgccatctgg atatttgtat cttcttaaga	11220
caccagctt tacatattga tcattactag atatcaagcg gtttaatgtt tggcttagtg	11280
agcctgtacg ttttattgac atgagtagcc ctccactttt gctaagtttta gcatcattca	11340
tcaccaactc ataaacatga ataaaattca ctcatttaa atttgatgaa taattctaa	11400
tatgcaaaat ttgcatagat gaacaagttt acaataagtg aaatcaaaga tgaatttattt	11460
tcacttaacg atttttaatc aatgctata atttatctgt tacttacaac cagtgtgaaa	11520
ctaagtaat cggttatgtt gtcggaaaca ctataacggc agegcatage ttaaacaatc	11580
ctgtactgtg agggtcaagc aaacaggaat ctgttgaaat agtcagaaat ggcgtgttag	11640
gcagagctt gactgagttt aatcagggtt actagcaacc gaaatatgtt taacaatgt	11700
ttcgactttt aatcgaaggg tcggctccag tagcatactt tgataaagtt aatgttcaag	11760
atagttttt taaaaaaagac tggcttagga tgaatattaa cttttctct cagaatctca	11820
ccaatagcat atatctatat agtatttagtt aacttaaata agattttaggg gtaaatcatg	11880

gctaaaaaac aaaaaagtcc gaaattgaat cttgaaactc gacaacttcg tgacttgaa	11940
aattggtaa taggcaaggg cgacagacatt gttgccat a agaacaagg tgaatcaatt	12000
agatttatct ttgatggacg atgtggactg atctacaaca caatgcgcg aaatccactc	12060
gaaactcaat tagctaaagt ctgtctgata acccaaaaat aacccttcg gtttggttc	12120
gcttaactt tgcataactt ttgcataata aaaacccgt caatcgacag gtttaatg	12180
t gaaatcaat attttgata tgggctaacc atcccagct tctgagctaa gaccatagcc	12240
ttcttaaag atgagatct tattcataat taccaaccaa aaccatgctt atcaaagaat	12300
ttaaaaatt gatgtataac aaattcaaca aggtttttt gattttcagc atattcaagg	12360
cctgtgaagc acttatctt tctggtaat acagcaatag cagaaccttc cacttgatt	12420
tcagcaaaaa aacaaccaggc tttaacggtg tgaatttcta cgctgccaga aatttgtgaa	12480
gaagttcaa ttcacattc aggaaactca cgctgaaat atccaataac tttatcaata	12540
ttcataaata cacctattaa ttaatagttt ccccacccaa aaggataagg tccttagtg	12600
cgttaactg gcatcgagc agtagcagca acccaagttg ctgtacgata cgccagcgtc	12660
ttggcataga actcagcacc atacggcgta gatttaagcc attgctccat agcacctgaa	12720
cccatagggt agtcggtaact aacagatata gagccttcg tagccgatga aatgcgtcct	12780
acaagtccag ttttccgcc attgatcctg ttttgcatt cagcttggc agccaccaat	12840
agccaaatacc ataacttacg attcttcaag ctaatgcaag aatttcgct attattaagc	12900
aagccttcga tagattcaaa aaagtaagtt aattgtcg t tgaataact attgaattgc	12960
ggaaatgcaa gcttaaatgc agcaggatcg aaaacgaaaa cattagacat tagtttct	13020
caagtttgcctt ctgttgcgtc agctctgcgt gatcttaggc ttcaagtcca gtttaactt	13080
tggcttttc tttgcctcg gcttgactt tagacgaaga ttcatccgca tagatcaaca	13140
ggtttactag aagatcatgg ttagcaaattc gagcgcgcac agcatccac aattctttat	13200
ctacgccact ttttgcatttccactt aatccacccatc aatatacata gaacttaggg	13260
agttccaccc gttataact ttttgcatttccactt catcaaaaata ggaaaaggaa	13320
gaagttatga aatagttaca gttgcatttgc tttaaggcctc ttatggata acgttatctt	13380
aacctaaaaa aatgttacc gctaggtagt cactttcttgc ttatggata gggagttcg	13440
tttggacttgc ttgtgttac aacaaacatt gggcgccaa taatgcgcg gtaagtttt	13500
tgacaacgct ttgtatcca accagatgcc ttctgtatca ttggatgaac acgcatttt	13560
tcagcataag ccaattgaat tttgttactt cttgtatct tgcgaagaac caactgaaca	13620
acctgacactg aagctgtcgaa atattcagga actgagtaaa tgcttaattt aggaaagctc	13680
tttttcaagt agtcagcaac attaagacccg taatcgatcg ctgtgtat gaggcgatct	13740

tgctctggtg acattaacaa aataaggcg tcagtagcgt taactaagcc gttcgcttc	13800
ttagccaatt gttaaacat ttttgaatg tcggcaacaa tcttaatgg aagctcgac	13860
gtccaagcat ctggaatagg aattgctggc aataggcg ggtcgtag aacaccatag	13920
tttgcaaac cagctacacc aaaagcgatg atticatgtt gcacatgtt tagtgattca	13980
acaataacca actctaattc agcagcccg ctaagtttg ctgcgcata aatagccccc	14040
tcttttac caacgcgcaaa gaactgttgg taattgttaag attggcggtt gtggtagtt	14100
acgtttgcgc tagttgtgcc attatcattc cagtcgcatt aggtAACGGG cttaccacca	14160
ttctcaacaa cagggatgt cataacagaa gttgtccagt cgcccttctg aacttctgt	14220
agagccctcg ttaacgagtt tggagagaat aaaatgcgcg taacttctgg atcaataaat	14280
tgcgtaaaca tctgcaaaaac accagcgtaa ggcgttgtaa gcattgcagt atcttgagca	14340
ataatcattt tgtcgcgagg agttgcgata cgaggcggtc cttcaggta gtgaacgcgg	14400
taacgcgcaa gctttgagg tttaaagctt tgatttttg tagtcatctg atcaccttat	14460
ttagtaatag tagctaagtc atttgcaaca gcgcacatcg caactttaaa tccagtcgc	14520
tagtgatcg ctgtgtgtc tgcgttagaa accgcaattt agccatctgc attagatgca	14580
aaaacattt gaccaacggt cgttaggatgatc gcatctggatata gatggatgc gcctttatcg	14640
tgcaacgtaa ttcccttcc accaggaattt gtcatagacg cctgaccaag ccactgatgt	14700
ataaccgcaa tattgccaga acgactaaca aaaccaacag gctttttcc actaattaca	14760
ttagtaacca atccagttt ggggtcagct tcggcaatc gagcaataac cacaccagaa	14820
gcacctgctc ggaatttggc gcggccagac aatagggtat ggcgagggtt ttgcgtatc	14880
aaatcaccag caacaccagt acccatcttta atgttaactt gttgtttaa agtcatatat	14940
acctcaacct aattttatgt gagcaaaaat gtgcgttaga gcatcatata aagatgaatc	15000
catagccata gatttaggat cttctgttaac cttctgcgc ttaacaagag cagccaaagcc	15060
ggcgttata ataccatgtatc tttctgttttta agcgcatagg cataaacttc	15120
atgtatcgat ctaaaggccat caagagcaat aacacccact aaaggctcaa cttcgccacc	15180
agccttaaag atgttcatga tagagcccg aatttcagca gcacatgttgcgat caatttttt	15240
tttgtcgct ttcttggctt ctggcgatc ttgtcgat tttctaaacg ctttacgctc	15300
cattatctgcc ttgtcgccat cgttttcattt tttggcttgc tcatcatcg aatcttcaac	15360
gatttctaca tcatcttcattt cttctgcctt ttgtcgatc tgcgttgcgg ctttcttgc	15420
atcttcatca agagccaaag aaccgtgaac ggccacaata gttttttaa catcttccaa	15480
agaatccatg cttactgtt ttgcgttt tgcaaggctt ccgtttttaa gtttgcgtt	15540
catcaattga ccctctattt aatctgcgtt aatcgccat cttccaatcc taccacgttc	15600

aacgatagca acgtgattac catgaatatt cgtcataata ccatcataag gtacaccatt	15660
aaaagtaccc gacttcatga cagcatcata agcgtaacct gcgcctaatt ctccatatgc	15720
cttgcttcg atatagtcaa tcccttctt atcaaatacg cgcaatgatg accataactcg	15780
accttcgtca tccattgtta tgtctgtacc aattgaacca atagttgact cttttctgg	15840
tttagatgctc tcaacaggaa tatggcggtt aagaagctgc aagcccttga atgtgtctaa	15900
tgatttacgc aattcgtcag gatcacgcaa cagcatgtat tctttgtttg gatctaagcc	15960
taattccttc catcggtgaa ttgacgaacc aagataagga ttactgcgg cttttgtat	16020
aatggttta tcaacaatta gatggccatt gcggcgtag ctacgagctg atttatccat	16080
tgcatgttct ggctttct ttcctcttc aagccattga tcaaacaatt ctccaaactt	16140
atcaaagtca gatcatttag ccattccaga ttcacatgat gcaatagcaa tcgcttgatc	16200
tttcggttt cctgaatcaa ttaactcagc aatgttctta tgaataacat ccttgagct	16260
accttaattt agaggcatca aacatcctcc actttaattt ttatgtttt gattaaat	16320
tctattgctc tgtcatctga ccaaaaacca aaaacaacca tgaatttgca gaaattcaca	16380
acaaaattgg ttgccatgt ttttcatag ctaagttta cctttatatc tgcatattc	16440
atatcactca cctatacaat ttttcttatt atgcaataaa aaagccactg gttaaagtga	16500
ctttattctt aagaagtcgc gcggcttgc aacacaaccc tgccatcgat taccatccca	16560
aaaatcataa gcataaatat atccgcaata gtaagcacta tccttgggt tattatctcg	16620
taagttttt atgttaattt ttcctgttt atgtgtcgcc ccatcaggcg cattccttt	16680
aatctgtca atgttcattt acaaactcca aagcattttg aaatacacac caatcaattt	16740
taaatcctttt attgagcata tctgatttcg cttcattttgc ttcgtattga ttttcgaaaa	16800
ctatataatc aacaccgaat atcttttat tattcataaa gtggattaat acataattc	16860
caaccccttc atgactatcc cttgtcaacc atattcttgc cattgcaaaa tcaaatttt	16920
ggtaaatcc ttctttctt gctaaatcta tcgacttaat cattcttcaa tcctcatctt	16980
gtcgcaatgt atgcataagt aagcttata gatccagcaa tattggtaga tatgggtgca	17040
ttctttgagt gtggcatttgc gtcactccat cgcttcttgc atttcatgaa tgcagaactt	17100
caaagcaaat actctttgtt cattccgtt cttaggttc tgctcttttgc tcaattcaag	17160
ttggctgaca agctgacttag ctgcatttct taactgtcg tttcaatct ttgagttatg	17220
taattcttgc gctaggcgat ctacttctaa gattgttgc tctcttgc tgcggcgtt	17280
agcaaaagcaa gtggccctg catggcaata accgtctgctg ccacagtaag ggctccacc	17340

cttacagcgc atcacagcat taacccatat gtcatcgcc ttacttagca agtcgtgctc	17400
acatgggatc ttgattgctt tcatccttcc cccttgagcg ctggctctat atcacaatc	17460
gttttctcaa tagattcaact ataagttctt aatgattcgt tatttaatga tctaagctct	17520
tttggtaattt ctaaagctaa atccaccctc ttttgcatct tcaacatatt tatgccttgtc	17580
ttagtgtata atgtttgcag ctcgtcacgc tcttgcgttga tctttttaaa gtaaactca	17640
tgaccaatca cttcaccgtg atgagatgtt ttaagctctt ccacttcgc ttgctgggtc	17700
tttaatccca atgaataaat atcaaataatgtc tcagtcgtt ccgctgaaac attcatatag	17760
tttttctccc accattcatc aaactttagt tcaaactttt taaactcact catggctggc	17820
tccttttctt gcatcacaca tttcacattt atctatatgc ccccacccat catctgaat	17880
gaaggccaaac cccttacaag ctttacattt gactttcttt ttctcaccca ccaagaata	17940
tcgatcttc tggttgtttagg taatatcaat agaacctgag taatagcgcc ttaacgcccc	18000
atcaatatga aattcgtgtg gacctacaca aaacatccac cccgaatccc cgccgcactt	18060
tgtaaaccat gtgaaatatg cttctcttca tttcacataa cggccagaca gatgaggagt	18120
caacaattca attaaacgtg ctcttaagcat ctccatgtt gctgacatata ctccatagtg	18180
atattcaaga ttgttagctat actcgccgtt gtttatctt gttggcatga gattcaccgc	18240
ctccgtatata tggattcggtt ttttgcattt cctgttccaa ttcatccag ccgttacat	18300
ttggatgttt tgctttattt cggcttaggt agtctttggc aaacttagta ccaccatgcc	18360
acttgatcag atcaatcgac tccaccaagc gtttggatc cgccatgttc acaagttcaa	18420
ttcttggatt aaaaacgtatc gaataactttt ttgttttttgc gcatgttgc aatgtttagt	18480
agtaaacactc cataatatttgc cttggatgc cttcaacaac ctctcgcc ttatccaatc	18540
cttgctcactg aataaaactgc tctgggttca tttaaaaata ctccaataca tcaaaggca	18600
gtaaattgca tgattttaa tatctttcc acaaaattga cattaatca tattaaatca	18660
tccatttcgg ttttttacc tttaggtttt tatgtgggtc atcaggaaag ataaaaatgtca	18720
cataaaattt gctttcttca taatgataac atccctctgg catgttgc ttaagccatt	18780
ctaattttgc ctgtgttatttca taatttcttca tgcaatattt tattgtttgt tctaataat	18840
gaaacatatc aacatgattt tctaactcat acacatgata cagccatct aagtgtatca	18900
tttttatttttgc tttccatta aaaaaatag attcaccatc aaaaaccact tctgtttaa	18960
tcatttcaaa cccctctgc tgaataacta aatcttacca ctattaaata taattctcaa	19020
tagtaaatct aaaaatgtttt agacaaaata aaaccacccg tttaggttgc tctaaataaa	19080
cttagatgaa gtgaacatgg gagagtcgaa ctcgccaata aaacagtattt ttacaatgtt	19140
tgtatcaatcc caccggccaca aaaaccaattt gagtaattaa ttcaatcttta taatgtgaac	19200

tgcaatattc tagcaccta gctattcaact tctctaagtt gcctactttc aggcggcat	19260
cggtttctcg tgccaaatacc gaaaacaaca gaacattta gccatctgtc ttgcctattg	19320
atcgcaacg tgcgaatagt tgcttgcta tgtcccttg aaggtactcc tagtctaata	19380
atattcaactg tgtcgccac agattcgatc aattacagaa gcgacttcac acatccgaa	19440
aaattacaaa ccaaccaagg cgcgagtaa ttttaccaa tgctacatga tattgtatc	19500
atactccatg atttaataaa tacaaaaca atctaaaaat acaaatcagt tgtttgata	19560
tgggttattg gtttacaaa tttacagttt gtgaaacgga ttgcgtgtc gatgtgcgt	19620
ttcacttatg ctatcacat ccaattaact gtattatgcc atacttctg gaatttcgt	19680
aattagcttt ttcctacagc gacaatttgat ttcatgtccat gtgttgtcc acttgcac	19740
aagaataaag cttcccttga tgtaaatct agttccattt gccttacgt ggcttgacg	19800
aaaagtcttt cctgcatgac tgtgaagcca gtaagcttcc gttatgcccattcctcagc	19860
ccttagcattc tcaaaagcct gattcaactt agctgtctga tctttgcaa tattttgc	19920
cctcgcatct gttacggcgt caatctttt gagttgcttg attagtgtact caacatcata	19980
gccattctta acactacgccc aaaccgcaga gcaacttta tctaaataact cattaccaat	20040
agacttgattt agagcaacgt ttccaccaa agcaatttgcc gcttgcattt ccataatattt	20100
cgttggtcgg aagtttacag taaagccacg ctgcgaaga atacccaaaa gtcgttgtc	20160
gtagttggtt ttagccttac ctactaactc ttgcgcact ttagtcgata gtttatctaa	20220
acgatcttgc caccgactaa ccaaccatc aataacatgt cccatccat cccaaatgcc	20280
atccatagca atttcagacc gcataggcct aactacgtcc tgaattaaat cagaacgcatt	20340
ttagtccatc atgccttgc tttgtccctt gtaaccatttgc tcaggatg cattaggcgc	20400
tattgactca agggttattt ccatacttat tttcaacaa catctatgtt ttgcgtttca	20460
gcataaggat cacgctctgg cgcaactacct tctaaattgtt aaccactgtc ttcatcatca	20520
ttcaaaagctt gacgcgttc ttgcgtgtcg atcacacctt ctgtaatgtt aatctgagca	20580
gtttgtcctt tcttcaagtt tacgtctgtc tggtcattat cgtccatttgc ataaagcgaa	20640
ttaaagacaa acttaataact ttcatcaata ttccaaaca agctcaatttgc catacagtca	20700
aggataactt tgatctgcgg caaaatatac gcttcttgcgt gtgcgtatac gcaatcgtaa	20760
aataccctaa ttcacccatc agaagtattt ccaagaccccg ccgttgggt tccaaatatc	20820
ttcaataactg gaatttttgc agggtaggca agcatctgtc taaacttgc tagcaatgtt	20880
tcaagccccatc ataatggcgtt attgtatctgg aagaactctt cagatttcc atccaaagcc	20940
accacgcctt gattatctcg acctaaagcc aatgttttgcgtt gacatgttgc tcttgcata	21000
gccccgcctt catcaccgcg taagattgc gacatgttgc tcttgcata agtcaagctt	21060

aacatggtaa tcaattagc tacagcgcc acaatagatt gatgacgctg aacgtatggc	21120
aacatcaatt gcgcattga catgccataa aaattataag ctggcttaag cattgccca	21180
acgggacgca taattaatgt aagcaatcg ctatgtatc cattttacc cataaccac	21240
cactgcttag gcacaaagaa atcacttct agtggattat ttgcattgtc catactaggc	21300
gtggaccaa gcccgtcaat aaccgtgaag cctttaacg agccttctt aatgccttc	21360
tgcgttatca atagaggcag atcggtctt tcctcttgcc ctgcgtatc aatgtataac	21420
tgagagccac catagtagta atcattctcg atgtgttac ggacaagggtt gccaatgtcc	21480
agccgttaa attcttccat gagaatgtct acgcgttct ggtcatcacc cttgacactca	21540
ccccattcgc gtgtcatctc ttgagcaat gttcagca a ctaggcata ttcagtagac	21600
tgagccaatt gagctaatac ttgatagct aaaaagtgc tataaaactg tggctctaat	21660
ccagcatatt gcgaagctgt aaaaaaccca tccattgcca taggcgtatg accatctgg	21720
gcaacaccat caggcaaaaga aggcgtttg tactgaatcg ccacaccc attatgcgt	21780
tgcatacgat ttaacaaagc gttccatttc ggcttcgct ttggcgcttc ttcttttt	21840
ctgaaccaat caaacatgtt ttaccttcg aaagccgatt caatatcgcc gatgttaatc	21900
ttcataccca tgccacgtt catgacttt tcaagtgc t acgcgtatgc atcgacatag	21960
tggtatctt tgtcaatgt aataggtat acctcatctg tcagccgtc tttttgtac	22020
gagtaatcac ggaactctt tagcgttct ttgcgtatc aatgaatgt aacttttta	22080
aacgatttga tgaattcaat accatctca acagaaccc tgccttctc aacaggcgca	22140
attctacgca aacccttctt tttaaatga ctaatagatt caggacgagc gctatccgca	22200
taaacagcat acttcttaat gtctggatt ttcttccta aaaattcaac agtacgtct	22260
agctcaagac caacttccc gccttcgtgt tcaatccaca aagaatcatc atgaatccag	22320
acttgacac atgcccgttgg atcttgagca aaaccaaagt ccaatccaa ataaggacca	22380
tgccacttt gagggctgg cgtaaaatcc ttttctgt attaccctt gaagatttg	22440
gcctcagaca ttcaagata aggcgttcc catabccagc gataagttac atcgtcaaga	22500
tttgcgttgc ttcgttacg ttccaaatcg agaacatgag ggaaccacgg attatcgaa	22560
tagtcatct cagcaccaat accgattaga acgcgtatcat cattccgtat ttcttcgt	22620
ctaaaccgtg ttgagggtgg gctatctcg ctttcagggt tccacgttac ccacacttca	22680
gaataaaacaa ttttgttccatt aggtatatac atttcttac gtacagggtgg taatagctt	22740
cgccaaagcca ttcgtatc ac cgtttcagcc tcatccaccc aactaagccaa aatacgccgt	22800

ttagattga tgctatctaa gttatgacgc aagccacaga aagaatagta aatatttttta	22860
ttcttggtta taatatagtt ttcaccatg tcgtataat cgtctaaaaa gggacggat	22920
ttaatcgct gcctaaccctc ctccattgaa gaatcagcaa gagtattcat atattcacga	22980
ccgcagagga tagtcccacc aacacccatc tcggaaaaca tataaccctt aattgcggtc	23040
attagggcga acgtccttgt tttgctgat ccgcgaccac cccacgagga acggtagcga	23100
acacccgtcg ctgaaaatac agggattaac ttaggcgta tctgtatctg tgtttcgac	23160
attaggcgt actagctcaa ttaggttgg ttatagttc acggattcgc cattcgtggt	23220
gacatccaca gcctgctttt ctgccatcc tgcttgact ttaaccaaa aaatagcagc	23280
aggtgtgcta ccgtctgctg cctgctgaaa taagcattgc gccatttca tgttggctg	23340
aatttcgct cggctaaaaa ttctcggtta atacttat agcgttttt tatcaatgcc	23400
gatatatgca gaaatctgat catgcggat gcccattgtat gcaagcgcgc gtacttcggc	23460
ttttgtgct tcgggttggat catgtggttt agtcattaaa ctctctccc gtgcttcaa	23520
gtacagcatc ttgcctgtc aatgtctgcc aacggtaat aataacatca cagtattcg	23580
ggtcgagttc cataagatag gcttgcggt tggttttc gcatccgatt aatgttgatc	23640
cactgccccc gaataggctt aaaacgcgac cattttgtt aaaaaatca ttaatccctc	23700
tctcagatag cttagttgg tttgggttgg ggtgaacgta tgagctgtat ccatttttt	23760
taacatccca tactgccata ccacgcttac cattaaacctt aggtctgcct ttcacacaaa	23820
acagagcaat ctctaatctt aaagcataac ttccctcaag gtcaccaattt ccggcaccat	23880
gtttatcca tatcaatgtt tgttataga acgactcaaa ttgctctc cattgtggat	23940
aaacgtggtg tgaagtccaa ataaaagctg cagtgcatc ctccataaat gaataaataa	24000
ctggagcaat atcaagtattt acatcatcat tttaataac atcaaattta tcgttcatc	24060
cgttgaata tgaaacacca taaggaggat cagtaaaaaa aagatcagct ttctgcctt	24120
gcattaaacctt ctccaccgca tcaatgctcg tactatcccc gcacatcaaa cggtgcttgc	24180
ccaaaatcca aacatcacct tctttgtttt ttgggtctgc tggcgctcg atcacttcgc	24240
catctgcatac ttcttcataat tcaggcgcga ttcatcaat ctcaagctctc tcgatttcat	24300
caagtggaaa gcctgttagc tcaacatcaa aatccatttc tcgcaatgct tcaaattcaa	24360
tacgcagtgc atcaaaagtcc cactcgaaat tgagagccag ttgttgtct gcaataat	24420
acgcttctt ttgcgttgc gttaaatgtg aagcatcaac gcaaggtaat tcctcaatac	24480
ctagttctt tgcagccata acgacccat gcccgtcaat gataccgtta tcgcccgtcaa	24540
tgtatgatcggtttaaaaaa ccaattttttaatgtgaa cgctatctgc aacacctgt	24600
cgtcgctgtg caatcgccaa ttgttagcgt atgggattag gtcggatgtc ttgacccccc	24660

ttatagaagt ggaagatgcc attttatttc ccaaaaacta aaatttaata ataccacaaa	24720
aagaaaaacc gcgttaaagc ggttaatat cttgaacca attacagcaa taaacccatc	24780
tatgcgccca ataatcccag ccatagtttt tattcttctt taagtagatt gtcttcctt	24840
catctacaca atagtgcgta gcttcttag ttggcttgct cttctaatt tcttcaatat	24900
ccataatgca atcctcatag cggttaagt tcggtaattc taaatctcg gtcaagtatc	24960
cactctccaa acatTTTGA ataaatatgc agccatatt cagtgtttt aaaataagtt	25020
acccctgcat actcaatata atgtgtcgca ctttcggag cattggctct gatttctca	25080
atTTTcatct acccaccctc ttAAATCC caccaaccc cgagcgacta atcccaagca	25140
tttagccgc ctcaGTTGA ttacctctcg tcttaacca aGCCCTTCC aaaatagctt	25200
tttcaaacgt tttctaactt tataaaagct ttaccccttg gctatagtt cgtcaatttca	25260
ttgatctacg gttgtttca ttgctagtaa aactccttaa cattagccgc acgattttct	25320
tcatccttac aaatctggta tgactcatta gcaaagtttgc atgcaataac cgcttatcc	25380
tcacccctgt aaacaggaa tgagtaagcc caatcaacat tggcatccat taaactagcc	25440
agcatattgt ctacaccccg catctctca accacttctt tagcttgatg cttgcataa	25500
cctcttgc acatcagcat agtagctct gcaaagtc atacagcatc acaaaaccca	25560
gcattagcaa aacttggAAC tgtcaataac gcaattaata atTTTTCat cacaaaatcc	25620
cttccacacc attaaaaac atctcacat caccactgt taaattacct tctttatgta	25680
aaggcttaa cgtcttgatg tatccgcaa tatcatcaat cttctgtgc tggtagttgt	25740
aaatTTTCTC gcattgctta tatgcgtta tatcaaatct atcacccaga cacacccctc	25800
gatagattgc attaaatca ctcacaatca atctccttcc agcattacg gcaaacccttgc	25860
taagtctcg cagttaaattt actttctcg tattccatt catgtcgca gaataggcg	25920
tttagaaatt tatagatcat ttttattct ccataagtct gcaacatag aacccaaaat	25980
ttggatggaa taaaatttttgcacaactt cttaagatc ccaaatatca ttagcgatata	26040
aatttccact tatcgtgtt agtttatttgc gaaatgcattt tgcattatca atttctatgt	26100
acataactgc ttgtgtacaa gataaacttc tattgctttt aactaaaata aatccaccca	26160
gtacaccagt ttctcgcat atagcttgtt tgcttcaat aatcacttca ataatctgat	26220
caagatttct atcgtaattt ttgttgcattt caagacctttt ttaatagct tccataaaaat	26280
ccatcactta ccccttaacc aattaaatac aaccatacca gcgtgatata caatcaacac	26340
tgaacctcta agcaaatctg ttgcgcgtt ctttataacc ctttagattt cccttaactc	26400
ttttttgtga tccatttttca aataccttgtt atttactcactt cacaatcaat ggaaataaaa	26460
ccacactcaa gatttagatg aaaacaccag ctaaagccca aaacaactca accaacaatt	26520

taggtgcatg tttaataac ttagctacat caacaattgc caaccataaa gctttaacta	26580
taaccatttt atctctcctc tttatattct caatagtaaa ttatatttat aattaatgca	26640
aggattttaa gcaaaaaaaa tcgcgtatctt ggggttagat acggatgtaa aagtttcttc	26700
agttcgataa atatagcaaa ttttagtta attgcaagta acaattttaa ttgcgtgctc	26760
tacacaatta accacattaa ctgaccatt ccataagtc tgccattcga tttgatctgg	26820
cgttaatttt tgcgtgaaa ctggtttagc tccatcttt atctctaata aaaagtttt	26880
accgcgatag cccaccaaaa tgtcgacca ccctttcca acacttgaaa gaatttgaac	26940
tgtacaccca atcttctaa gtgctgccac tatttcttgt tgatttgcac ctatcttagc	27000
tgctctcagc cacatcagtt cctatataaa atggccttt agtttgcac tttcctcaa	27060
attcttcaat agtcatatat ccaacataat aactaaatcc aaattcaaac tcattagacc	27120
aatcttcatt aaattttaaa acatcatcaa aagttaatct gcctcactt gcctcaatta	27180
taaaaaattt tttgatttgcgtt cgatttagt caaaggcttc aaccccacga actgcacgt	27240
aatgttaattt ttcatggac gtttctcaa tgagtcttc caatcgccat tatatttgc	27300
cctgacaacc atcatatcac cactacatgc atcattaatt cccataaagc caatgcccga	27360
tgtattaaaa aatatatctg gttttcttt aaagacaagc ccaaaccacc aactgtctac	27420
acaaaaaccat ttataatcaa taggaaccat cctccaaatca atctcaaatt cttctaacac	27480
ttcaggcga cttttatctt tccgcctttc atctcagca agcatcaatt ctgcaagact	27540
aaaagaaaaca tcaacaatct gatcaactgt tattgtctca aattttgtta aaagaacttt	27600
tgaatattca tgcgccaatt ctaattttt catttcattc ttcccttctc atttctcat	27660
atctcaataa agagtcaatt gcctcgcaaa catcttatac cacatctta accccgcgc	27720
caccagcgca aagcaatttc ttaactgcac gttgaataca tggatcgta acatcaaaca	27780
atttcaacac acgataaaca tcaagctcaa gcaaattaga tacatctta aagtaatgag	27840
agtgtttttt attgttaat gatttcattt cctcattaaac aattccagat tcatcaataa	27900
aaacttcttg tctttgcatt aaaactttat gagaacgatc gatgtttcca cgcttaatg	27960
actcatcaaa aagattgtct ttactccatt cgctatattt ccagtaagga tcttttgac	28020
tccatgctaa tctacctgctg ttttataaa aacaaatccc atgattaaac atatctata	28080
taaattttat ggcaatttca gcaccctctg gaattcaat tttattataa tattttggc	28140
aacaatacat attatcacga tgataatgt acttgcacat ttcttgttctt aataaccact	28200
ctttcatttc tcattcctcac ataaaacata gtttcttgc tcatcttctt tcttagctc	28260

tagctcaatg tgaattttct tcatttgctc tattagcatt ctttcggtt catcatcagc	28320
taaaggctca gagccattaa tcttgtcgcg taactttta atattcaccc ttcaactcct	28380
aatccaaatt caggattcat tagctaatt gatTTaaatt ccatttcattg tctaaagcTT	28440
ttgaatgtg aaaagcatgt taagcaaca tgattagtct taaccacaaa ttccacggta	28500
cccacttctt tcaaataagc ttcaagctca tgattaaaac caagccattt ctTTTaaa	28560
ccaccatcat tgacataaat gtcagattca acatcaccca agaactgccaaatgcata	28620
acagtatcat tagccaaattg aaactcacaa tcaaccgtt cgcctgttt ctcattaaacc	28680
gcatgaattc gactaacgt atgaaaacct tgctctgccc gtatcgctg cgtcttaat	28740
gctaaagcca aatcaccctt atgcgccttc atccagactt taagcggtgt atgagtagac	28800
tcttggtat ctacaccatt aagcaaATGA tgaagctcaa taatacttt agcctattaa	28860
acctccccaaag tcattgaaa cttgtgaatc ttctgctta caacctgttt cccgttgtat	28920
tttttattcc gcttttcat acagcacctt tgattttct tagctgtct acgacttgt	28980
ttgcttctgc tttggcgcgc caacacccca tttgagttcg acattcatct gtatttgcc	29040
cctcgtaat gtcagagtca taaccagaat ttgtatgaga aatataaaaaa tattctcac	29100
ccacccitcggtt ctcaaaaggc ttccggcagct caagttcaag cttagcggtt tgggtttga	29160
tgcggattt atataaaccat ttcacaacctt ctgtacagt aaaataaaca ataggtaccc	29220
acttttcattt ttcttcgaa aacccttcag ccttttgcctt atcagccaa gctcgcaacg	29280
cctccgcgcc gctaatcaaa tctaaGCCTT tagtgatagg ctccaaacctt tcattgttat	29340
tagttgttga ttcacccac ttaccctcaa acataaaAGTA aaaaactcca tcacagctt	29400
taaagttagaa tccatctaag acgctttac ttatgtattat tgcatttc acatcattac	29460
gcttcacac aacaaggctc cgaagctgag gaaatgtat ttccattttat gtgtttttat	29520
ccaaagctc acaagcacaa cccatttgatc catcgccgaa agctaaaacc catTTAGTGT	29580
ttgcttcgta tttggccaaaa agcaaattctt gttcatagcc aagctgtata aacaactcct	29640
gaggcctctt gctctcagct tcatttttta cgccaaattttt ataattttcc atcacacacc	29700
ccataccata ttatgaatta acttactaa cccattact gcaaaaatca cgatcaaata	29760
aaacaaaaacc atgacttttgc caaatcttat aaactcttgc tcattgggtt gttatctgg	29820
ttatTTacga tcactgtttg gctaccgcct ttatTTgaca atgaccagaa caaactccaa	29880
aaccagaaca acacagacca acctaaaaac aaattcatttgc caaagattgc ccatttactt	29940
gcatgcccac gcataaaagcc aataatgcta ggccgcgaaat acataattac tgaaacaact	30000
aaaaccaattt ccataataaa accatctgtt aattttatattt ctcaatagta aacactatcc	30060
acaataatttgc caactatTTT ttaaatttttgc tgcattgtgac tatgggtttt acactccgat	30120

ttgtcacact ccattttta aactggttt taattttac tccccatgaa tgaccctat	30180
agacagtaaa ttttcacca gcaaaataaa cccgatcacc gactttgtat ttcatatctc	30240
aaccctaca attggcttaa ttctaatct cgcgtaaat atatthaaga caacctgtt	30300
tggatagtaa cgctgacgca agccaacctt accaacagca acaaattcat aattcgaagt	30360
cataaaatca ccatccaaac agctcgaact tactagaaca acccttgtct tatattccga	30420
atcataaaaa catgtttgat taataattga ttgcacatc atttatgga atttgtaaaa	30480
tctatcatct gactttctaa accaacaatt tagtatatta ttcatactt acacccttc	30540
tctatcttt catcggtgc gtgacgcaaa cacttagtgc ctgcacgtaa actatcaatt	30600
ttatgaacaa cactgtcctt gctataticc tccttaataa caacaaggc gcctaattca	30660
tatatttcat ttgtcgccg gtattcgagt aaagctgctt ttaattcatc atggtgcttt	30720
tttaacccta ttgcgacat tttaagett ttgtacat tataccgccc caaattatca	30780
attaaattca tttaaaaatc ctcacatgtc caaatattct aaattaagat tactaaatct	30840
tgagtattgt agttcagttt ctaatctaac tggccaacc tcaccatcac ggcgttggc	30900
tacaataatt tcggcaatac cctgatctt tgagttctta tcataatact catcacgata	30960
tataaacatg atcacatctg cgtcctttc aatagatccc gactcacgaa tgtcagacat	31020
tagaggtcgt ctatctttc tagattctaa gcttcggctt aattgcgcta aacaaaaaac	31080
aggacaatca aattcttttgc tatagcctt aagacctttt gatattgcac caactgcca	31140
gtgatttttgc tcaatgcatac atggtgattt aagtaatgtt aaatgtcaa cgaatactgc	31200
accaacataa ccataattttgc ttgcataatgc tggcaattt ttctaatat ctgacaagct	31260
aggcttgcctt cttatcatcaa ttaaaagttt tgatgccttc aacttatttag ttgcattata	31320
gaaaaactcc caatcctcat tttaatatc agagtcacga atatctttta aatttattga	31380
ggcttagacta gcaaccaatc ttgccttgc ttttgccttc gacatttcag cagattggaa	31440
ttaaaacttggta tgctgttgca taaaagaaac actcaacatc aagctttgag caaatgcgg	31500
tttccccattt gatggcttgg cagcaataat aactaaatca cttttgcata tttgaccaag	31560
ctgtctatcc aagtccataa atccagttt tacacctacg tcaaccttctt ctccacgttt	31620
tcttcgttcc atcgaaaaatcaatagacgc aaatagagaa acagaaacat cataagcatc	31680
cgataaaagtc ggcacttcat cctgattgtctt aaaaattctcc agaatgcctt cagatttgcg	31740
tatagcctca ttaatgtcgtt attgggtatgtt atctatcgaa atagccctaa ttctttctcc	31800
tgccctcaac agcgcttcc tggaggcata ttcatatc tggcagcat gttgctcaag	31860
aaaatgagcc agaccttatttgc ttgagtttaa atttatcaag aaatcttcat caacaatttt	31920
cgagtcattt gcatttaact tgattgagtc ataaaccata acaatgtcat gacgtgaccc	31980

agcatcaaaa agcttttaa agtgcttaaa gataattta tgggttgtc cataaaaact	32040
atccgttagtt aatttgccta caacatcatc aataccacca ttgagagaca taagggcgga	32100
taataccgat tggtaattt gtattgagta caagtttca ttcattttat ttaatccaaa	32160
taattgtttt gtagactac agctttttt actacattt ctgggttg aactttatca	32220
gcactattat tgcttaacttg ctcaatccaa tagtcgggtt tccagtattt cttgtttaac	32280
cacgaactag gtgctgctat aaactcacca ttgtttttt tccacattt attttttta	32340
aactcctcta aaacccatcat gatcatttca aaatttttt ggtattttt aaaaaggta	32400
ttagctgtttt ctttagttcc ttccgccta catttggat attcatccaa aacttctca	32460
aattttctg aaaaactact ttgtttttt tctgttagt tctctgtat agtctctgtat	32520
tatgttatttac gttcaacgt atgggggtgt acgttagaac gtaggggggt ggtactttct	32580
aacgttaggag ggtggtacat taaaacccat gatacaatgt ctgcatcaag accaataaaa	32640
agaacattaa atagtgttga gttgtcaggttt tttacggttc taaactctcg aattacaaca	32700
ccaaactcac aaagtgcgttccaaatgcctt ttaacctgtc ttttagttaa tccaaattgt	32760
tttgcggcggc tctcataaga tcgctgcaat aaatctgcct taaacttttt tctaactcca	32820
atcggttgcac ctgtatcttc atcacgtaca atttttggtc tataccagta aacaatctcg	32880
gataaaatta cgatagcatt caggtcggtt tttccatttt taaacttaaa aactgagaac	32940
caataaaaag gaatttacatt cccttcaata ttcatcaacc ctatttgtc tactgtttca	33000
tttccactgc tatacattgt tatcaccact caaaaacatt tcgaagtaaa atttgtttaa	33060
cttaatcggtt attcaacac caataactcac tagttttt acaatgttagt catcaacaac	33120
accatttgagt attgaattct taacagccat gcagaaccta aaatccctta aatctctact	33180
gtgtttttttt aagttgcattt ttgaaacaaga acaaacaaga ttctcaatac tttcgtaat	33240
tatcttgac ttggatgttga aatgtcaat atgcatttcc atatatgttt caatttcaac	33300
cccacaataa caacattttt tgtcatgaga ggcggcaaatg tccttttttta actctttttt	33360
gaattttgttag ccactaggaa agtattttaa agcaacatca aaaggcatat cattcaaatg	33420
tttagactta cgaatcatat ttgggtgtt ttcttatcaat aaatcattgt taagcaatgt	33480
atttccata atttacaaa cctatctaaa ctgaccacta acaccgaaat acatggcat	33540
aggctcatttgc ctttttttcc gatcaatgtt aagcgttttca atttcttcaat tcatgaattt	33600
atcttttca tggcgtaaa agtcttttac ttccaccaat tgattgacaa attcggttgc	33660
ttcttttca aaccaagtca taaagaataa agcgtttttt gatatttcat tcatcgttt	33720

tctcctgatt	aaaaagatga	tttcttaatt	ttattaaact	catttcacc	aatgcagcaa	33780	
ataataattt	gctctatcat	atggaatgc	tcaggtgta	actcctgtt	aaccatatca	33840	
agtgcata	ttgcacagtc	ataagctgtg	gcaatatcgc	caaaaagatc	atttttcc	33900	
tttccagatt	tttagcaattc	tgccatttt	tcaggtgaaa	cagtgtagaa	tgctggcttg	33960	
catcggtta	ggacacaaac	aacatcatgc	tctgctgcct	tgactggatt	ctttttaat	34020	
tcgctaatcg	aagttgtat	tgctgtataa	atttctgtaa	ccatccgt	ctcctaaact	34080	
atatggtcat	cttataaggc	ttttaaagtt	aagtaaaata	aataattcaa	ctatacaaaa	34140	
taagaaaaac	tgatataaag	gtaaaataaa	aagccccgaa	gggcttagtg	gttattttc	34200	
ttttttat	ttccagcaat	caaaacattc	attgtataa	actcgctta	gcaatgtcc	34260	
gcatttgaa	ggcttggat	gctcatagat	cgttacc	tacttcttgc	atttgac	34320	
gcaattacat	ttgggcttat	atccttcta	ggcttccat	cgttaattt	gaaaggatt	34380	
gctgcata	caaagcggc	agggttcata	aatccgtcat	taattacatg	gttcatttt	34440	
tac tac att	aaatattaac	aatatctgt	ggtgttata	ttatcaaata	tattctcaat	34500	
agtaaatagg	ttggagtagt	tagctttt	tgtgttagaa	tgaattgcg	gatagagtga	34560	
cggtcgaaa	accaattaac	ctgattggcc	tccgcatcat	tacatcagg	tttcaatgag	34620	
gattgaatta	tggctaaact	agtttatggc	gttgggat	acgacaatc	aaaaccctcc	34680	
atgggtgat	gaaagttaat	aaaagaat	gtcggttgg	aaaatatgtat	tttcgatgc	34740	
tattcagaag	aatataaaaa	gaaatacc	acttatattg	gatgcactgt	ttcagaaaat	34800	
ttcaagaatt	attcgat	ttataattgg	tataacaacc	aaaccaac	atggcaat	34860	
cttaatttt	acttgacaa	agatgtca	ataaaaggca	ataaaattt	ctcagaagac	34920	
acatgcactc	tttgccaaa	agaaattat	tac	ttttaa	acaaaataa	agccaagcga	34980
ggggagtacc	caatcgagg	ttcttgcat	aatgcaacag	gaagatttg	tgcaaaaatt	35040	
aaaaaaaagaag	caaagtgtt	ttgttattgt	tat	tttaata	atccagtaga	tgcccttatt	35100
gcatacaaaa	aagaaaagga	atctcatatt	atattcatga	caaataagta	tagagatcta	35160	
ttaagcgatt	ctgcttatac	ggcttccat	aattatattg	ttaaatttgg	tgat	actc	35220
aatcatccaa	tagtaatag	tacaggttaa	ataaaacc	actagcgg	taaatttcta	35280	
aaagttttt	tgtatcg	ggg	tgaagcttga	ctatagccaa	accctttca	aagcttggat	35340
gtatcg	ttt	accagttgt	agaccgtgaa	tgtgaacagt	tgaatcccc	gtcttcttg	35400
ctaattcagc	ttgattgatt	tcacggatt	ctaaaacttc	ttcaataatt	tgttccagt	35460	
ccataagacc	ctccat	ttt	tgttagttt	aattttaaa	ttagctattg	caaataattaa	35520
ataatagttt	actataggga	atatcttaac	aggagaac	aagatgaaaa	tcgaaaat	35580	

cgctattgt tgtaaagatt taaaccaaag agatgaagcg gaaaaattat taaaattca 35640
tggactcgg aatgataatgt gtccaaactgg agatcagaat attaccgtt atttggta 35700
aacattttgg ttttcgatt tttctgttg acgcaaaatt agtttgatg aatttatgca 35760
aagatattca gaaaacgata tgatcaaaaa aatccaccaa gccaaaaaag aacttggtt 35820

aaataatagt gaactatctt taaagatggg taaatctcgc ccctatatcg ctaagatgct 35880
taaccagccg caaagcgaga aggttcgaa taaagttatt aaagaaattg acgaacttt 35940
ggaatttgag cagcgctgca aggaaaaaga gtatgcacga tgcgttctg aattaaatat 36000
tccagtagtataaatgatc ttctaggatca aaaacaccaa gatggcgaga aagacaaga 36060
aatttcggat ctcaaaaaga tcatgaaag taaagacttgc gcaatcgtg gactaatcaa 36120
acaaaacgt gaagctaaga aaattcatga taaggatatt aatacactgg tcgaggtaga 36180
aggaaatctt attggtgcaa aaattgattt ggatcgaaca aaagttgaat tggattactt 36240

tgtaatcaa tacaagcaat ctgaagagga tgtaaatagc cttaaatcga agatcaagcg 36300
cgagcgaatc attattttaa ttgttattgc aattttacg gcgttattct tcttgaaggg 36360
ttctatttgtt gggtgagtt tgtaagattt gttgtaaatca caagttgtt ttaaataatt 36420
actgttagtga gtgtggaaatg aaatgaatat attagatgtt gcaaaaaatca ttgataatc 36480
ttttcacaa gatgagttt tactaactac tcaaaagggtt ggcgggtttt caagcatctc 36540
aatatccccca agaactggac aagaattga attttgtaaa gttgggtgtc cttatggagt 36600
taaaataaat gatgaagagt ttgaattaag atctggcgag tttgagtgcg tattatcgcc 36660

ttatcttggaa aggcaatgt tgtaaactt aatgaattaa aattagctcc ttggggagct 36720
tttttaatat ttgcgttga cattaaatctt caattcattt actattgaga atataaaca 36780
tggtaaaca ttatgaaaaa tgcattgatt ttagctgtt ctgttgcgtt agctgcatgt 36840
tcaggtaaac cagtttattac tggccctt gaagttgaat cattagat ggaacataac 36900
gtagctgcca ttaaatctgg tgatttagtt ttagaaatgtt agtttgaagg tagattctt 36960
aaagatggca acggattcca atcatgaaat gatgttgagg ttgaatctgt aaatgacgtt 37020
aaagttaca atgaagatgg tgaaacagaa aactatgtt tgcctagcga agaagatca 37080

aacattgttc aagttattga aatgaaattt gcccggaaaaa tgtaatgagt tggcttgacg 37140
atgtgaaaga acatggtgca gacgttact tctggtaat cgaaacagct tatcaaata 37200
atgtgattga ctctaaagaa tacagaaagc gtatgcata atatagagat attcagcatc 37260
aagaaagaca gggaaacatttta cttaaattt tggagatttca taaatgagca atctaaatca 37320
cgagcaaaaaa caaaatgcattt tagctttaa acaaaacgtt agcaacccat cgggtgtgaa 37380
gcgttattgg gaaatgatag ggcgttaatc tgatagctat attacgtctg taatgcagg 37440

tattaattca aacgggttat tggcgcaatc aactcccgaa tcggttatag gtgctgtta	37500
tacggcttgt gcgcctaatt tgccattaaa taacaatctt ggtttgctt atattgtcc	37560
gtttaaaaat cgacaaactg gcaatcaaga agcacaattt cagatgggtt ggaaaggta	37620
cttgcagttt gcacagcgct ctggtcagat taaaagattt gcctcaattt cagttatga	37680
caccgataca gaagaaagcg taaaggctcg tttaacttca ttcatccac aaaaagttag	37740
tggcgaagtt attgggtatc tggcttatct tgagactgtg acagggttg aagctcattt	37800
aacaatgacc aatgaagagc ttgagcagca tgcaagcaag tatagccaga cgtataagac	37860
tgcaaagtcg aaagggcaaa gctattctgt atggcatcag aattggcagc caatgtgtca	37920
aaagactgtt attaagtgc ttatctaaa atatgcgcct atgtcggtt agcttcagca	37980
ggcgattgaa tttgatcaag ctgtgattaa tgaagatggc gaagcttcat atgttgataa	38040
tgtatcaagaa agcgaaaagc cattagctcg attgattctt gaggatcaat tcccgcaatt	38100
cgtggcggtt attgaagctg gtatcttac taaagagcat gctttaaatc cagatattta	38160
cgcattaaagc gaagaacaaa agaaaatagt tgaggcgta tgaatctaat tttcgatgt	38220
tctgagcttc atcgactaat gggaaatgca aagtctattt actctgcatt tctcacagaa	38280
gaagttcaag caataaaggc gaagaaaaaa cgtaccgatg aagaacaaaaa gatttttagat	38340
gatctttgg atagaacttt atcggtact gctaatacac tggtaaggaa aaaagttagg	38400
cagtttaagac ataaagctcc aagtaagttt actggaaagta aagaaacaag aaaaggttaat	38460
tttagttgaag atgaccaat cttgtttcta atgcaacaga agtttattag tgctgaaaag	38520
aatatgattc gtttactaa tgactggatc actggcgaac cagacattat tactaacaca	38580
gcaatacgtg acacaaaatg cccgtggta tattggacta tggagtattt taaagaggat	38640
attgagagca aagctttaga tgctggttat gattggcagc aatttaggta tatgtggttg	38700
ttaagagaga atcacgatta cgagcagaaaa ataattaatg aggcttatct tgattttatc	38760
ctaattgccaa cacctaaaga gtgcctaact cgacatgtatc atgaatattt gcatatcgac	38820
tatgtttgg aatgaatcc taatgtatcga atttcattgtt atagagttga atatgtatcaa	38880
aagaaaatgtt acttaattaa actaaaagta gaaatggcta gagaatatgc caagactttt	38940
gtttttggag gataaatgaa aatcaaggaa tcattgtct ttgtgtttgtt tttttggatg	39000
ccaaaaggtt ggcataactt aatgagcgtt aaaggcaata ttgttatgcg taaaacggaa	39060
aagggtggctt aatattttt ttcagatgcc gattattatg aaattaacga ctattgcaag	39120
gaacgatatg aattgtttt aaccaatgg cttaaatatg gagtggaaatt tatcaagaat	39180

ttaaaaacgtg aaggcgcgtt agaggtgatg cgaaatagag ggcaacgata tttggagtt	39240
aagaatagag taaatatgtat tggtcgaaag tttctgaaga agccaattat gtagctacag	39300
ataaagatat gttcaagtg gaatttacag aaaaaccaat catctgtctt aattctggaa	39360
tgtggattga tggcaccata aatggttatc acgattacac tcataatgac aaattgtcag	39420
attttaagg tgactggaaa gactcantag aggaaggcc aaaatgaacc caatagcaat	39480
gattttatta tccttgat taagtttgt ttttggtt gtcttatatt tatatgaggc	39540
atataagcgg aaacgatacg tgcaaagaaa gcaagatgat caacgtaaat ttaatcctat	39600
tcgtgaaaag caatggtgga agtaaacatg gaacaattaa ttaaacaat cgaacaatgg	39660
cgctcagatc gtaatattat taaagggtca aagccaattg atcaagctat gaagctgtt	39720
agcgaatttgc gagagcttgc tgataatgtg ggtaaaggc gcgacattaa agacgattgc	39780
ggcgatatct ttattgtct tactatttt tctagtcaat ttaaagatgg actaatggag	39840
aaagtatgca atgaaagcta ctgccattt attgattggg ctgaggatca aaagccagaa	39900
tgttttgc attaaagga tttagttgtt atgcttctc gtgatttaag catattggct	39960
caaaatttag atacttatga catttcggat gaagtttattt ctgtgttgt gtgtctcaa	40020
cgaatcgctg agctatctga aacaacatta gaagaatgcg tgcaactcgc atatgacgat	40080
ataaaacaca gaaaggggat tatgataat ggtgtattt tcaaggaatc cgaccctgtt	40140
tatgcacaag taattcaga aattgaagga aattataatg ctggaaaat ttctaaaatc	40200
actaggattt cttaggtattt acgcttcaaa tatgaattat caaactgtg aaaagaatca	40260
ttataagttt gaggatgaaa atatagataa gcattggcgt tgttctatg cttttataa	40320
aaatggttt gaggaagggtt acaagcgcgg atgaaatgct gcttggatg aatttggcgc	40380
tacagcaattt agactaatca ataaataaag acaagccccg aaatggggct ttcttaattc	40440
acgcattgaa cgcacaccac aacgtgaatg ttattttga ttgaatggc agtgcagcca	40500
ctacaaacta cggaaagcac gtcaaaaat aagagcgatt tcagcaatct tttgcgttt	40560
atccgatcca ttaatgattc gtctgcacc aacataatcc tttagattt gatagatgt	40620
atcagatagc ttaccatcg taaaccaacc ttccatcatg ccagttaaaa gaatttggat	40680
tgcattttt ttttcataa catcgctgg atttgacaaa aagtcatgtc ctatgtttt	40740
agaagcttc tcgtaattgg attgccacgt gagctgaaca tagccacgac catagtag	40800
atgcgagaac tcatcaaaca gataaactga atttttgcatccatcttgc aggtgtacaa	40860
ttgacctta ctatttat accatgttcc ataaggctga cttccctt ttctgtattc	40920
agaaataggc aacatggttt tcgctgtttc ccaccatgtt gtcgccaata catacgacc	40980
ttgtgaataa gatatagact tgcatttgcatccatcc acgtgaagt taatttcage	41040

gacttggctt tctgttagcc ttcctagaga gtctctaaga atggcgaatc cacccttagt	41100
cattttcatg tttcttcacc tttaaatatt catgaataaa acgtactgtt aagcagccaa	41160
gccctagacg gactaatatt tcagcgtctt gcatgtgacc ataaaaatcc ctgccttgca	41220
gtgtattgtt aaacattgtt gttcaccaa tagcaagcat aaacataatt acatcgacat	41280
gcactggaaa actaatctt ggtatggaca ccacaaacat taaactgcc a gtaatcaaaa	41340
aaaagcttag ataattaaga aacgtcatca tcgagcttc ctcccgtttt agattcaatt	41400
tctaccttac tacgctttc gatagctta attagcattt ttgctaacgt aatgccaccc	41460
atgcctaaaa taaagccaaa aacctcgaca tatccaccgc cagtcggaaag acctgtt	41520
ggtgttggaaa gtgctgcaca cgagataaca ccaacaatcc agctaataac tcgtttagt	41580
aacggcttgc cagaaggcac tagggcggtt attgttgcac cagccacccc cataaaatag	41640
acgcctacat gggcttttag ccactccaga atcatgtttaa caaaatccac tatagattca	41700
tcctatataa gttttactta taatagcaaa actacgaagg gtttgtttt tcacattaa	41760
attaagtttta cggcgggtgc tgcgtatag ctaatctaa tactctctt gggcattaa	41820
atgtttaaatac caacttttac tgtggcccg ccagctgcaa ctggatcgcc ctca	41880
gagtctgtac ctctacgcac taatgttgg gtacagttt caccctgtac gcgaatttt	41940
actgggagtt gatttttattt agttaagaa aatggcgaag cgccaaactgt caagctt	42000
cgtggcttgc ttgtgtat aatggccca gtttgactat cggtaacacg ttggatctga	42060
gcatcaacac cattattaa taaaccggcc attccagttt tccagtggtt cactgtaa	42120
cgtcaataaa cggttccaa cgctccagcc tgaatctcta agcgctcgaa atatccacca	42180
tcaatttta agcatctggc atcaactatgc ccgctaaacaa gaaacttgc tt cgacgaatag	42240
catccaagat agctactgtt aattccgtca tccgaaacat cgccattttt acgtt	42300
ttctcaaaac caatgcccac aatgtgttta tatctacagt ttgtccaaac caacaaacca	42360
tactgtgtgc atgcttcagg tgatccattt ataaaagtat ttgtatctgc accatttgc	42420
gctaaatttgc aaccaatagg attccctctt gcatagcaag atgtaaataa attattagag	42480
caagcattaa tactaacggcc cgcacgtttt ccagcagttt attgaaatcc gcgatatgtt	42540
agacttccat agacataact agtaattaa ttataaaag tagatagcat gcaaccagca	42600
aggcgaaatg ccgctttcc atcaacacca gttgagccat ttactttat atcattgata	42660
attgagcggatg caaaccccttgg accaaaaat ccgttgcgtt atgttagcgcc agtaattgaa	42720
aatccagaaaa caaataaccc gttacaatattt tgatcggtgg ggcggccact agaaaaagca	42780
tttagactaa aagcatccgc tggccagttt taatttgtt ttgtttttt ggatcctgcg	42840
ccgataatcc taaattttgg tggtaatgtt tttggaaatg cgctataagt tactttgc	42900

<210> 9

<211> 682

<212> PRT

<213> Unknown

<220><223> Bacteriophage YMC15/02/T28_ABA_BP ORF7

<400> 9

Met Ala Glu Asn Val Val Glu Ser Ile Ile Val Lys Leu Gly Leu Asp

1 5 10 15

Gly Ser Gln Tyr Asn Arg Glu Ala Glu Lys Ala Lys Ser Asn Asn Asp

20 25 30

Lys Leu Asn Lys Ser Val Ser Glu Thr Asp Lys Ile Val Gly Asn Val

35 40 45

Thr Lys Thr Leu Ala Arg Trp Phe Ser Val Ala Ala Ala Ala Thr Gly

50 55 60

Ile Leu Lys Met Val Asp Gln Val Gln Lys Leu Asn Asp Glu Leu Tyr

65 70 75 80

His Leu Glu Arg Asn Leu Gly Met Ser Ala Ser Thr Ile Lys Asn Trp

85 90 95

Gln Gly Ala Ala Gly Ala Met Gly Gly Ser Ala Gln Gly Met Thr Glu

100 105 110

Ser Ile Lys Ser Leu Asn Met Gly Met Asn Asp Phe Val Thr Met Gly

115 120 125

Asp Thr Thr Leu Leu Pro Phe Met Asn Ala Leu Gly Val Gly Met Val

130 135 140

Asp Ala Gln Gly Lys Leu Arg Lys Thr Asp Asp Val Met Leu Asp Leu

145 150 155 160

Ala Asp Ser Phe Ser Lys Met Asp Arg Glu Gln Ala Phe Ser Ile Ala

165 170 175

Ser Lys Met Gly Ile Asp Glu Gly Thr Phe Asn Thr Leu Val Gln Gly

180 185 190

Arg Lys Glu Met Glu Lys Met Leu Glu Tyr Gln Ser Lys Met Tyr Lys

195 200 205

Ser Ser Glu Glu Leu Lys Ala Ser Arg Gln Leu Ala Gln Asn Arg
 210 215 220
 Ala Leu Leu Gly Gln His Trp Glu Ser Leu Lys Thr Met Met Ala Asp
 225 230 235 240
 Ala Ile Ile Pro Leu Phe Val Lys Leu Ser Glu Val Ala Leu Gly Ile
 245 250 255
 Phe Glu Tyr Leu Gln Glu His Glu Asp Gln Val Lys Gly Val Phe Thr
 260 265 270

 Ala Ile Ser Phe Thr Ile Gly Ala Ile Leu Ile Pro Ile Leu Thr Lys
 275 280 285
 Ala Thr Ile Ala Ala Leu Ala Phe Ile Ala Pro Phe Ser Pro Phe Ile
 290 295 300
 Leu Val Val Gly Ala Leu Gly Ala Ala Phe Gly Leu Leu Tyr Asp Asp
 305 310 315 320
 Tyr Lys Thr Trp Ala Glu Gly Lys Ser Leu Phe Asp Trp Gly Ala
 325 330 335
 Phe Lys Lys Tyr Ile Asp Asp Ser Thr Leu Ser Val Asp Asn Leu Lys

 340 345 350
 Asn Ala Phe Ser Asn Leu Gly Lys Asp Met Leu Asn Asn Ala Ile Pro
 355 360 365
 Thr Leu Lys Gly Tyr Ala Glu Ile Leu Asp Lys Leu Val Ser Gly Asp
 370 375 380
 Phe Lys Gly Ala Ala Leu Gln Ala Trp Asp Met Leu Lys Asn Tyr Tyr
 385 390 395 400
 Ser Arg Ala Ala Asp Phe Val Asp Asp Val Phe Gly Gln Lys Gln Gly
 405 410 415

 Thr Leu Ala Asn Ala Val Gly Asn Leu Val Asn Pro Asn Thr Pro Ala
 420 425 430
 Ser Ser Ala Pro Thr Ile Ala Ser Ala Thr Ser Lys Gly Gly Asn Ala
 435 440 445
 Ile Leu Asp Leu Ile Ala Lys Gly Glu Val Ser Thr Thr Ala Pro Ser
 450 455 460

Gly Tyr Asn Val Ala Tyr Arg Gly Ala Arg Ile Ser Ala Lys Gln Met
 465 470 475 480
 Phe Gly Lys Glu Leu Ser Gln Leu Thr Ile Gly Gln Val Lys Glu Leu
 485 490 495
 Gln Arg Ala Asn Leu Asn Glu Gln Lys Ser Arg Gly Ile Pro Ala Lys
 500 505 510
 Arg Arg Ser Ser Ala Met Gly Arg Tyr Gln Phe Ile Tyr Ser Gly Phe
 515 520 525
 Asp Asp Tyr Ile Arg Ala Ala Gly Leu Ser Asp Lys Asp Met Phe Ser
 530 535 540
 Pro Glu Asn Gln Asp Ala Met Ala Met Ala Ile Ile Ser Arg Gly Lys
 545 550 555 560

 Tyr Gly Leu Asn Ala Val Arg Ala Gly Lys Ala Thr Pro Glu Gln Phe
 565 570 575
 Gln Asn Asn Val Leu Ala Ala Arg Trp Ala Ser Ile Gln Lys Thr Thr
 580 585 590
 Gly Gly Gly Val His Asp Ala Ala Gly Phe Asn Lys Ala Thr Ile Gly
 595 600 605
 Asn Gln Ala Val Ala Ala Ala Leu Gln Ala Thr Arg Gln Ser Asp Phe
 610 615 620
 Ile Asp Leu Thr Lys Ala Arg Gln Asn Gln Ala Met Ala Asn Lys Ala
 625 630 635 640

 Asn Glu Val Gln Val Asn Val Gly Asp Ile Asn Ile Gln Thr Ser Ser
 645 650 655
 Ser Thr Val Thr Gly Asn Val Gln Asp Ala Met Gly Ala Val Lys Asp
 660 665 670
 Gln Phe Tyr Gln Phe Arg Asn Ser Phe Asn
 675 680
 <210> 10
 <211> 80
 <212> PRT
 <213> Unknown

<220><223> Bacteriophage YMC15/02/T28_ABA_BP ORF8

<400> 10

Val Leu Asp Tyr Ser Tyr Arg Lys Asp Ala Met Ser Asn Gln Glu Leu

1 5 10 15

Lys Asp Gly Val Leu Ala Ala Pro Leu His Met Ser Glu Thr Val Tyr

20 25 30

Arg Ala Leu Leu Thr Gly Met Cys Asp Tyr His Gln Leu Asn Thr Cys

35 40 45

Ile Gly Leu Glu Gly Ala Leu Asn Met Ile Glu Ala Lys Gln Val Ala

50 55 60

Asp Tyr Asn Glu Ala Lys Ile Lys Tyr Phe Ala Ser Gln Glu Gln Arg

65 70 75 80

<210> 11

<211> 202

<212> PRT

<213> Unknown

<220><223> Bacteriophage YMC15/02/T28_ABA_BP ORF73

<400> 11

Met Lys Met Thr Lys Gly Gly Phe Ala Ile Leu Arg Asp Ser Leu Gly

1 5 10 15

Arg Leu Thr Glu Ser Gln Val Ala Glu Ile Asn Phe Ile Val Asp Ala

20 25 30

Met Asp Lys Asp Lys Ser Ile Ser Tyr Ser Gln Gly Ala Tyr Val Leu

35 40 45

Ala Thr Thr Trp Trp Glu Thr Ala Lys Thr Met Leu Pro Ile Ser Glu

50 55 60

Tyr Arg Lys Gly Lys Gly Arg Pro Tyr Gly Thr Trp Tyr Lys Asn Ser

65 70 75 80

Lys Gly Gln Leu Tyr Thr Phe Lys Asp Gly Ser Lys Asn Ser Val Tyr

85 90 95

Leu Phe Asp Glu Phe Ser His Leu Tyr Tyr Gly Arg Gly Tyr Val Gln

100	105	110
Leu Thr Trp Gln Ser Asn Tyr Glu Lys Ala Ser Lys Lys Leu Gly His		
115	120	125
Asp Phe Leu Ser Asn Pro Asp Asp Val Met Lys Lys Glu Tyr Ala Ile		
130	135	140
Gln Ile Leu Leu Thr Gly Met Lys Glu Gly Trp Phe Thr Gly Lys Lys		
145	150	155
Leu Ser Asp Tyr Ile Tyr Gln Ser Lys Lys Asp Tyr Val Gly Ala Arg		
165	170	175
Arg Ile Ile Asn Gly Ser Asp Lys Ala Gln Lys Ile Ala Glu Ile Ala		
180	185	190
Leu Ile Phe Glu Arg Ala Leu Arg Ser Leu		
195	200	
<210>	12	
<211>	2049	
<212>	DNA	
<213>	Unknown	
<220><223> Bacteriophage YMC15/02/T28_ABA_BP ORF7		
<400>	12	
atggctaaaa atgttgttga gtcgataatt gtaaaagcttg ggttggacgg ctcacaatat	60	
aatcgtgaag ccgaaaaaggc caagtcgaat aacgacaaggc tgaataagtgc tgtcagcgaa	120	
accgataaga tcgttggcaa cgtaacaaag acttttagcgc ggtggtttag cgtagctgcc	180	
gctgctactg gtattcttaa aatggttgat caagttcaaa agcttaatga cgagcttat	240	
catcttgagc gcaatctagg aatgtcagca agcaccatta aaaattggca aggcgctgct	300	
ggtgcaatgg gtggatctgc tcaaggcatg actgaatcaa tcaaattccct aaacatgggg	360	
atgaatgatt ttgtcactat gggcgatact accctattgc catttatgaa cgcttggc	420	
gttggcatgg tcgatgctca aggcaagcta agaaaaactg atgatgtgat gtttagacctt	480	
gcggattcat tctctaaaat ggaccgcgag caagcattct ctattgcctc aaaaatggga	540	
attgatgagg gcacattna tacgcttgta caagggcgta aagaaatgga gaagatgctt	600	
gaardatcaat ctaagatgta caagtcctcc gaagaagaat taaaagcatc tcgtcaattg	660	
gcacaaaaacc gagcattgct aggtcagcat tggaaatcac taaaacaat gatggcagat	720	

gctatcatcc	cgttatttgt	gaagcttagt	gaaggtcgc	ttggtatctt	tgaatacttg	780
caagaacatg	aagatcaagt	aaagggtgtt	ttcacagcaa	tatctttac	tattggcgt	840
attctcatac	caattcta	aaaggctaca	attcggtt	tagcgttat	cgctccattt	900
tccccattta	ttcttagtgt	aggtgttta	ggcgccat	ttgggttgc	ctatgacgac	960
tataaaactt	ggcagaagg	tggcaagtcc	ttgttcgatt	ggggcgcatt	caaaaatgt	1020
attgatgatt	cgactttatc	tgttgataac	ttgaaaaatg	cttcagcaa	tctaggcaaa	1080
gacatgctga	ataatcaat	accaacgctt	aaaggctatg	ctgagattct	tgataaaat	1140
gtgtctgggt	atttaaagg	ggcagcctta	caagcttggg	atatgcttaa	aaactactac	1200
tcaagagccg	ctgattttgt	tgtgacgta	tttggcaaa	aacaaggaac	gttagcta	1260
gctgttgta	atcttgtaaa	tccaaacacc	cctgcttctt	ctgctccaac	aattgcaagc	1320
gcaacatcaa	aaggtggcaa	tgctatctt	gacttgattt	caaagggtga	agtaagcaca	1380
accgcaccaa	gtggctacaa	tgttgctat	cgttgtgcta	ggatttcggc	taaacaatg	1440
tttgggaagg	aactatctca	actaacgatc	ggacaagtta	aagaattgca	aagagcaaat	1500
ttaaatgaac	agaaatctcg	cggtattcct	gctaagcgcc	gatttcgcc	aatgggtcgt	1560
tatcagttta	tttattctgg	cttgatgac	tatatccgt	ctgctggatt	aagtgacaag	1620
gatatgttta	gccctgaaaa	ccaagatgct	atggcgatgg	caattatcag	tagggtaaa	1680
tatggcttga	atgctgtcg	cgtggtaaa	gctactcctg	agcaattcca	gaataacgta	1740
cttgcggctc	gttgggcttc	tattcagaaa	actactggtg	gccccgttca	tgatgcggct	1800
ggattnataa	aggctacaat	tggaaatcaa	gctgttgct	ctgcactgca	agcaaccaga	1860
caaagcgact	ttattgactt	aaccaaagct	agacaaaacc	aagcaatggc	aaacaaggct	1920
aatgaagtcc	aagtaaatgt	aggtgatatt	aacattcaaa	catcatcaag	taccgttact	1980
ggaaatgtcc	aagatcaat	gggtgcgtt	aaagatcaat	tctatcaatt	ccgaaattca	2040
ttaatttag						2049
<210>	13					
<211>	243					
<212>	DNA					
<213>	Unknown					
<220><223>	Bacteriophage YMC15/02/T28_ABA_BP ORF8					
<400>	13					
gtgcttgatt	attcttatcg	caaggacgca	atgagtaatc	aagaattaaa	agatgggtt	60
ttggctgccc	cattgcata	gtctgaaaca	gtgtatagag	cattattaac	tggaaatgtgt	120

gactatcacc	agttaaacac	ttgtatcggt	cttgagggtg	cgctaaacat	gattgaagct	180
aagcaagtgc	ccgactacaa	cgaagcaaaa	attaaatatt	ttgctagtc	agaacagagg	240
taa						243
<210>	14					
<211>	609					
<212>	DNA					
<213>	Unknown					
<220><223> Bacteriophage YMC15/02/T28_ABA_BP ORF73						
<400>	14					
atgaaaatga	ctaagggtgg	attcgccatt	cttagagact	ctctaggaag	gctaacagaa	60
aagcaagtgc	ctgaaattaa	cttcatcggt	gatgcgttgg	ataaagacaa	gtctatatct	120
tattcacaag	gtgcatatgt	attggcgaca	acatggtggg	aaacagcgaa	aaccatgttg	180
cctatttctg	aatacagaaa	aggaaaggt	cgaccttatg	gaacatggta	taaaaaatagt	240
aaaggtcaat	tgtacacctt	caaagatgg	tcaaaaaatt	cagtttatct	gtttgatgag	300
ttctcgcatc	tatactatgg	tcgtggctat	gttcagctca	cgtggcaatc	caattacgag	360
aaagcttcta	aaaaactagg	acatgacttt	ttgtcaaattc	cagacgtatgt	tatgaaaaaaaa	420
gaatatgcaa	tccaaattct	ttaactggc	atgaaggaag	gttggtttac	tggtaaaaag	480
ctatctgatt	acatctatca	atctaaaaag	gattatgttgc	gtgcaagacg	aatcattaat	540
ggatcggata	aagcgcaaaa	gattgctgaa	atcgctctta	ttttgagcg	tgcttgcgt	600
agttttag						609
<210>	15					
<211>	42555					
<212>	DNA					
<213>	Unknown					
<220><223> Bacteriophage YMC15/09/R1869_ABA_BP						
<400>	15					
cggccatatg	tcctgtatg	tcgtataaag	cttgcgacc	acaaaaaacc	attaataaaa	60
acttattaaat	attccaagca	cttgcataaa	gaatatttga	agcagcttta	ataatgatta	120
gtttcttag	gtctgcattcg	gtttaaacatgt	aggaagcaaa	tgcgccacca	tcagaaaaag	180
gataggtatt	gaaaggttgg	taatctggct	gaaaaccaaa	tgttttgca	tttggatcg	240
cagttttagc	aaaacgagat	acaccaactt	tatctgccca	aatatctaag	ccaaaacctt	300
cagcgcttga	taaacgataa	acttttcgt	aaaagtcatc	aataaaatat	tgaggatcaa	360

ttacttcatt aatgccatca ataagtgcga atattgtggg actgtgtgcg tactgcaca	420
ttatcgatc tttaatattc tccattagct ttccctaata gaaattctaa aagaatttaa	480
agaagggtat tggtaatac caatagggat ttcatcaacc catgtggcat tatctgtgct	540
tgctacaatt cccttaatc cgatTTTgg catgcccaa atatagtcgg ctggataaa	600
gtcttacca atacgaacct tatttcacc agaaggcaga ctggtaaaa tatgattaat	660
aacttcttgt tcaatagtgt aagaatcgc atcttatct ttaacaataa ctttacca	720
aatatcaaga aaatcggggc gtAAAATTT aataggatat ttaggaggat tggacggta	780
gtctcggca attactgtaa catttgcgtt tccattccaa gaacagccag ttccagctt	840
gataAAAGCG gcTTTgcca catcataatc attaccacca acaaccgaaa cgcaaataga	900
atTTCTAATT aatggataat ttgttgagcc tactgttact gttgcatcag ttgggttga	960
gattacataa gcatctacaa catcacgaac cgccaaact ggcggaaatg tagcagatc	1020
agtcatTTG gaattgattt ctacagactc tttcggcgt acctaaaaat cgacacggtt	1080
ttcttcgtca tacccatca ccgcgtatc ttgcgttgc acacgatcaa gaccattaaat	1140
ggatgttggg ataacaacaa tagagttgg cagtgttca atggctccag cctcatcaca	1200
agttactgtatc atcgtcactt tgccatttga gccgatattta taagttccat tggtcgcca	1260
agttcgacca gataaatctt gaacggcaaa tcctctgga attggcgctc cagataagcc	1320
ctcaaacaca acagggcatt gcgaacgagt agcaagctt ctgtcaaaa aataaagtcc	1380
accaatagca tcctgaaaaa tacTTGTGC ataacgcggta tcatattgtt tagctagata	1440
aacaagcttgcgttagcaat cttaatgac tgccgtccat gaagtgttta attggatttgcgttagcaat	1500
tggagaacct tgaacgcgag aaacattacc cccaaaggag tcatcaatca tttccatgt	1560
gccatttttttgcgttagcaat cttaatgac tgccgtccat gaagtgttta attggatttgcgttagcaat	1620
tggatcata agcccactac tccactaaga ttttatcat tcgtaaactc aatagatcca	1680
gacgctacac gatccttacac taaagccaaat tttacattaa ccgataactac accagaaaca	1740
agcaatgatc ttcttgcgttagcaat cttaatgac tgccgtccat gaagtgttta attggatttgcgttagcaat	1800
atgattgact ctaaaataagg gatgccatca ttcttattgtt aatagtcata ttcaagaaaa	1860
acacggcatg aacacgcaat gtcttgcgttagcaat cttaatgac tgccgtccat gaagtgttta attggatttgcgttagcaat	1920
tttccttgcgttagcaat cttaatgac tgccgtccat gaagtgttta attggatttgcgttagcaat	1980
taatattcac ccccatgata tttagcacgca ccaataaagt aaaaaatgcc gcaaccgcata	2040
aagcaataact tcgcgtgaa tgcaaaacaa taaatgctgc aacaaaacca ataaagaacc	2100
agaacaactc atgtaattgc ataattaacg ctgcgttagcaat cttaatgac tgccgtccat gaagtgttta attggatttgcgttagcaat	2160
ttgaaccccg ccatgtttgtt gagtaaacaa gctaatcacct ttgttgcgttagcaat cttaatgac tgccgtccat gaagtgttta attggatttgcgttagcaat	2220

agattcgatt atgcctgata ctgttaattt tcctgtgata ctgacttcag gcgcataag	2280
aacaatctt gaatttgctt tgatatggat ttcatcgccc ttaaaccaga tatattgttc	2340
ggcttcttcc ttactccaag tcattgttaa gaatgcgtcc gactggtcg aaatgcgtt	2400
tacgttttgtt ccgactcttg atcttgcgtc ttttagcaaa gatgtgtcac gagtggcaaa	2460
tacgcaaaat cctatgtcgc caatctgcgg atcacatata actgcattct ttccaccttg	2520
tattcggtag taaggcacat tgtgaatttc acctaactcc aagttattat tgtctgcacc	2580
aatacggtaa agcataggtt taacagaaac aaagccgact ggaccattgt cattgaata	2640
aacttctgtt atctctacaa cttcaccagt gtttaactca ctggaaagaa ttgagagaat	2700
attagctta aattctttag cgccgccaag attattaata ttaaagccac tagcgttggaa	2760
ctgctgcata tttgagttc ctccaagttt cattcacatt cattgccac ttgccttg	2820
ggatatttgc ctcaagtgtt gcaacaagac catatacgcg ccaatcttga ttgacaacat	2880
cacctataat acttcccta atttgaacaa taccacaaa tctcacaagc ggatcatacg	2940
cacaactaaa ttttatttctt ctttgcgtc gagcgggta gccaatcaag cctgtcttag	3000
gtgtaatgac tggtatctta acttccctat ctccacctt cttgcaaata acaattaatc	3060
tttgcgtcgt gtacaaatca aagtcgcaca tttgagctaa ctctcaatt ttttctatgt	3120
ttgagccgtt cagtgtgggt tctgttagga tgtgagtaac gccgtagtt tcaaactcat	3180
attgcatagtc ttgcgtcaag aatttaataa tatctgtgc atgcacctct tcacccttt	3240
gaattgtgaa tggtgacgtt gggcgcat tttcgactac agccatctgg cttgttaatta	3300
ctagcgtac atttggcgcg ccatctgtat tgactgtcgc aaatgtataa ttcccctcat	3360
aagcaacttt tagtggtgt ctttgcgtc cgacctcaat cttaccatg tttagaattt	3420
cttgcgtt attccattgg acgcgttac gcttattcac tgttagaaagg ggtaggccat	3480
aagcggtt ttgagcgtc ggtgaaatag cccattgcc atatgtgata tttgtggata	3540
tagctaaacc agtagatgac aatcggttgt cacttcgcc tgaaaagtt tgaacgcatt	3600
cttgcatagt tagegttatt ttaatgaccc tcttttccat aataaaaage ctccgtattt	3660
gaggcttagta taacctaatt aataaaactg gtgtgccacg atgaataggc tttttccat	3720
ttcaccccggtt caggcttaggc actataaaat catacttgcg ctgtccatataa aagtaataa	3780
cgagtgccta agccgttata ttccaggatca ctatccat ctatgtcaac aaagataaaag	3840
ccatgcctta agtaagttcg atttagacat atccgatata acaatacata accatcatta	3900
tttattagata aactgatata caagtttattt aatcgagttt ctgcgtgat tgcccaagta	3960

acgccattta atgatgtgg gaaaaactgg ttcgggactt gtgctaacgg tatttgataa	4020
atcataatcc aagaataacct cttaactacat ttccaactat attatcacca ccaagaataac	4080
tagtagattt ttagcacca ccatctacag ttttggagtc gctaggcgct ttaacttctt	4140
caatagagta ttccactttt gcctccagca cctcttcaag atcaacatia acgtaatca	4200
tttgtgcgcc atcttgagca gagcggcggt ggttaattcc aacaatttga taatttagat	4260
aacacgtactc aggtgtataa atgtgaaagc ttacagttga ttttagtaga gcttcaattt	4320
gccttagaaa caagcttctt tcaagcacac caccactgcc tttgacatt gagacggtag	4380
ccatagacgg cgcatatct ttgttatatg aggcaaataa accttgcct actggattt	4440
ttgaaatgct agagccagca tcataatca tgctcacaac agtatacgct aaaacaatag	4500
ggatgc当地 ttgattgaca atccccatg tcttgc当地 tacaccatta attagagcag	4560
cggccaccagg cggaaagtccg acatttgtca aagcttccac tggtaaaaaa tctggcacag	4620
aaggcattcc agctaacata aatcacctaa tttaaatgaat ttggaaattt atagaatttg	4680
tcttaatcg cacccattgc atcttgacca ttggcagtaa cagtgcttga tgatgtttgg	4740
atgttaatat cacctacatt tacttggact tcattagctt tgttgcagt agatggttt	4800
tgtctagctt tggtaagtc aataaagtgc ctttgacgag tggattggag tgcattctga	4860
gcagcttcag cattcgactt actgtatgg ctttggaaata tcgactgctg tcttttgc当地	4920
aattggcagcag cgcttctcc acttcttttgc当地 ccattttgtc gcattgtctaa ttcaatgc当地	4980
ctagaaacag ctccc当地 tttaaggcttgc当地 ataaccctg gtcctatgtt atgc当地atcg	5040
tataggtttt cggccagtc当地 aggttaaacct gctgccc当地 acatgtccgc attttttt当地	5100
gccaaacaagg cggtagccat agtggtaatgc当地 cgcttgc当地 atcggggglocal attggcttt	5160
ctgaaatttac ttatattat ttcagtc当地 cctatttgc当地 tacccctact tgtttgct	5220
aatgagttcc atgtgttttgc当地 aataaattgt cctgttccata tagtccactt tggtgacatt	5280
gcgc当地ttcc aaccagcttc catctt当地aa aaccctctca gtacttttgc当地 atctattccat	5340
tatttcttttgc当地 aagcgcttgc当地 aataatcttgc当地 tcaactccgc caccaactt gaatttgc当地	5400
tttccagaat tactaccacc actcacgtt ggagtagtttgc当地 aagccgaatc agaaggatta	5460
atcaaatttac caacagtatt agccaatgtt ccttgc当地 gaccaggtaa gtcatcaaca	5520
aaatcagcag ctcttgc当地 gtagtttta agcatatccc aagcttgc当地 tgctgctccc	5580
ttaaaatcac cagacactaa ttatcaaga atttcagcat aacctttaag cggtggattt	5640
gcattattca gcatgtctt gccc当地gaggatta ctaaaaggcat tttcaagtt atcaacagat	5700
aaaggctgactt catcaatata ctttcttaat gcaccccaat cgaataaaga cttaccaccc	5760
tctggcccaag ttttgc当地 atcatagagc aagccaaatgc当地 cggcaccttgc当地tacca	5820

actagaataa atggagcaaa tggagcgata aacgctaaag ccgcaatcgt agccttgcc	5880
aaaattggga tgagaatagc gccaactaca aaagatatgc cttgaatac cgccctgtact	5940
gcttgggt ttcttgaag atactcaa attcctaacg caacttcact aagttcaca	6000
aataacggga tgatagcatt tgccatcatt gtttaagtg attccaaatg ctgaccitagc	6060
aatgcacggg ttgcgctaa ttggcgagat gctttaatt cttttcgga ggacttgtac	6120
atcttagact gatattcaag catcttctcc atttcttac gccctgtac aagcgtattg	6180
aatgtgcctt catcaattcc catttttag gcaatagaaa atgcttgctc acggccatt	6240
tttagagaatg aatccgcaag gtctaacatc acatcatcag ttttcttag tttaccttga	6300
gcatcgacca tgccgacacc caaaggatc atgaatggca atagggtggc atcggccatt	6360
gtgacaaaat cattcatgcc catgtttaag gacttgattt attcagtcat gccttgagca	6420
gaccggcca ttgcggccagc agcgccctgc cagtttaa ttgtctgcga tgacattct	6480
aaattttctt caagaaaata aagctcatca ttaagcttt gaacttgatc aaccatttt	6540
agaatgccag tagcagtggc agctacgcta aaccaccgca ctaaagtctt tgtacgta	6600
ccaacaatct tategggttc gtcgacagac ttattcagct tgtcattatt tgacttagct	6660
tttcggctt cacgattata ttgtgagccg tccaacccaa gcttacaat tatcgactca	6720
acaatatttt cagccatttt tacctctgtt cctgacttagc aaaatattt attttgctt	6780
cgtttagtc ggcgacttgc ttaacttcaa tcatttttag cgccacctca agaccgatac	6840
aagtgtttaa ttgtgtttaa ttacacattc cagtcataaa cgccctatac acagttcag	6900
acacatttaa aggtagtctt aaaacacccctt cttcaaatc ctgattactc atcgcttct	6960
tgcgataaga ataatcaagt actaagcttc gccttgcctt aaaaaatcaa tatgaatccc	7020
aattgcgtga gcagctgaa ttgtaaatgtt tttaagctt ttaatctctt gatccccat	7080
acaaatacgt gtttaccatg acttaggaac aatttgacca cagcgatcaa gtaaatcaaa	7140
tttttaattcg cttttttttt catcgaaat gtcgacccat acggtaaaga ctgcgcgc	7200
aatttcaatc attccagcca ttgtttttt atcaagattt aatacatcga catctttaa	7260
attaacgcca ctatggcgg ctgtcttaa aagacgtgtt gcccattcat cggcctgaat	7320
cgctggcatt tcgtgattt tgaaaacttt gccttatca cgaccatctt caatagtaac	7380
tgttttgc tttaaggctt cagacatgtt tttagcctctt aaaaaataga aaggggattt	7440
ctcccttat gtttagttgg ttcttcgtt accgttagac atcatattaa agttatgt	7500
atgtccattt aaaaagctgtt caataccatg accaccatg ttgttacca ttgttgcgt	7560
aagcgttgtt ttgcgtttaa cagaaggta gctaatctgg aactcacaac ggcgtacttc	7620
catatttga ataaagtcat tatagacatg ttccaaaactt ggtacggatc ggctattcgc	7680

ttcaagtat acagtaatag gggtttcatg cggaatgaag cccatagact gcttaccatc	7740
aacaccaaca cgcgttgag ccaatgtaac atcagagaat gttacaatg cgtcagactg	7800
tgcgccttca atattgatcc agtcatcata caagccagca cagcggatt ttacaatact	7860
gttgccgct gtaattgtat ttggattata tccattggc ataagttat ctcctactg	7920
aacgttagt acagtcat taaacgttg catactagag ccgtccgtat agaaaaactt	7980
aatgataat gattcacgct caacacgcgt ttgagagtca ggcaaggtaa tagatagtgc	8040
ccaaccacga gtaaatagca agctagcgc atcaaaacca gttcttgat tgacttcaa	8100
ttttgagcg tttagataagt tcacaccaggc acggataccg ccaaagttaa caccttgatc	8160
aattggatat tgcagatacg ctcttaagt ttctcgacca tcatcggt aaggaacagt	8220
cggccttgcataaaacatataaaccgaagc caattgaaat tgagtacgca agaatacttg	8280
gaagtcaag ttatcaatcc acttatactg accagttaca gagccattgc cagcaaattg	8340
aaaacgatca ttggcagttt cccaaagcgc atagaatgaa taaccattt taactaatgt	8400
ttctgcatca gtttcattgg ttacgtctgg aaccaatcca tcttgactgc ggaaagcagt	8460
agttgtgcgc ccgttagttt cttgatagtt aattgaacca gaaacaccac agaagaaagc	8520
agcttatca aaagttccgt agattggaac aacaccgcta gtatttctt ttgcccactc	8580
accaaatgaa gcaccgctt gaccaagagc aacaggatca agaccccatg tgtaaagctt	8640
gaatcggtta ttttgttag tgatccaatg ggcaaaggct tttagagcat cgtcatcaaa	8700
tacgccattc gcataagtga aattcacaaa gttactgcta aactgaattt cgctcaatgc	8760
cgcagttca ggcgttatctt gcgttgtatg gttgttagt attgcgccag tgtcttgagt	8820
taatttcage ttatcagcca cagtagccat cgcaaaacta atagttgagc cttgcctgt	8880
agtgcagat tgaattacaa aacctttgg tttggattgg taaacacaag tcaaagttaa	8940
tgctgtacca attagagcag ccgcattcgat atatgagttt gcggtgctt aatcaacagt	9000
aacgttctt gatacaccat caacaacgt atttaaacta ccgttaatta acttaagatt	9060
agcaatgctt gtaccagtaa tatcaccgccc gataatagtgc gcaaggattt catctgaatt	9120
gtatgttgcata atgaatagcg aatttggatcg agtagttgcg ctattaaagc cgttaaagta	9180
aacgttagca aacttataaa catcacttca taaaccgtat tgctgaccaat ctagagtatt	9240
agaaaaat tcatagttt gatatacagc ttcatatca aataaagttt tatttaatcc	9300
tagtgggttg ccaccggccac caatcacggc aggtagacca gcagcaatat tacttgctgg	9360
gattgagttt aactgcattt agactccaa atcgattt agaaacgtct tccagttat	9420

taactgttt ttctacttt gtattgtatt gcaagtcgc ttcaatcata aagcgcaatt	9480
catacatcc agcctcatta acaaaagata aatcgcgtat acgcggatta cctaattgt	9540
cgcaattaac tagcgtatca gtagtataag ggctattcca aagcgtaat atttcttg	9600
ctcgatccat tgagttatca ccataaaaat ctaactgcgtat tgcgcgtgc atagagttaa	9660
agataaattg ctgtcacca tcataattaa cgacttttgc atccaagtgg cgaccatgca	9720
taaaaagtcat gataatggcg ttttaggga ttgggtttag gttgttataa cctctaatta	9780
ctgtcgatc atttgcaggc agattaaagg ttttaaggcag atactgacgc atatctgtat	9840
aaaggtcggt taatatgctc atgggtcataa tactccttga ttgaaaggct tggcatcaga	9900
tccagcaaaa ccaaataac gagcatcatg tggcgattcc ttaccagttat tctgaactag	9960
cacttcacc catccgctat agttatccc accttcaacg gcgatttcat cacaatatga	10020
ctcaagaaca gcttaactt gccattctgt agggaaatgcc tcaccgtatg gattcatcac	10080
aataatagac gtacctttt gcatggcgcg tctaattcgat ggaatcatgc catcagcata	10140
gatagataag aattgtcctt gttgattggc aaagccccaga tgcttaaat cctcaacgct	10200
cattgactga gcttgaacaa cttaggttg tacaatgtac tgccgcactt gtgtgccatc	10260
tgggtgtgaca gtaaaacctt cagcaacctt caatagtgtc tctgttattac tatttactgc	10320
cgttgtcatg ctattagcta tacttcttaa tcttagactc attaaaaaaa gccccatcg	10380
ttgatgaggc tagtttaca ttattactaa aaagttttca caagattgtatgtaaatagaa	10440
atatcatcaa catcctcaaa tattagtttta ctatttgaa agaattttact aataaggctcg	10500
actgcattta agccacatga atgaatactc atatagtaaa aatcatggat catttttttc	10560
ggagcgggta ttttataac atctaaattt gtaacctcac cattttactt ttcaacccaa	10620
tcatcataact tattatttac catcctaaaaa atttcttatattt gattcataacc aaaccccttt	10680
atttgcatat tcttattata tctgtttact atcgagaatg caatatgtga tttaattaaat	10740
ctataatttt ttttgtgaaa agcgtttgcgtat cgaatataag aagtgcctta atgtatcat	10800
ctgaacattt cgcaagatca acatcattca attgttttgc ttggcatct ttgaaaaatt	10860
caatggcttt ttcaatcttc tggtaaagct ttctgtatt tacttttatt gatacttca	10920
taatttaccc tcaacaactt cgtatttaat actgtcatgc atgagtaaac ttgccttaa	10980
tggggcgtca aatcctttgg ctgcaatggc cgctggggcg ttggccgggt ttgtccagct	11040
cataatagaa tactgaatct cattctgcattt actcaacccca accaaattaa gcgtatgctc	11100
taatgtgtat ccagccttaa tacctttttt ggttaactct acccaagccg ccttttgc	11160
tcttacggtg gttctcataa atggacgact tggaaatattt ttaaaccat attcatttt	11220
ataagccaca gtagcaacgc tagtgcgcgtc tggatattt gagccaggca ttaccccagc	11280

ttttacatac tgatcattac tagaaatcaa gcgggttaat gctggctca gtgagcctgt	11340
gcgttttatt gacataataa aaagccccat attgaatggg gctagtatag cattcagtct	11400
aataatttc caaatcagac aagaccatt ctagttgtg cattgcatt gcatacacca	11460
tagctaatt atgagcaaca ttgtgctca tttcaattt cgactatct ctttcattta	11520
tagcattaac tctaagagta tccaatcttg ctatttctgc ttaattact gcttctgatt	11580
tcattttgct ttcccttta aaaaacccat catggcatga cgggctttaa atgtgaaatc	11640
aatattttg atatgggtta aaggcccag ccttctgagc caatgccata gccgtttta	11700
aagatgagat ctttgcga ccaatcaaac aaagattcc caccagccat atagacatcg	11760
taatcatcta aaagtagttt aaggatrica actatttt ccataaatac acctattaaat	11820
taataattac cccacccaaa aggataaggt catttattgc gcttaactgg catcgagca	11880
gttgcagcaa cccacaatgc cgtgcgatata ggcgcagtaa acgcatagaa tttagcacca	11940
taaggcgttt gtttaagcca ttgctctaaa gcaccgctac ccatagagta gtcagtgtca	12000
atagatacag agccttcagt agcagagcta atacgaccaa ctaagccact gttccgtca	12060
ttgatcctat ttgcaattc tgcgttatga gccacccaaa gataaaacct cttcttgca	12120
tcttttaaac taaagcaaga tggttcagtg ttatcgacaa tagtgtttc tacttcctca	12180
aagaagttt ttagctgttc attagtgaac ttgcaactact gggataagc aagcttaaac	12240
gcagcaggat caaaaacgaa aacatttagac attagtttc ctcaagtttgc ccctttgt	12300
ctagttctgc tggatctagg gttcaagtc cagtttaac cttagcttt tcttttgctt	12360
cggcttgac tttagacgaa gattcatcg catagattaa ctggttact agaagatcat	12420
gattggcgaa tcgagcgcgc caagcatccc acaattctt atctacgcca cttgttaaac	12480
caacttttctt aaagccacca tcaatataca tagaactagg ggaattccac ccgttaataa	12540
cttgcgactt cccttccatt tccatcaaaa tagggaaagg ttgaagtaat gaaatagttt	12600
cagttgcccatt tggtaagcc tcttatttga taacgttac ttaacctaaa aaaaatgcta	12660
ccgcttagggt agcactttct tggatctttgtt tagggagttt cggttggac tggctgtta	12720
acaacaaaca ttggcgccgaa aataatcgca cgttaagttt tttgacaacg cttttgaatc	12780
caaccagatg ctttctgaat cattggatga acacgcattt tttcagcata agccaaatgt	12840
attgtgtcac ttccctgata cttgcgaaga accaactgaa caacctgacc tgaagctgtc	12900
gaatattcag gaactgagta aatgtttttttaa ttggaaagg tcttttcaa gtatcagca	12960
acattaagac cgtatcgat agctgctgtat atgagcgtt cttgcgttgc tgacattaac	13020
aaaataaggt cgtcgtacg cttactaag ccgttgcgtt gcttagccaa ttgtttaaac	13080
atttttgaa tgtcgcaac aatcttaat ggaagctgca acgtccaacg atctggataa	13140

accatgaata ttgcgtataa taccatcata aggtacacca ttaaaagtac ccgacttcat	14940
gacagcatca taagcgtaac ctgcgcttaa ttctccata gccttgctt cgatatagtc	15000
aatcccttct tgcataataa cgcgcaatga tgaccatact cgacctcgat catccattgt	15060
tatgtctgtt ccaattgaac caatagtiga ctctttctt ggttgagatg cgtcaacagg	15120
aatatggcgt ttaagaagct gcaagccctt gaatgtgtct aatgatttac gcaattcgtc	15180
aggatcacgc aacagcatgt attcttggtt tggatctaag cctaattctt tccatcgtag	15240
aattgacgaa ccaagataag gatttactgc ggctttgtg ataatgggtt tatcaacaat	15300
tagatggcca ttgcggcgt agctacgagc tgatttatcc attgcattttt ctggctctt	15360
ctttccctt tcaagccatt gatcaaacaa ttcttccaaat ttatcaaagt cagttatcatt	15420
agccattcca gattcacat atgcaatagc aatcggttga tcttcgggtt ttccctgaatc	15480
aattaactca cgaatgttct tatgaataac atcccttgag ctaccttaa tttagggcat	15540
caaacatcctt ccacttaat ttttagtctt ttgattaaat attctattgc tctgtcatct	15600
gaccaaaaaac caaaaacaac catgaatttg cagaaattca caacaaaattt gggttgcct	15660
gtttttcat agctaagttt taccttata tctgcgatata tcataatcact cacctataca	15720
atttttctta ttatgcataa aaaaagccac tggttaaagt gactttattc taaagaagtc	15780
gcgcggcttg caaacacaac cctgccatcg ttaccatcc caaaaatcat aagcataaat	15840
atatccgcaa tagtaagcac tattttttgg tgtattatct cgtaagttt ttatgttaat	15900
tcttcgtt ttagtgtcg cccatcagg cgcatccctt ttaatctgtt caatgttcat	15960
ttacaaactc caaagcattt tgaatacac accaatcaat tttaatcct ttattgagca	16020
tatctgattt cgcttcattt agttcgattt gatttcgca aactatataa tcaacaccga	16080
atatctttt attattcata aagtggatta atacataattt tccaaacctt tcatgactat	16140
cccttgtaa ccatattctt gacattgcaaaatcaattt atggtaaat ccttttttc	16200
tagctaaatc tattcgacttta atcatttttc aatccctcatc ttgtcgcaat gtatgcataa	16260
gtaagcttta tagatccagc aatattggta gatatgggtt catttttga gtgtggtcat	16320
tggtcactcc atcgctttctt tgatttcatg aatcgagaac ttcaagcaaaatctt	16380
atcatttccg ttcttttaggt tctgtctttt tgtcaattca agttggctga caagctgact	16440
agctgcattt cttaacttgcgtt ctttgcattt ttttgcattt tgtaattttt gagctaggcg	16500
atctacttctt aagattgctt gctctttgtt aagctttgg tcagcaaaagc aagtggcc	16560
tgcattggcaaa taaccgtctg cgccacagta agggcttcca cccttacagc gcatcacagc	16620
attaaaccat atgtcatcgat ctttacttagt caagtcgtgc tcacatggta tcttgcatttgc	16680
tttcatcctt ccccccttgcgtt cgtttgcattt atatcacaaa tcgttttttca aatagattca	16740

ctataagttt ctaatgattc gtttatataat gatctaagct cttttgttat ttctaaagct	16800
aaatccaccc tctttgcat ctcaacata ttatgcctt gctgagtgtat taatgtttgc	16860
agctcgtaac gctttgctt gatctttta aagtaaactt catgaccaat cacttcaccg	16920
tgtatgagatg cttaagctc ctccactttc gcttgtgtt gcttaatcc caatgaataa	16980
atatcaaatg cttagtcct gtccgctgaa acattcatat agttttcttc ccaccattca	17040
tcaaaactta gtcaaaactc tttaaactca ctcatggctg gctcctttt ctgcatcaca	17100
catttcacat ttatctatat gcccccaccc atcatctga atgaagccaa accccttaca	17160
agccttacat ttgactttct ttttctcacc caccaagaaa tatcgatctt tctggttgta	17220
gttaaatca atagaacctg agtaatagcg ccttaacgcc ccatcaatat gaaaticgtg	17280
tggacctaca caaaacatcc accccgaatc cccgcccac tttgtaaacc atgtgaaata	17340
tgcttcctc catttcacat aacggccaga cagatgagga gtcaacaatt caattaaacg	17400
tgctctaagc atctccatgc ttgctgacat atctccatag tgatattcaa gattgttagct	17460
atactcgct gtgttatatac tagttggcat gagattcacc gcctccgtat attgattcgt	17520
ggcttttgat tgcctgctcc aattcatccc agccgettac attggatgc tttgcttat	17580
tccgcgetag gtagtcttg gcaaacttag taccaccatg ccacttgatc agatcaatcg	17640
actccaccaa gctttgaga tccgcccgt tcacaagttc aattcttgaa ttaaaacgat	17700
ctgaataactt tttgctttg gtgcagtagc ataatgtga gtagtaaacac tccatatatt	17760
tgctggat ggcctcaaca acctctcgcg ccttatccaa tcctgctca cgaataaaact	17820
gctctggttt cattaaaaa tactccaata catcaaaggc cagtaaatttgc catgatttt	17880
aatatctttt ccacaaaattt gacatttaat catattaaat catccattct ggttttttta	17940
ccttaggtt ttatgtggt tcatcaggaa agataaaagt cacataaact ttgctttttt	18000
cataatgata acatccctct ggcattttcg cttaagccaa ttctaaatggc gcctgctca	18060
tttaattctc catgcaatat tctattgtttt gttctaatgaa atgaaacata tcaacatgat	18120
tttcttaactc atacacatgaa tacagccaaat ctaagtgtatc tattttttt gttctccat	18180
taacaaaaat agattcacca tcaaaaacca ctctgtttt aatcatatca aacccttct	18240
gctgaataac taaaatcttac cactattaaa tataattctc aatagtaaat cttaaaatagt	18300
tttagacaaaaaaa taaaaccacc cgtaggtatg gttctaaata aacttagatg aagtgaacat	18360
ggggagatcg aactcgccaa taaaacagta ttatgttgcctt gttgtatcaat cccaccgcca	18420
caaaaaaccaa ttgagtaattt aattcaatct tataatgtga actgcaatat tctagcacct	18480
aagctattca ctctctaaag ttgcctactt tcaggccgtc atcggtttct cgtgccaata	18540
ccgaaaaaccaa cagaacattt tagccatctg tcttgctat tgatcgccaa cgtgcaataa	18600

gttgcttgc tatgtccctt tgaaggtact cctagtctaa tgatattcac tgtgtcgccc	18660
acagattcga tcaattacag aagcgacttc acacatccgc aaaaattaca aaccaaccaa	18720
ggcgcgcagt aattttacc aatgctacat gatattgttag tcatactcca tgatttaat	18780
aataccaaaa caatctaaaa atacaatca gttgtttga tatgggttat tggtttaca	18840
aattacagt tagtgaaacg gattgccgtg tcgatgtcgctt ctttactta tgcttatcac	18900
atccaattaa ctgtattatg ccatacttc tggaatttcg ataattagct tttcctaca	18960
gcgacaattg atttcgatgc cagtgttgt ccacttgcca tcaagaata agccttcctt	19020
gatgttaaat ctagttccat ttgccttac gtggcttga cgaaaagtct ttccgtcatg	19080
actgtgaagc cagtaagctt ccgttatgcc caattcctca gccctagcat tctcaaaagc	19140
ctgattcaac tttagctgtct gatctttgc aatattctt gccctgcgt ctgttacgcc	19200
gtcaatctct tttagttgtct tgattagtga ctcaacatca tagccattct taacactacg	19260
ccaaaccgca gagcgaacctt tatctaaata ctcattacca atagacttga ttatagcaac	19320
gtttcacct aaagcaattt gcgttgatc ttccatatat ttctggc ggaagttac	19380
agtaaaggca cgcttgcgaa gaataccaa aagtgcgttgc tctgtttgg ttttagcctt	19440
acctactaac tcttgcgcca cttgagtcga tagttatct aaacgatctt gccaccgact	19500
aaccaaccca tcaataacat gtcccatcca atccaaatg ccatccatag caattcaga	19560
ccgcataagcc ttaactacgt cctgaattaa atcagaacgc attcatcca tcatgccttgc	19620
catttgcctcc ctgtaccatt tggcaggga tgcattagcc gctattgact caagggttat	19680
ttccatatactt attttcaac aacatctatg tttcgttt cagcataagg atcacgtct	19740
ggcgcactac ctctaaatttg ataaccactg tcttcatcat cattcaaagc ttgcgcgt	19800
tcttcgttgtt cgatcacacc ttcttgaatg taaatcttag cagttgtgc tttttcaag	19860
tttacgtctg ctgttcatt atcgtaat tgataaagcg gattaaagac aaacttaata	19920
ctttcatcaa tatttccaaa caagctcaat tgcatacagt caaggataac tttgatctgc	19980
ggcaaaatatac acgtttcttgc tctgtgtat acgcaatcgt aaaataccct aatctccaa	20040
tcagaagttt taccaagacc cggcggtgg gttccaaata tcttcaatac tgaaattttt	20100
gaagggttagg caagcatctg tggaaacttg tctagcaatg tatcaagccc agataatggc	20160
gtattgtatctt ggaagaactc ttctgatctt ccattccaaag ccaccacgcc ttgattatct	20220
cgacctaag ccaatgcattt taagcgacca atcaactgat ttgcgcgc ttcatacc	20280
gctaaaggattt cagacatatac ggtcttgata ccagtcagc taaacatggt aatcaattta	20340

gctacagcgt ccacaataga ttgatgacgc tgaacgtatg gcaacatcaa ttgcgcatt	20400
gacatgccat aaaaattata agctggctta agcattgcc caacgggacg cataattaat	20460
gtaagcaatc ggctatgatg tacatttta cccataaccc accactgctt aggacacaag	20520
aaatcacttt ctatggatt atttgcatig tacatactag gcgtggacca aagggctca	20580
ataaccgtga agcctttaa cgagccttc ttaatgcctt tctcgtaat caatagaggc	20640
agatcggct tatacctttg cccttcgatc tgaatgtata actgagagcc accatagtag	20700
taatcattct cgatgtgctt acggacaagg ttgcgaatgt ccagcctgtt aaattttcc	20760
atgagaatgt ctacgcgcctt ctggcacca ccctgaccc cacccattc gcgtgtcatc	20820
tcttgagcaa atgttcagc aactaggcga tatticagtag actgagccaa ttgagcta	20880
acttgatagc ctaaaaagtt gctataaaac tgtggctcta atccagcata ttgcgaagct	20940
gtacaaaacc catccattgc catagcgeta tgaccatctg gtgcaacacc atcaggcaaa	21000
gaaggcgctt tgtactgaat cgccacacct tcattatgct cttgcatacg atttaacaaa	21060
gcgttccatt tcggctttcg ctttggcgct tcttcttct ttctgaacca atcaaacatg	21120
ttttaccttc cgaagccga ttcgatatcg gcgatgttaa tcttcataacc catgccacgt	21180
ttcatgactt ttcaagcgc atagcgtat gcatcgacat agtggttata tttgtcaatg	21240
ataataggtt atacttcatc tgcgcctg tctttttgt acgagtaatc acggaactct	21300
tttagcgctt ctttgcattcg tgaatgaata tagactttct taaacgactt aataaactca	21360
ataccatcct caacagagcc tttacccttc tcaacggcg caattctacg caaggcttt	21420
ttctttaaat gactaataga ctcaggacgg gcactatccg cataaacagc atacttta	21480
atgtctggta ttttttttc taaaaattca acagatgtgt ctgcataag accaacttc	21540
ccacccctcggtt gttcaatcca caaacaatca tcatgaatcc agactttgac acatgccgtt	21600
ggatcctgag caaaacccaa gtccaatccg atgtaggac catgccattt ttgaggatct	21660
ggcgtaaaat ctttttctc gtatggccc tttaaagattt ggcgcctcaga catttcaaga	21720
taaggcgctt cccatatcca gcgataagtt acatcatcaa gattggcttg atctcgatcg	21780
cgccttaagt caagaacacg agggaaaccac ggattatcag aatagttcat ttccacacac	21840
ataccaataa gttcgctgt ttcatcatcg tatattcgg gatgattaaa ccgaacatcc	21900
gtagggctgc cgcccttc agggttatag gtaatataata ctgtgaattt ttcctctcg	21960
actgttgca atagtttct atacgccatc tcagatacgt tctcagcttc atcaacccag	22020
cacagtaaaa tacgtgctt ggatttgata ctgtccagat tgcgtctaa acctgcaaac	22080
gtgtattcaa ccagtctgtt tttagtgcctg atgtgtttct cgcctatcgt gtagtatca	22140
ttcagaaaag gaacagaccc gatagcctgc ttgatttcct ctaatgtga gtctgctagg	22200

gagtttaagt gttcacgcgc acaaagaatc acaccactct ggccactctc agcaaacata	22260
tagcccttga ttgcgtcat cagcgaaat gatcgagctt taccactacc tcgaccgcct	22320
ttactcacaa ggttaacgcag atttggagta gtaaataatg ggatttagttt tggaggtatc	22380
tgaatgttag ctctgtcat ccaatatacc tcgcacctt ggatctatit ttgtgcattcc	22440
acatggctg taagtttagac aaagcattga taatttctgg acggaactca ccttgctta	22500
ccattaccgc aatcggtatt ttgtgatcaa tctcccatc gccaaaatta tcccaactca	22560
tgccgtctt aaactggaat tccattctt gaattaaatc atctgttgta tatccaatct	22620
tctcaaagggt gcaaaaatcc tttggcttat tggttgcttt tagaaccgc ctaagcattg	22680
atctaacttt atgatttaca gaatatgtaa tatcattgtt atatcttca gcatggtaac	22740
ttcgtctttt acttaaatga tggccctgt tctttctct ccatgctcta ctccttccc	22800
taacctgatc tctatttctt ctttcgtat ttgtgtata ttcccttaact ttatccttgt	22860
tttttcata ccaaggctt ctgtttgctc tagcgcagtc cttgcaataa gtgcaaaaac	22920
catcattctt agatttatct tttgagaaca aatcaaatgg tttctcaata aggcaattat	22980
tacacaacctt agtactatc tattttcccc acaagattaa taacagttgg cttattaaacg	23040
ctttcaccat tactagtgtat gtcagttca accttgcac tataccatg attggcaagc	23100
attagcttag taatcgccc gctaaattgc tgactaagac cgccatataat taaaagcatt	23160
tcttgcttca tcatgattgc gtctaacgtg tccgcaaaatt caggacttaa agccttgat	23220
tcatagatgg ttgaacgccc aattccaaa taacaaccaa gcccagctat actaggaaca	23280
atatttcaa ttcccttgta cccggtaatt aaatattctt ttgtttttc aataagtca	23340
gggtgtaaagc cgcttaggtct acccacttca ttactcatag cctaaccctct cttagcctc	23400
ccaaaataat accacaaaaaa gaaaaaccgc gttaaagcgg ttttatttga agtaaatatg	23460
cttcgttattc atctactgac aagccacttag ggtgataacg aaaacccac gagttgaag	23520
taagataaat aattgcttca ccacattcat catgatttaa cccataatgt ttgtgcgtcat	23580
ctggaggcatt agctctaatt tcttcaatgg tcattttca aactccccca aataagtca	23640
agataaaaaga taagtttctt catccatagt atgttgatt gctacacgtt ttatatctgt	23700
taaaaacctct tcagtatatg gaaattcatg aatcggttg gcaatgatca ttgtatgat	23760
ttttttgtct gcataccgtt ccaactaaat atttatgtttt aatggtcatt tatcaaatcc	23820
tcaatccaag aagccgacat aaacaaacac aagatgttgc tcaacactga aatcaatccg	23880
tcaacataat tgtgatttac taaaatgttg tataaagcaa tgctaaacca caacaaacac	23940
caaacccaaat aaacaccgc aaatagtgtt aatctaaccct tgctcttgta tattgattct	24000
ggtatataaaa tataatccgt tttatctaaa tttaaatttca tcgactcacc ctcttcaaaa	24060

tcccaccaa ccccgagcga ctaatccaa gcatcttagc cgttcagtt tgatttcctc	24120
tagtcttaac caaagccctt tccaaaatag cttttcaaa acgtttcta atcttataaa	24180
agcttcacc ttggctata gttcgtaa tttcttgatc tacggtgtt ttcattgcta	24240
gtaaaactcc ttaacattag ccgcacgatt ttcttcatcc ttacaatct ggtatgactc	24300
attagcaag ttgtatgcaa taaccgcctt atcctcacct ttgtaaacag ggaatgagta	24360
agcccaatca acattggcat ccattaaact agccagcata ttgtctacac cccgcatctc	24420
ctcaaccact tcttagctt gatgcttgca ataacccttct tgacgcata gcatagtagc	24480
ctctgcaaag tcatacatacag catcacaaaaa cccagcatta gcaaaacttg gaactgtcaa	24540
taacgcatt aataattttt tcatcacaaa atcccttcca caccattaa aaacatctc	24600
acatcaccca ctgttaattt accttctta tggtaagcct ttaacgtctt gatgtgtccc	24660
gcaatatcat caatcttctg ttgctggta ttgtaaattt tctgcattt cttatatgcg	24720
cttataatcaa atctatcacc cagacacacc ttgcataaga ttgcataaaa ttcactcaca	24780
atcaatctcc ttccagcatt tacggcaaac ctgttaagtc tgcgcattt aattacttc	24840
ctcgattcc cattcatgtc ggcagaatag ggcgtttaga aatttataga tcattttta	24900
ttctccataa gtctgcaac atagaaccca aaatttggat gggataaaat tttatgcaca	24960
acttcttaa gatccaaat atcattagcg atataatttc cacttatcgt gtttagttt	25020
attggaaatg catgttgctt atcaatttctt attgacataa ctgcttggt acaatataaa	25080
cttctattgc tttaactaa aataaatcca cccagttacac cagtttctc gcatatagct	25140
ttgttgctt caataatcac ttcaataatc tgatcaagat ttctatcgta atttttgaa	25200
gcttcaagac cttttaat agttccata aaatccatca cttaaccctt aaccaattaa	25260
atacaaccat accagcgtga tatacaatca acactgaacc tctaagcaaa tctgttgccg	25320
cgtactttaa tacccttaga ttaccctta actcttttt gtgatccatt tttcaatacc	25380
ttgttattac gcaccacaat caatggaaat aaaaccacac tcaagattag agataaaaca	25440
ccagctaaag cccaaaacaa ctcaccaac aatttaggtg catgttgaa taacttagct	25500
acatcaacaa ttgccaacca taaagctta actataacca tttatctct cctcttata	25560
ttctcaatag taaatttat ttataattaa tgcaaggatt ttaagcaaaa aaaatccgt	25620
tcttgggtt agatacgat gtaaaagttt cttcagttcg ataaatatag caaatttta	25680
gttaattgca agtaacaatt ttaattgctt gctctacaca attaaccaca ttaacttgac	25740
cattccataaa gtcatgccat tcgatttgat ctggcgtaa ttttgcgt gaaactggtt	25800

tagtccatc ttttatctct aataaaaagt ttttaccgca atagcccacc aaaatgtcg	25860
gacacccttt tccaacactt gaaagaattt gaactgtaca cccaatctt ctaagtgc	25920
ccactattc tggttgattt gcatctatct tagctgctct cacgcacate agttcctata	25980
taaaaatggtc cttagttt gtactttic tcaaattttt caatagtcat atatccaaca	26040
taataactaa atccaaattt aaactcatta gaccaatctt cattaaattt taaaacatca	26100
tcaaaaggta atctgtcctc acttgcctca attataaaaa attgttgat tagtcgatta	26160
ggctcaaagg cttcaacccc acgaactgca tgtaaatgta atttttcat ggacgtttc	26220
tcaatgagtc ttccaatcg ccattatatt tatgcctgac aaccatcata tcaccactac	26280
atgcattcatt aattccccat aagccaatgc cggtatgtt aaaaaatata tctggtttt	26340
ctttaaagac aagccaaac cccaaactgt ctacacaaaa ccatttataa tcaataggaa	26400
ccatcctcca atcaatctca aattttctca acacttcagg tcgactttt tcttcgct	26460
ttttcataca gcaccttga ttttcttag ctgctctacg acttgctttt cttctgctt	26520
ggtgcgccaa cacccattt gagttcgaca ttcatctgta tttgtcccct cgtaatgtc	26580
agagtcataa ccagaatttgc tatgagaaat atagaaatat tcctcacca cttcggctc	26640
aaaaggcttc ggcagctcaa gttcaagctt gacggtttgt ggtttgatgc ggaatttata	26700
taaaccattc acaacctttt gtacagtaaa ataaacaata ggtaccact cttcatttc	26760
ttctgaaaac ctttcagctt cttgccatc agccaaagct cgcaacgcct ccgcggcgt	26820
aatcaaattt aagccttttag tgataggctc caacccttca tctgttattt tagttgtatct	26880
cacccactta ccctcaaaca taaagtaaaa aactccatca cagctttaa agtagaaatcc	26940
atctaagacg ctttactta tgtaatttgc atccttcaca tcattacgct tcaacacaac	27000
aaggctcgaa agctgaggaa atgtaatttgc cttaatgtt tctttatcca aagttcaca	27060
agcacaaccc attgatccat cggcgaaagc taaaacccat ttagtggttt cttcgatattt	27120
gccaaaaagc aaaaatcttagtt catagccaaag ctgtataaac aactccctgag cctctttgt	27180
ctcagcttca ttgttacgc gaattttata atttccatc acacacccca taccatatta	27240
tgaatttaact tacttaaccc cattactgca aaaatcacga tcaaataaaa caaaaccatg	27300
acttttgcaa atcctataaa ctctttgctc attgggtt aatctggta tttacgatca	27360
ctgtttggct accgccttta ttgacaatg accagaacaa actccaaac cagaacaaca	27420
cagaccaacc taaaaacaaa ttcatcgaa agattgcca ttacttgca tgcccacgca	27480
taaagccat aatgtcttaggc gcgaaataca taattactga aacaactaaa accaattcca	27540
taataaaaacc atctgttaat ttatattctc aatagtaaac actatccaca ataattgcaa	27600
ctatTTTta aattatttgc atgtgactat gggTTTaca ctccgatttgc tcacactcca	27660

tttttaaac tggttttaa ttcttactcc ccatgaatga gcctcataga cagtaaattt	27720
ttcaccagca aaataaaaccc gatcaccgac tttgtatttc atttctcaac cctcacaattt	27780
ggctaatttcaaatctcggtcaaatata tttaagacaa cttgtttgg atagtaacgc	27840
tgacgcaaggc caaccttacc aacagcaaca aattcataat tcgaagtcat aaaatcacca	27900
tcccaacagc tcgaacttac tagaacaacc ctgtgttat attccgaatc ataaaaacat	27960
gtttgattaa taattgattc gcacatcattt ttatggatt tgtaaaatct atcatctgac	28020
tttctaaacc aacaatttag tatatttattt atactctaca ccccttctt atctcttcat	28080
ccgttgcgtg acgcaaacac ttagtgcctg cacgtaaact atcaattttt tgaacaacac	28140
tgtccttgtt atattcctcc ttaaatacaa caaggtgccca taattcatat atttcatttt	28200
gtcgccggtt ttcgagtaaa gtcgttttta attcatcatg gtgtttttt aaccctattt	28260
gcgacatttt taagttttt gtcacattt acccgcccaa attatcaattt aaattcattt	28320
aaaaatccctc acatgtccaa atattctaaa ttaagattac taaatcttga gtattgttgt	28380
tcagttgcta atctaactgt tccaaacctca ccatcacgac cttggctac aataattcg	28440
gcaataccctt gatctttga gtttttatca taatactcat cacgatatat aaacatgatc	28500
acatctgcgtt cctttcaat agatcccgac tcacgaatgt cagacattttag aggtcgctta	28560
tctttcttag attctaagct tcggcttaat tgcgttaac aaaaaacagg acaatcaaattt	28620
tctttgcta tagccttaag acctttttagt attgcaccaa ctgccaagtgtt attgttgcattt	28680
gtagacaatgtt gtagattttttttaatgtttaaa tagtcaacga atactgcacc aacataacca	28740
tattttgtt tcatgattcg gcaattttt ctaatatctg acaagctagg tcttgcctta	28800
tcatcaatta aaagtttga tgccttcaac ttatttagttt ctttatagaa aaactccaa	28860
tcctcattttt taatatcaga gtcacgaata tctttttttttaat ttatttggc tagactagca	28920
accaatctttt gcccaattttt ttcttcgac atttcagcag atttggaaataa aactggatgc	28980
tgttgcataaa aagaaacactt caacatcaag ctttgagcaa atgcgtttt cccctttttagt	29040
ggctggcag caataataac taaatctttt tttgatattt gaccaagctg tctatccaag	29100
tccataaaatc cagtttttac acctacgtca accttcttc cacgttttct tgcctccatc	29160
gttttatcaa tagacgcaaa tagagaaaca gaaacatcat aagcatccga taaagtcggc	29220
acttcatcctt gattgcttaa atttccaga atgctctcag atttcgatata agcctcattt	29280
atgtcgattt ggtagtatac tatcgaaata gccttaattt tttctctgc ctcaaacagc	29340
gctttctgg aggcatattt atttaactgg tcagcatgtt gctcaagaaa atgagccaga	29400
cctattgtt agttaattt tatcaagaaa tcttcatcaa caatttcgaa gtcatttgcattt	29460
tttaacttga ttgagtcata aaccataaca atgtcatgac ctgaccgc atcaaaaagc	29520

aagatgattt ctaattttt taaactcat cttcaccaat gcagcaaata ataatttgct	31320
catacatatg gaatagctca gttgttaact cttgttaac catacaagt gctgatattg	31380
cacagtata agctgtggca atatgc当地 aaagatcatt ttttc当地 ccagattta	31440
gcaatttc当地 catttatca ggtgaaacag tgtagaatgc tggctgcat cggttagga	31500
cacaacaac atcatgctc gtc当地tga ctggattttt ttttaattcg ctaatc当地ag	31560
ttgtgattgc tgtataaatt tctgttaacc tttcgctc当地 ctaaactata tggc当地tta	31620
ataggcttt taaagttaag taaaataat aattcaacta tacaaaataa gaaaaactga	31680
tataaaggta aaataaaaag cccgaaagg ttttagtggtt attttctt ttttaatttc	31740
cagcaatcaa aacattcatt gttataaact cgtcttagca atgatccgca tttgcaaggc	31800
ttggatgct catagatcgt ttaccatac ttcttgatt tgacctgca attacatttgc	31860
ggcttatac cttcttaggc tctttatc当地 taatttgaa aggtattgt gc当地atccaa	31920
agcggtcagg gttcataaat ccgtcattaa ttacatggtt catttttac ctacattaaa	31980
tattaaacaat atcttagtggt gtttatatta tcaaataat tctcaatagt aaataggttg	32040
gagtagttt tagtggattt gtttagaatga atttgc当地tta agagtgacgg ctc当地aaaacc	32100
aattaacctg attggcctcc gcatcattac atcagggttt caatgaggat tgaattatgg	32160
ctaaactagt ttatggcgtt gggattaacg acaaatcaa accctccatg gttgatggaa	32220
agttataaaa agaatatgct gttggaaaa atatgattt tc当地atgtat tc当地agaata	32280
ataaaaagaa atacccaact tatattggat gcactgttc agaaaatttc aagaattatt	32340
cgtatttta taatttggat aacaacccaa ccaacctaga tggcaatctt aatttigaac	32400
ttgacaaaga ttgtctataa aaggcaata aaatttactc agaagacaca tgc当地ctt	32460
tgccaaaaga aattaattac ctttaaaca aaaataaagc caagcgaggg gagtacccaa	32520
tcggagttc ttgc当地ata gcaacaggaa gatttggc当地 aaaaattaaa aaagaagcaa	32580
agttgtttt tagtggattt ttaataatc cagtagatgc ctttattgca tacaaaaaaag	32640
aaaaggaatc tcatattata ttcatgacaa ataagtatag agatcttata agcgattctg	32700
cttatacggc tcttttaat tatatggta aattggatga ttaactcaat catccaatag	32760
taaatagtac agttaaata aaacccgact agcgggttaa attcctaaaa gttttttgt	32820
atcgggggtga agttgacta tagccaaacc ctttcaaag ctggatgta gtc当地ttacc	32880
agttgctaga ccgtgaatgt gaacagttga aatccccgtc tttcttgcta attcagttg	32940
attgatttca cggatttcta aaacttctt aataatttgt ttccagtc当地 taagaccctc	33000
cattttttgt tagttaat tattaaatta gctattgcaat atattaaata atatgttact	33060
atagggata tcttaacagg agaaacaaag atgaaaatcg aaaatatc当地 tattgtgtgt	33120

aaagatttaa accaaagaga tgaagcgaa aaattattaa aatttcatgg actcgaaat	33180
gatatgtgtc caactggaga tcagaatatt accgttgatt ttggtaaac atttggttt	33240
ttagatttt ctgtggacg caaaaattgt tttgtaat ttatgcaag atattcagaa	33300
aacgatatga tcaaaaaat ccaccaagcc aaaaaagaac ttggttaaa taatagtcaa	33360
ctatcttaa agatggtaa atctcgcccc tatatcgcta agatgcttaa ccagccgcaa	33420
agcgagaagg ttcaataa agttttaaa gaaattgcg aacttttggg atttggcag	33480
cgctgcaagg aaaaagagta tgcacgatgc gcttcgtaa taaatattcc agtatctata	33540
aatgatctt cagttcaaaa acaccaagat ggccgagaaag acaaagaaat ttccggatctc	33600
aaaaagatca tcgaagtaa agacttggca atcagtggac taatcaaaca aaacgatgaa	33660
gctaagaaaa ttcatgataa ggatattaat acactggcgt aggtagaagg aaatcttatt	33720
ggtcacaaaa ttgatttggc tcgaacaaaa gttgaattgg attactttgt taatcaatac	33780
aagcaatctg aagaggatgt aaatagcctt aaatcgaaga tcaagcgcga gcgaatcatt	33840
attttaattt ttattgcaat tttaacggcg ctattttct tgaagggttc tattgggt	33900
tgagttttgt aagatttggtaa gtaagtacaa gttgtttta aataattact gtatgtgatg	33960
tggaatgaaa tgaatatatt agagttggca aaaatcattt ataattttt ttcacaagat	34020
gagttttac taactactca aaagggtggc ggtgttcaa gcatctcaat atccccaa	34080
actggacaag aaattgaatt ttgtaaagtt ggtgctgctt atggagttaa aataaatgat	34140
gaagagtttgc aattaagatc tggcgagttt gagtcgctat tatcgctta tcttggagg	34200
cgaatgttgt taaacttaat gaattaaaat tagctccttc gggagctttt ttaatatttgc	34260
cgcttgacat taatactcaa ttcatctact attgagaata taaacaatgg gtaaacat	34320
tgaaaaatgc attgattttt gctgcttctg ttgcgttagc tgcatgttca ggttaaccag	34380
ttattactgg tccttatgaa gttgaatcat tagatatggc acataacgtt gctgccatta	34440
aatctggta tttagtttta gaagtttgat ttgaaggttagt attctttaaa gatggcaacg	34500
gattccaatc atggaatgtat gttgaggttg aatctgtaaa tgacgttaaa gtttacaatg	34560
aagatggtaa aacagaaaaac tatgttttgc ctatcgaaagaa agtatacaac attgttcaag	34620
ttattgaaaa tggaaatttgcg gagaaaaatgt aatgagttgg ctgtacgttg tggaaagaaaca	34680
tgggtcagac gcttacttctt ggtcaatcgaa aacagttat caaatgtat tgattgtact	34740
taaagaatac agaaaagcgta tgcataataa tagatgttattt cagcatcaag aaagacagga	34800
aacattactt aaattttgg agatttctaa atgagcaatc taactcagca gcaaaaacaa	34860
aatgcattag caatcaagca aacgcttagc aatccatcggt tgatgttgcg catttggaa	34920
atgatagggc gtaaatctga tagctatattt acgtctgtaa tgcaagttat caactcaac	34980

gcattattgg cgcaatcaac acctgaatcg gttataggtt cggttatac ggcttgtcgc	35040
cttaattgc cactaaataa caatcttgg tttgcttata ttgttcgtt taaaaatcga	35100
caaactggca atacaagaagc acaattcaa atggggtgga aaggctattt acaatttagct	35160
cagcgctctg gtcagattaa aaagatcgct tcaattgcgg ttatgacac tgacacagag	35220
gaaagcgtaa aggctcggtt aacttcattc attccgaga aggttagtgg cgaggattt	35280
gggtatctgg ctatcttga gactgtgaca gggttgaag ctcatthaac aatgactaat	35340
gaagagcttgc agcagcatgc aagcaagtat agccagacgt ataagactgc aaagtgc当地	35400
ggccaaagctt attctgtatg gcatcagaat tggatgcaa tgtgtcaaaa gactgtcatt	35460
aagttgttta tctcaaaata tgccctatg tcgggtgagc ttccggc gattgaattt	35520
gatcaagctg tgattaatga agatggcgaa gcttcataatg ttgataatga tcaagaaagc	35580
gaaaagccat tagctcgatt gatttctgag gatcaattcc cgcaattcgt ggcggctatt	35640
gaagctggta gcttaactaa agagcatgct ttaaatccag atatttacgc attaagc当地	35700
gaacaaaaga aaatagttga ggcgttatga atctaatttt tcgatgttct gagcttc当地	35760
gactaatggg aaatgcaag tctattgact ctgcatttct cacagaagaa gttcaagcaa	35820
taaaggcgaa gaaaaaacgt accgatgaaag aacaaaagat ttttagatgat ctggata	35880
gaacttatac ggctactgct aagacactgg tcaaggaaaa agttggcag ttaagacata	35940
aagctccaag taagttact ggcagtaaag aaacaagaaa agtaatttta gttgaagatg	36000
acgcaatctt gttctaatg caacagaagt ttattatgc tgaaaagaat atgattcg	36060
ttactaatga ctggatcaact ggcgaaccag acattattac cagcacagca atacgtgaca	36120
caaaatgccccc gtggcatat tggactatgg agtattttaa agaggatatt gagagcaagg	36180
ctttagatgc tggatgat tggcaacagt tggatgatgtt gtttttttttta agagaaaata	36240
atgattatgg gccaaaata attaatgagg cctatcttga tttattctt atgccaaccc	36300
caaaagaatg cttactaga tatgacgatg aatatttgc tatcgattat gttttggaaac	36360
tagagccaag tgagcgtatt tcatcatata aagttgagta tggtaaaag aaaattgact	36420
taattaaact aaaagtc当地 aatggcttagag aatatgccaa gacttttagttt tttggaggat	36480
aaatgaaaat caaggaatca ttagtctta tggatgttgc gggatgc当地 aaagggtggc	36540
ataactaaa cgagcgtaaa ggcaatatttgc ttatgc当地 aaatggaaag gttggctgaaa	36600
tttatttttc agatgccat tatcatgaaa ttaacgacta ttgcaagaa cgtatgat	36660
tgttttaac gcaatggctt aaatatggag tggattttcaagaattta aaacgc当地	36720

gtgcgttaga agtgatgcgt aatagagggc agcgatattt ggagttaaaa agatgaattt	36780
aaatgagttt gatattaaat taagatctga aactgggtt acaggatatg aaattcaagtttatgaaagt gaaataaaaa tatccacttt agatctaag caggctagct catggtgtat	36840
tgagaatata ccgttaggtg taaagtggga gttattcttg gatgaatcaa aatgaaccaatagcaatga tttaatatac cttgttctg agtttgtt ttgttagttt ctatatttatatgaggcgt ataagcgaaa acgatacgtg caaagaaagc aagatgatca acgtaaattt	36900
aatcctattt gtgaaaaggt gtggggaaa aagtaatgga acaattaattt aaacaatcg	36960
37020	
37080	
37140	
37200	
37260	
37320	
37380	
37440	
37500	
37560	
37620	
37680	
37740	
37800	
37860	
37920	
37980	
38040	
38100	
38160	
38220	
38280	
38340	
38400	
38460	
38520	
38580	

cagtgtattt atgaacattt ccgtaacgcc aatggcaagc ataaacataa ttacatcgac	38640
atgcactgga aagctaattt tgggtggaa taccacaaac attaaactgc cagtaatcaa	38700
gaaaaagctt aggttaattt gaaacgtcat catcgagctt cactccgtt ttagattcaa	38760
tttctacctt actacgctt tcgatagctt taattagcat tttgctaac gtaatgccac	38820
ccatgccgta aataaagccg aaaacttcga cataccacc accagtaaa agtccagccg	38880
ttggagttga tagcgcagca cacaaaataa caccaacaat ccagctaata actcgttcag	38940
ccagcggctt gccagaaggt actagggcgg tgactgtgc tccagccacc cccataaata	39000
tgacacctac atgagctttt agccactcca gaatcatgtt aacaaaatcc actacagatt	39060
catcctatat aagtttact tatattatca ataaaacatt aaigattcta ttatgttcaa	39120
tatttcataa aagcaaacct gtcagatgta tctgtggta aaaaagggtt gtcagttatt	39180
cctaaca gata caagtttgc tttccctgaa taatcagtag tatatgaggg agaataaata	39240
acagtagaaaa gcattgttgc ggtatactct aaaaccatac caagtttgc agcagaaggg	39300
attgatccac ttgcactcc cattttgaa acagtaccgc cacttttct gcttcttga	39360
atataaggcat atgaaacaga ctcgatataa tttcctttc cactaatatt ggcgtctgag	39420
tatgtattaa agtcaccacc aagccatgaa ttcaacactc tataagagcc gtttggatta	39480
attctgattt tattgttgc aactttgaa ggatcattaa ggacaaagtt caataagttg	39540
taagtattat ccagagtagg aaatgtttag tttatattaa tatcaaaaac acaatttttta	39600
atgtactcaa gatacatcaa caaaccatgt ctgttattt taaaataatga aaaatcatat	39660
atatttcctg aaaaaaccca gccgtcaaaa taatcgtag gtgtacttgt tgcaacatct	39720
cgattnaaga tcgtatattac ttaatcgaa ttgtttaaga attttaattt ttctctaaca	39780
tacataccaa caaatctaat catgctaact atttggttt acaagatacc atttggtagt	39840
gtaaatgagt ttgatcttat taaaacatga tccaaaactt cagcagaata agtaatgtt	39900
ggaacagttt ctccctcagg ccatacggtt aatatggatg cgctaaatgc ggttggtaa	39960
cttaatcctc taactcctgaa atttggatc tcttggtaaag ttggcgctt aataaaagtt	40020
acattattat cataaaactc aagatcattt aattttgcag ttgttattttg tatcgaccag	40080
aatccaagag ctgatcttga tattgttgc gtattattttt acgtttttt atcataaact	40140
atttcgttag gatctaaaga ttgatctgtc cgtaaaatgc cactaaatag catatttggaa	40200
taccatcta tgcggttattt gtaaaaccac tgatttgcgtt cgtcaattc acaagcgcaaa	40260
gagtttaattt tgccttaac ttgtttaat ataaaatcgat tatcatgaac ttttattttt	40320
ttaccaatac aatagatgtt agaatgttca tgaaataatg atgtatcaga cattaaatttgc	40380
ataaaatgtat ttccaaatat ttcaatattt gttgtatgtt ttgaagattt aaaggcattt	40440

agacaaagca ttaagtacac cgtttacatc ttggccctt ggagcttcc cgccatctt	42240
gatttcgtc atggtatta aaggcgacc ttcatccat gtaaatcct ctggatctt	42300
tccagttga cgaactttt gaataatgtt ttaatcccg ttagcagcaa atgcatttg	42360
gataaatata ggattagcca ctatagaaaa ctccattatt gaaattgcit aattctgac	42420
cattaaagcc aaatgttcta tccacatcaa cttcttgtt tgatatacca acacctgaag	42480
gcattggag catattna gtataaaca taagccgatc aaaagggtt aatgcaaact	42540
caaaaacata ttgag	42555

<210> 16

<211> 696

<212> PRT

<213> Unknown

<220><223> Bacteriophage YMC15/09/R1869_ABA_BP ORF7

<400> 16

Met Ala Glu Asn Ile Val Glu Ser Ile Ile Val Lys Leu Gly Leu Asp

1	5	10	15
---	---	----	----

Gly Ser Gln Tyr Asn Arg Glu Ala Glu Lys Ala Lys Ser Asn Asn Asp

20	25	30
----	----	----

Lys Leu Asn Lys Ser Val Ser Glu Thr Asp Lys Ile Val Gly Asn Val

35	40	45
----	----	----

Thr Lys Thr Leu Ala Arg Trp Phe Ser Val Ala Ala Thr Ala Thr Gly

50	55	60
----	----	----

Ile Leu Lys Met Val Asp Gln Val Gln Lys Leu Asn Asp Glu Leu Tyr

65	70	75	80
----	----	----	----

Phe Leu Glu Lys Asn Leu Gly Met Ser Ser Gln Thr Ile Lys Asn Trp

85	90	95
----	----	----

Gln Gly Ala Ala Gly Ala Met Gly Gly Ser Ala Gln Gly Met Thr Glu

100	105	110
-----	-----	-----

Ser Ile Lys Ser Leu Asn Met Gly Met Asn Asp Phe Val Thr Met Gly

115	120	125
-----	-----	-----

Asp Thr Thr Leu Leu Pro Phe Met Asn Ala Leu Gly Val Gly Met Val

130	135	140
-----	-----	-----

Asp Ala Gln Gly Lys Leu Arg Lys Thr Asp Asp Val Met Leu Asp Leu

145	150	155	160
Ala Asp Ser Phe Ser Lys Met Asp Arg Glu Gln Ala Phe Ser Ile Ala			
165	170	175	
Ser Lys Met Gly Ile Asp Glu Gly Thr Phe Asn Thr Leu Val Gln Gly			
180	185	190	
Arg Lys Glu Met Glu Lys Met Leu Glu Tyr Gln Ser Lys Met Tyr Lys			
195	200	205	
Ser Ser Glu Glu Leu Lys Ala Ser Arg Gln Leu Ala Gln Asn Arg			
210	215	220	
Ala Leu Leu Gly Gln His Trp Glu Ser Leu Lys Thr Met Met Ala Asn			
225	230	235	240
Ala Ile Ile Pro Leu Phe Val Lys Leu Ser Glu Val Ala Leu Gly Ile			
245	250	255	
Phe Glu Tyr Leu Gln Glu Asn Gln Gln Ala Val Gln Ala Val Phe Lys			
260	265	270	
Gly Ile Ser Phe Val Val Gly Ala Ile Leu Ile Pro Ile Leu Ala Lys			
275	280	285	
Ala Thr Ile Ala Ala Leu Ala Phe Ile Ala Pro Phe Ala Pro Phe Ile			
290	295	300	
Leu Val Val Gly Ala Leu Gly Ala Ala Phe Gly Leu Leu Tyr Asp Asp			
305	310	315	320
Tyr Lys Thr Trp Ala Glu Gly Gly Lys Ser Leu Phe Asp Trp Gly Ala			
325	330	335	
Phe Arg Lys Tyr Ile Asp Asp Ser Thr Leu Ser Val Asp Asn Leu Lys			
340	345	350	
Asn Ala Phe Ser Asn Leu Gly Lys Asp Met Leu Asn Asn Ala Ile Pro			
355	360	365	
Thr Leu Lys Gly Tyr Ala Glu Ile Leu Asp Lys Leu Val Ser Gly Asp			
370	375	380	
Phe Lys Gly Ala Ala Ser Gln Ala Trp Asp Met Leu Lys Asn Tyr Tyr			
385	390	395	400
Ser Arg Ala Ala Asp Phe Val Asp Asp Leu Thr Gly Gln Glu Gln Gly			

405 410 415

Thr Leu Ala Asn Thr Val Gly Asn Leu Ile Asn Pro Ser Asp Ser Ala

420 425 430

Ser Thr Thr Pro Ser Val Ser Gly Gly Ser Asn Ser Gly Asn Tyr Lys

435 440 445

Phe Lys Phe Gly Gly Gly Val Asp Gln Asp Ile Ser Asp Ala Ser Lys

450 455 460

Lys Tyr Gly Ile Asp Glu Lys Val Leu Arg Gly Phe Val Lys Met Glu

465 470 475 480

Ala Gly Trp Lys Gly Ala Met Ser Pro Thr Gly Ala Ile Gly Thr Gly

485 490 495

Gln Phe Ile Gln Ser Thr Trp Asn Ser Leu Ala Lys Thr Ser Glu Gly

500 505 510

Lys Glu Ile Gly Met Thr Glu Ile Asn Lys Ser Asn Phe Arg Lys Ala

515 520 525

Asn Asp Pro Arg Tyr Asn Lys Arg Ile Asn Thr Met Ala Thr Ala Leu

530 535 540

Leu Ala Lys Lys Asn Ala Asp Met Leu Arg Ala Ala Gly Leu Pro Val

545 550 555 560

Thr Gly Glu Asn Leu Tyr Met Met His Asn Ile Gly Pro Gly Val Ile

565 570 575

Pro Ala Leu Lys Gly Ala Val Ser Ser Ala Thr Glu Leu Ala Met

580 585 590

Arg Gln Asn Gly Lys Arg Ser Gly Glu Ser Ala Ala Gln Phe Ala Lys

595 600 605

Arg Gln Gln Ser Ile Phe Gln Ser His Tyr Ser Thr Ala Asn Ala Glu

610 615 620

Ala Ala Gln Asn Ala Leu Gln Ser Thr Arg Gln Gly Asp Phe Ile Asp

625 630 635 640

Leu Thr Lys Ala Arg Gln Asn Gln Ser Thr Ala Asn Lys Ala Asn Glu

645 650 655

Val Gln Val Asn Val Gly Asp Ile Asn Ile Gln Thr Ser Ser Ser Thr
 660 665 670
 Val Thr Gly Asn Val Gln Asp Ala Met Gly Ala Ile Lys Asp Gln Phe
 675 680 685
 Tyr Gln Phe Arg Asn Ser Phe Asn
 690 695
 <210> 17

<211> 170
 <212> PRT
 <213> Unknown
 <220><223> Bacteriophage YMC15/09/R1869_ABA_BP ORF73
 <400> 17
 Met Asn Phe Asp Lys Ala Phe Asp Thr Thr Ile Gly His Glu Gly Gly
 1 5 10 15
 Phe Thr Leu Asn Lys Asn Asp Ala Gly Asn Trp Thr Gly Gly Lys Val
 20 25 30
 Gly Val Gly Gln Leu Lys Gly Thr Lys Tyr Gly Ile Ala Ala Asn Ser
 35 40 45
 Tyr Pro Asn Leu Asp Ile Lys Asn Leu Thr Leu Asp Gln Ala Lys Ala

50 55 60
 Ile Tyr Lys Arg Asp Tyr Trp Asp Lys Ala Lys Cys Asp Leu Leu Pro
 65 70 75 80
 Glu Gly Leu Lys Phe His Val Phe Asp Val Ser Val Asn Ser Gly Val
 85 90 95
 Ser Arg Gly Ile Lys Thr Leu Gln Gln Ala Ala Gly Val Lys Asp Asp
 100 105 110
 Gly Ile Ile Gly Pro Asn Thr Leu Ala Ala Ile Lys Ser Phe Asp Glu
 115 120 125

Asn Glu Leu Leu Arg Phe Tyr Ser Phe Arg Ile Ser Phe Tyr Thr
 130 135 140
 Ser Leu Ser Ser Phe Ser Asn Phe Gly Lys Gly Trp Met Asn Arg Val
 145 150 155 160

Ala Asn Asn Leu Lys Leu Gly Thr Gly Gly

165

170

<210> 18

<211> 2091

<212> DNA

<213> Unknown

<220><223> Bacteriophage YMC15/09/R1869_ABA_BP ORF7

<400> 18

atggctgaaa atattgttga gtcgataatt gtaaagcttg ggttggacgg ctcaaatat 60

aat cgt gaag ccgaaaaagc taagt caaat aat gacaagc tgaataagtc tgtcagcgaa 120

accgataaga ttgttgtaa cgtaacaaag acttagcgc ggtggtttag cgtagctgcc 180

actgctactg gcattctaaa aatggttgat caagttcaaa agcttaatga tgagctttat 240

tttcttgaga aaaatttagg aatgtcatcg cagacaatta agaactggca aggcgctgct 300

ggcgcaatgg gcggtctgc tcaaggcatg actgaatcaa tcaagtcttt aaacatggc 360

atgaatgatt ttgtcacaat gggcgatacc accctattgc cattcatcaa tgctttgggt 420

gtcggcatgg tcgatgctca aggtaaacta agaaaaactg atgatgtgat gtttagacctt 480

gcggattcat tctctaaaat ggaccgtgag caagcattt ctattgcctc aaaaatggga 540

attgtatgaag gcacattcaa ttagctgtta caggggcgta aagaatgga gaagatgct 600

gaatatcgt ctaagatgta caagtccctcc gaagaagaat taaaagcatc tcggccaattt 660

gcgcaaaacc gtgcattgct aggtcagcat tggaaatcac ttaaaacaat gatggcaaat 720

gctatcatcc cgttatttgt gaaacttagt gaagtgcgt taggaatatt tgagtatctt 780

caagaaaaacc aacaaggcgt acaggcgta ttcaaaggca tatctttgt agttggcgct 840

attctcatcc caatttggc aaaggctacg attgcggctt tagcgttat cgctccattt 900

gctccat~~tta~~ ttcttagtgt agg~~gc~~cacta ggtgccgcat ttggcttgct ctat~~gt~~atgac 960

tacaaaacctt gggcagaagg tggtaagtct ttattcgatt ggggtgcatt tagaaagtat 1020

attgatgact cgactttatc tggtgataac ttgaaaaatg cttttagtaa tctcgccaa 1080

gacatgctga ataatgcaat accaacgctt aaaggttagt ctgaaattct tgataaatta 1140

gtgtctggtaatttaaaggaggcagcatcaaaagcttgggatatgtttaaaactactac 1200

tcaagagctg ctgatttgt tgatgactta actggtaaactggtaat 1260

actgttggta attgattaa tccttgtat tcggcttcaa ctactccaag cgtgagtgg 1320

ggtagtaatt ctggaaatta caaattcaag ttgttgccg gagttgacca agatattca 1380

gacgctcaa agaaatatgg aatagatgaa aaagtactga gaggtttgt taagatggaa	1440
gctggttgga aaggcgaat gtcaccaact ggagctatag gaacaggaca atttattcaa	1500
agcacatgga actcattagc caaaaacaagt gaggtaagg aaataggaat gactgaaatt	1560
aataaaagta attcagaaaa agccaatgac ccccgataca acaagcgcat taacactatg	1620
gctaccgcct tttggctaa aaaaaatcg gacatgtgc gggcagcagg ttacctgtg	1680
actggcgaaa acctatacat gatgcataac ataggaccag gggttataacc agcctaaaa	1740

ggtgagctg ttcttagtgc gactgaatta gcaatgcgac aaaatggcaa aagaagtggaa	1800
gaaagcgctg ctcaatttgc aaaaagacag cagtcgatat ttcaaagcca ctacagtact	1860
gcgaatgctg aagtgctca gaatgcactc caatccactc gtcaaggcga ctttattgac	1920
ttaaccaaag ctagacaaaa ccaatctact gcaaacaag ctaatgaagt ccaagtaat	1980
gtagtgata ttaacatcca aacatcatca agcactgtt ctggcaatgt gcaagatgca	2040
atgggtgcga ttaaagacca attctatcaa ttccgaaatt cattaatta g	2091

<210> 19

<211> 513

<212> DNA

<213> Unknown

<220><223> Bacteriophage YMC15/09/R1869_ABA_BP ORF73

<400> 19

atgaactttg acaaaggcatt tgatacgact atcgccatg agggcggatt tacactcaat	60
aaaaacgatg ctggcaactg gacaggtggc aaagttggag ttggtcagct aaagggtact	120
aagtatggaa ttgtgc当地 tagctatcca aacttgata ttaaaaatct tactttgat	180
caagcaaagg caatttataa gcgcgattac tggataagg caaagtgcga cttattacca	240
gaaggcttga aattccatgt ttttgc当地 tcggtaata gtggcgttag tcgtggcatc	300
aagacacttc aacaaggcgc tggtgtaaa gatgatggaa ttattggacc taacacattg	360

gcggctataa agtcatttga tgaaaatgaa ttgttattaa ggttctattc ttttgc当地	420
tcttttaca cgtcatthaag ctcattctct aattttggta aagggtggat gaatcgtgtt	480
gcgaataatc ttaagcttgg cactggcggt taa	513